

Fig. 1: pG1 (SEQ ID 1)

ATTTCCACCCCCATCCCAGTAGAATGTAGGGTCCCCAAACATTTGCTCCCCCTAG
TCTCCAGGGAAATGTAAAATATACTGCTAATAGAAAACAGTAAGACGCTCAGTTGT
5 CAGGATAATTACGTTTCGACTGTAGTAAAACAGGAATCTGTATTGTTAGAAAGAACG
AGAGTTTTTTACGGCGCCGCCATATTGGGCCGTGTGAAAACAGCTTGAAACCCCA
CTACTTTCAAAGGTTCTGTTGCTATACACGAACCATGTTTAACCAACCTCGCTTTT
GACTTGACTGAAGTCATCGGTTAACAATCAAGTACCCTAGTCTGTCTGAATGCTCC
TTTCCATATTCAGTAGGTGTTTCTTGCACTTTTGCATGCACTGCGGAAGAATTAGC
10 CAATAGCGCGTTTCATATGCGCTTTTACCCCTCTTTTGTCAAGCGCAAAATGCCT
GTAAGATTTGGTGGGGGTGTGAGCCGTTAGCTGAAGTACAACAGGCTAATTCCCT
GAAAAAACTGCAGATAGACTTCAAGATCTCAGGGATTCCCACTATTTGGTATTCTG
ATATGTTTTTTCCTGATATGCATCAAACTCTAATCTAAACCTGAATCTCCGCTATT
TTTTTTTTTTTTTGTATGACCCCGTTTTCGTGACAAATTAATTTCCAACGGGGTCTT
15 GTCCGGATAAGAGAATTTTGTGTTGATTATCCGTTCCGATAAATGGACGCCTGCTCC
ATATTTTTCCGGTTATTACCCACCTGGAAGTGCCCAAGATTTTCCGGGGATTACG
GATAATACGGTGGTCTGGATTAATTAATACGCCAAGTCTTACATTTTGTTGCAGTC
TCGTGCGAGTATGTGCAATAATAACAAGATGAGCCAATTTATTGGATTAGTTGCA
GCTTGACCCCGCCATAGCTAGGCATAGCCAAGTGCTATGGGTGTTAGATGATGCA
20 CTTGGATGCAGTGAGTTTTGGAGTATAAAAGATCCTTAAATTCACCCCTT

Fig. 2: pG3 (SEQ ID 2)

GTAAATAGCGGCAGCAATCCAGTAACCTTTTCTGAATAGCAGAGCCTTAACATAAA
TAATGGCCAGGGTAAAAAATTCGAAATTTGACACCAAAAATAAAGACTTGTCGTTA
5 TAAGTCTTAACAAAGTCCGCAATTTTGGAGCTAACGGTGGCGGTTGCTGGGATAT
TCAATAATGGTAGAATGTTGCTGCGGGTATATGACAGAGCGTGAAACACACTGAA
CAAGGTAAATGGAACAACAGCAATTGCAATATGGGGGAGGATAGTCAAGAACAAA
GCAGCAATGGCAAAGTACTGAATATTCTCCAAAGCCAAAAGGTCCAGTGGTTTCA
ACGACAAAGTCTTGTTGGTATAGCTTTGGAACAAAAGGACACCGAAAGACTCGAC
10 AGCGCCCACAAATACAGCGTTGTAGAAGAACGAATTGATTGCTCCAGAGCTTCTA
ATAGTCAGAAGATACCCCAAACCTCCGAGCAACGTTAGCACATGACCTAAGAACC
AGGCGAAGTGAAGAGTCTGGAATAACGACACCCAGTCAGTTTTTCTGAGCTCCT
GGTGGGATTGGTAGAAGCATTTGATTTGCTTGGAGTGGTTTTATTTGAAGATGGT
GTTGAAGCCATTGTTGCTAAAGAGTCGGAGTTTTGCTTTTAGGGTTTGTTAAGCAA
15 AGGAGGAAAAACTGCGCCGTTTGAAGTCCCAGGTAGTTTCGCGTGTGAGGCCAG
CCAGGGAAAGCTTCCTTCGGTACTTTTTTTCTTTTGCAGGTTCCGGACGGATTAA
GCTTCGGGTTATGAGGGGGGCGGTAGCCAATTCCGGACACAATATTGCGTCGCA
GCTAGTCACCCCGCCATAAATATACGCAGGATTGAGGTAATAACATCGATAGTCTT
AGTAATTAATAACAATTCAGTGGCGAATTTGGCAACATGACGTAAGGCCCACTGTTG
20 TCTATAAAAGGGGATGAATTTTCATGTTTTTGAGGCCTCCCGGACAATTTATTGAA
CTCAA

Fig. 3: pG4 (SEQ ID 4)

TGGA CTGT TCAATTTGAAGTCGATGCTGACGATGTCAAGAGAGATGCTCAATTATA
TTTGTCAATTTGCTGGTTACACTGGAAACGCTACTTTTGTGGCGGAAACTCTACCA
5 GTTTGGCCGTCCATGTAAACGATGTCGTTCTGGGCCGTGACCGTTTCAACACGAA
CATAACCAATGACAAATCCACTTACAGGTCTAGTTCATATGGAGGCAATTGGTACC
TTACTTCTTTGGATGTCCCAAGTGGGGCTTTAACGTCTGGTACTAACAATGTCTCG
TTTGTCACTACAAACTCCGAGGTAAATAAAGGATTCTTGTGGGATTCTCTCAAGTT
TGTTTGGAAGTTGTAACAGGTTTATAAGCATATCGTGCGCTTGTCCACAATTGAAT
10 CATTTATTGTTGCGAGATACATGAACAAAGTGTGAACTGGGACCCATTACTACAAT
TCCCACGCAACCGTTGTTTCAAAGCCCATATTTTTTGACAATTGTTTCGTTACACC
CCCAGTTTGATGTACATCGCTTGCAATGATGTGTGTCCCGGAGTATTTTCCATATT
CAGCTTGAATTCGTATACTCAACCAATATCTGGGGGTATACTTTTATGTAACCTATA
CAAATCAACTATACTATTTACCTTTTCGACCAATCATCTCCCATCTTGTTAAGTTTT
15 GCTTCCTATATCCCTGACCCTGACATCACCCATGATTCCGCTCAACGGTTCTCCTC
TACATCGTCCCTCTTTTGGAGAGGGTGTTTCAAGTTTGACATTCAAATTACCCCCCGC
CATCACGCGCAACCGAGACCGCACCCCCGAATTTTCACAAATTACCCACACCCCT
ATACTCCACCACTATGAGGGTTATTAGAACTGATCACGTATAAATACCACCGCAAG
TTCCCAAGGGATCGTGTTCTTCTTCTCCAATTGCAATCATATTTCTGACTCTTTCTA
20 GTTCAGATTAATTCCTTTACACTTGCTTTTTTCCCTTACCTTTATCC

Fig. 4: pG6 (SEQ ID 3)

AGACCAGCAGTTTAACTACGCAAATCCACAGGAATTTCTACATCACAATACCAATG
GTAATACCACGACGTCAAGGAATGGAAACGACGACTTGGAGGAAGACTTCGTCAA
5 CCTCTTGCGGAGTACCCGAGGCTAAGACAATAAGAAGAAAAAAAAAAGAAAAGCG
GTGGGGGAGGGATTATTAATAAGGATTATGTAACCCCAGGGTACCGTTCTATAC
ATATTTAAGGATTATTTAGGACAATCGATGAAATCGGCATCAAACCTGGATGGGAGT
ATAGTGTCCGGATAATCGGATAAATCATCTTGCGAGGAGCCGCTTGGTTGGTTGG
TGAGAGGAGTGAAATATGTGTCTCCTCACCCAAGAATCGCGATATCAGCACCCCTG
10 TGGGGGACACTATTGGCCTCCCTCCCAAACCTTCGATGTGGTAGTGCTTTATTAT
ATTGATTACATTGATTACATAGCTAAACCCTGCCTGGTTGCAAGTTGAGCTCCGAA
TTCCAATATTAGTAAAATGCCTGCAAGATAACCTCGGTATGGCGTCCGACCCCGC
TTAATTATTTTAACTCCTTTCCAACGAGGACTTCGTAATTTTTTGATTAGGGAGTTGA
GAAACGGGGGGTCTTGATACCTCCTCGATTTTCAGATCCCACCCCCTCTCAGTCCC
15 AAGTGGGACCCCCCTCGGCCGTGAAATGCGCGCACTTTAGTTTTTTTCGCATGTA
AACGCCGGTGTCCGTCAATTAAGTTCGCAGACTAGGGTGAACCTTACCATTTTT
GTCGCACTCCGTCTCCTCGGAATAGGGGTGTAGTAATTCTGCAGTAGTGCAATTT
TTACCCCGCCAAGGGGGGGCGAAAAGAGACGACCTCATCACGCATTCTCCAGTC
GCTCTCTACGCCTACAGCACCGACGTAGTTAACTTTCTCCCATATATAAAGCAATT
20 GCCATTCCCCTGAAAACCTTTAACCTCTGCTTTTTCTTGATTTTTCTTGCCCAAAGA
AAAG

Fig. 5: pG7 (SEQ ID 5)

AATTGATTAAGTTCAGTGAAATTTCAAACCGCTATACACAACAGGACAACCTTTGAG
TTTAGAAAAATCCGATGTAGTGTAACGGCTAGCACGGTCCGCTTTCACCGGGCAG
5 ACCCGGGTTCGACTCCCGGCATCGGAGTTTATTTTTCCATTTTCGTTCTTTAGAGTA
TTCTCCTCAGCATGCCCCCTGAATTTTTCTTTTTTCCATGTGTCCCATTTTTCCA
CTTTTTTTACAGTTTTCTCGTGATGTTAATTGGCTACACAAAAGCTGCCACACGA
AACCTTAATCACGAAAACTATACAGCCTTCACTAATCCGTAGCCCCATAATATGT
TGTCCACGTGCTGTTGGGTACTACCTGTAGACTCTCATACCCCACTCCGTCTTTCT
10 CCAACAATTAACGCAGTACCGAGATTTATCAGCAGACTCAAATTGGGCAAACTCT
GTATTTTTCTTGCCCGCATAATTTATGGGTCTCAGGCCTCCACGTTTCCTGTTTA
CTTGAAGAATATTGGCTGCGGAAAAAGTGGTAAGGACAACCCCTTTTAATTGGA
TCCAGTTTTTCCGAAATGTTCCGATCCGTACGTCATCTCCGAAGCCGTACATTTTC
ACTCAATCTACGTAGCTTTGGACTCAGCGCTCCTGGAATTGCCAGGACAGTTTAC
15 TTGAGTTGATATTCCCTTG TAGATTGTGTGCTTCTTTTTCCAAAATTTGAGGCTTCG
TTTGAAAAGTGGAATCTGGTCGCTAGATCACTTCATGCCTATTTTTTACCGGAAAAA
TAAGTGGTACTATGCACCCCTTAAACCTAAAGAAAAACGGAAAAATTACCCCAAAA
CCTGGTGATGTTTTTCGCCCTTTCTTTTTATCCGAGTTTTTCTTTTTCTTGTCTG
CCAAATTCCTCTCCTGACCTTAGCGTCCCGGAAAAAATTAATACTTAAGGACCG
20 AATGAGCCCCAGCTTTTCCCCTTCTCTTCATTATTCCCCATAATATAAT

Fig. 6: pG8 (SEQ ID 6)

CTGCACAACCATTGCCAGTAAGGACGAAGAGAAGGCCCCACTACCCAAAATTTCAG
GATAACGTCTTCATACCATGCAGCGACGCCTACAAGACGCTGTCAAGACATGCCA
5 ACTTCAACGAAGTGAAC TTAAACACATTGATCGGGAAATTGACCACCAAGGGAAT
GCTGGTTGAGGCTGGAAGCGTTGCCAGTGTCTGAGGGAACTGGACCGAAAGTT
TAGTAATGCATAAGAGGATATATATAGGAATGCAGTAATAATATTAGTACCCATTAA
GTGGGCTAAGCCATTGGAAGGCCGTCTGACTGATGGTGGTGTCTTCTCATTTAG
ATAGTGCATTTGCAACTACCGTCTGAGATTGAGTTTGATGTGAAGCTCCAGCGCC
10 AAAACAGTATAAGAACCTTATCTCCGCATTATTGTTCTTGCGTAAAAGTTTGTGTGA
AGAAACAGGGGTAGTTGCGCAGATTAGTTGTAATATGCGCATAGGATGGGTCATT
GACTTCTTTCCTCGAAAGAGCCACACCGTTAGCTAAAAAAGGACGCGCATCTACC
CCAAAATAGAATGTGGGGAAATAGGACGCGCAACTTCCTCTCAATCACTGGACGT
CAGAAAAACAAATGCGCAATCGAGTCACCCTCCGTGATACCCTCCGTGATACCCC
15 CTCTCCGTCTATTCTGACAGCGTCTCCCCATGACGTTTCAATCTACTTAGAAAAGA
TTTCGTTTTTTTTTTCCTTCAATTACACGATCTCATCTTCTGCAAGGGTCTGGAGGAC
ATCACCAATCTGCGACTCCATAACTTAGTCCTGAGTTTATATTTACGCTTCATCTGA
TGAGTAGGAAGAAAAAGTTTCACGAAATTCCCCCGCCAACTTGCCCTTCGGAATA
AGCAGCCACTCTCCTTCTGCCCATAGTAAGCTTGCGCGAGGCCCAACTTGGCC
20 AGAAACTTTAAATATGCCAAACAATCTCCCCCAATCTAAGTTCTCCCTCTTCTAAAA
A

Fig. 7: G1 (SEQ ID 7)

ATGTCCTCGTTTTTTCTAAACAACCAAACAGTAAAGATGATGACGCCTTTGGGAAG
AGCTAGAGCTCTAAATTTTCAGGGCAAAGTTTATGATAAATTTCCAAAACTTACAA
5 TATCTACGCTATTGCAATAACAGCCACCGTTTCTGGACTGATGTTTCGGTTTTTGATA
TTTCTTCTGTGTCCTCGTTCTGTAAGTCAGGATCATTACAGAACTACTTCAACCGT
CCCGACAGTTTGACGCAAGGGGGTATCACCGCAAGTATGGCTGGAGGTTCTTTCT
TGGGTTTCGTTATTTTCTTCTGACTTCCAGGATATCTTTGGAAGAAGAGTTGCTCTG
CATATGTGCAGTGTCTCTGGATTATCGGGGCCATTCTTCAATGCGCTGCACAAA
10 ACCAAGGTATGCTGATCGCAGGGAGATTGATTTCCGGTATCGGTGTCTGGGTTTGG
TTCAGCTTCAGCTCCAGTCTATTGTTCTGAAGTTGCTCCAGCAAAGATTAGAGGAA
TGATTGGAGGATTATTTCAATTTTCTGTCACTGTGGGTATCATGATAATGTTTTATA
TCGGATATGGATGTCACCTACATTGACGGCGTTGCATCATTTAGACTGGCCTGGGG
TTTGCAAATGGTTCCAGGTCTTATTCTTTTGGTCGGTGTATTCTTCCTTCCTGAGT
15 CTCCAAGATGGCTGGCTAACCACAACCGCTGGGAAGACGCAGTTGAGGTTATTG
CTAATGTTGTTGCAAAAGGTGACAGAGAAAACGCCGATGTGCGTCTGCAATTGGA
TGAAGTTCAGGAGCAACTATTGATTGACAAAGATGCTTCTGATTTTGGTTACCTTG
ATTTGTTTAAGAAAGATTGTATCAAACGTACCTTCATTGGAGTGTCAGCTCAAGTG
TGGCAACAACCTTTGTGGTATTAATGTTGCAATGTACTACGTTGTGTATCTCTTCCA
20 AATGGCTGGTTTTTACTGGAAATGTGGCGTTGGTATCGTCCTCAATTCAATATGTTT
TGAATGTTGTTATGACTGTTCCAGCTTTGTTTCTAATGGACCGTATAGGCAGACGA
CCCCTACTAATTGGTGGTGGTATTTTCATGTGTATTTGGCTGTTTGGAGTGGCAG
GATTATTAGGCACTTACTCTGAACCAATTGAAAATTTAGCGGTGATGATACTGTC
AGAATTACTATTCCTGACCAGCACAAAGGCTGCAGCAAGGGGTGTTATTGCCTGTT
25 CCTATCTATTCGTGTGCTCCTTTGCTCCAACCTGGGGTATCTGCATTTGGGTTTAT
GCCTCTGAAATTTTCAACAACAGACAAAGAGCAAAGGGAGCAGCATTTGCTGCCT
CCGCTAACTGGATTTTCAACTTTGCCTTGGCTATGTTTCGTGCCATCAGCCTTTAGA
AACATTACATGGAAGACTTACATCATTTTTTGGAGTATTTTCGTTCTGCTTAACAATC
CATGTTTTCTTACAATTCCCAGAAACCAGAGGTAAGACTTTGGAAGAAATTGATCA
30 AATGTTTAAGGACAATATTCCAGCTTGGAGAAGTGCTTCGTACGTTCCAGATATGC
CAATTTTCAACAAAGAGAAGGTAGTATCTACTGAGCATGCAGAAAATGCTTCCAGC
TCGTCCGAAAAAGCCTTGATGGTTCAGGAAGAGGAATCTGTATAA

Fig. 8: G3 (SEQ ID 8)

ATGGTAGTTGCAATCGAAGGTGGTACAGGCTTAGGCCTTATGAATCTTACTTGGA
AACCAACTCCAACCCCAATTGATGATGCAATTGAGACAATTAGATATGCTGTTGAG
5 GAAGCTGGTGTGAGATACTTGAACGGAGGAGAGTTCTACAACCTTCTCTTGATT
CAAACCTGAATTTGCAGTACATTCAGGAATTTGCAAAAAGGTACCCCGAGCTATAT
AAAAAGGTGAGTCTGTTCGGTAAAAGGTGCTGTCAGTTTGGTCGATGTGAGCCCCG
ATTCTTCCCGGAGAACCTTGAAAAATCGATTTCAAACATAACCAAACATTTGCCG
AACAACTTCCTGCCAATTTTTGAGCCTGCTAGAATCGATAAACGTTACTCCATTGA
10 GGAGACAATAAAGAATCTCTCTAAGTTCGTGCGAAGATGGCAGAATTGGAGGTATT
TCACTTAGTGAAGTTGGTGCTGACACTATCAGAAGAGCTGCGAAAGTGGCTCCCA
TCGCCTGTGTGGAAGTGGAGTTTTCTCTATTGACTAGAGATATTCTTCATAATGGA
GTTCTTGCTGCTTGTGAGGATTTGAACATTCCTATTATTGCCTACAGTCCCTTGGG
AAGAGGATTTTTGACTGGAACGATAAACAGCAAAGCTGACATTCCTGAAGGTGAT
15 ATCAGGTTAAGTTTGGAAAGATTCAATGACGATGAAGTTATTGAACACAATTTGAA
ACTTGTTACGCGTTTGAAAAAGATAGCCGACAAAAAAGGAGTCACATTGGCTCAAT
TGTCTCTTGCGTGGTTACGAAAGTTTGGAGATAAACACGTCAAGGTGCTTCCTATT
CCAAGCTGCTCATCTCCTCGTAGAGTTGCAGAAAACACAAAAGAGATTTCTTGA
CTGATAGCGAGTTCCAGGAGATTACTGACTTTGCAGAGTCGGTTCCAATCAAAGG
20 TGGTCGTTACAACAAAGCAAGTGAGGCTGTTCTTAACGGTTAG

Fig. 9: G4 (SEQ ID 9)

ATGACATTTGCTCCTCCCTTAGAATTCGAGATTGACCTTCCTAACGGATTGAAGTA
CACTCAACCATTTGGGACTCTTCATCAACAATGAGTTTGTTGAAGGTGTAGAGGGA
5 AAGCTCTTACCAGTGATCAATCCTTGTGATGAGACTAAAATAACCCAAGTTTGGA
AGCTTCTGCAGCGGATGTTGACCGTGCTGTTGATGCCGCTGAAGATGCTTTCAAC
AACTCCGTATGGGCTACTCAGGACCCATTAGAGAGGGGAAAGCTGATGAACAAAT
TGGCAGACCTTATCGATCGTGACTTCAACATCTTGGCTGGTATCGAATCCATCGA
CAATGGTAAGGCCTATACCTCTGCCCAGGGTGATGTTACTCTTGCTGTCAACTAC
10 ATCAGATCCTGTGCTGGATGGGCCGACAAGATTTTGGGAAACGTTGTTGATTCCG
GAAACACCCACCTTAACTTGGTTAAAAGAGAGCCATTGGGTGTTGTGGGACAAAT
TATCCCATGGAACTTTCCTCTCCTGATGTTGGCTTGGAAGTTGGGACCTGCGCTG
GCCACAGGTAACACTGTTGTTTTGAAGACTGCCGAGTCTACCCCTCTGTCGGGTT
TATACGTTGCCAAATTGATCAAGGAGGCCGTTTCCACCTGGTGTGGTTAACAT
15 TCTCAGTGGTTTCGGTAACCCAGCTGGAGCTGCCATCGCTGCTCATCCCAGAATC
AAGAAGATTGCTTTCACCGGATCCACTGCAACAGGCCGTAAGATCATGGAAGCAG
CCGCTAAATCTAACCTGAAAAAAGTCACTTTGGAAGTAGGTGGTAAATCTCCAAAC
ATTGTGTTTGAAGATGCTGATATCCAGAAGACTATCCATAACATTATTTTGGGAAT
CTTCTTCAATTCTGGTGAAGTCTGTTGTGCAGGTTCCAGAGTCTACATTCAAGACA
20 CTGTGTATGAAGAAGTGCTTGAAGCCTTCAAGAAGGAGACTGATAACGTTAAGGT
TGGTGGACCATTCGAAGAAGGTGTCTTCCAAGGGCCTCAGACCTCTGAGTTGCAA
CTTAACAGAATCCTTAGTTACATCAAACACGGTAAGGATGAAGGTGCTCGTGTAAT
TACCGGTGGTTCAAGATACCGTAACCGAGGTTACTACATTAAGCCCACAATTTTG
CTGACGTTACTGAAGACATGAAGATTGTCAAGGAGGAGATTTTTGGTCCTGTGGT
25 TACTATCACTAAGTTCTCTACCGTGGATGAGGTTGTTGGATATGCCAACAACACCA
ACTATGGTCTAGCTGCTGGTATTCACACAAACAACCTTGAACAAAGCCATTGATGTT
GCCAGTAGAATCAAGGCGGGTGTCGTTTGGATTAAACACCTACAACGATTTCCACC
ACATGGTTCCTTTCGGAGGTTATGGAGAATCTGGTATTGGCAGAGAGCTTGGTGC
TGAGGCTTTGGATAACTCACTCAAGCCAAGGCTATCAGAATTGCTTACACTCCTG
30 AACATAAGTAG

Fig. 10: G6 (SEQ ID 10)

ATGCTTAGAACTTCTCCAGCTACTAAGAAAGCTCTCAAGTCGCAGATTAACGCCTT
CAACGTTGCTGCCTTGAGATTCTACTCCTCATTGCCTTTGCAGGTTCCAATTACCT
5 TGCCAAACGGTAAGACCTACAATCAGCCAACAGGTTTGTATTATCAACAATGAGTTC
GTTCTTCTAAGCAAGGTAAGACCTTTGCTGTTTTAAACCCTTCCACTGAGGAGGA
GATTACTCACGTCTACGAGTCCAGAGAGGACGACGTTGAGTTAGCCGTTGCAGC
CGCTCAAAGGCTTTGACTCAACCTGGTCCACCCAGGACCCTGCTGAGAGAGG
TAAGGTCTTGAACAAGTTGGCTGACCTGATCGAGGAGCACTCTGAGACCCTTGCC
10 GCCATCGAGTCCTTGGACAACGGTAAGGCCATTTCTCCGCTAGAGGTGATGTTG
GTCTGGTTGTCGCCTACTTGAAGTCCTGTGCCGGTTGGGCCGACAAGGTTTTCG
GTAGAGTTGTTGAAACCGGAAGCTCCCACTTCAACTACGTTAGAAGAGAGCCATT
GGGTGTTTGTGGTCAGATTATCCCATGGAACCTTTCTCTTCTGATGTGGTCCTGG
AAAGTTGGTCCAGCTTTGGCCACTGGTAACACTGTTGTCCTGAAGACAGCCGAGT
15 CTA CTCTCTGTCCGCCCTGTACGTTTCCCAATTGGTCAAGGAGGCCGGTATCCC
AGCTGGTGTCCACAACATTGTGTCCGGTTTTCGGTAAGATTACTGGTGAAGCTATT
GCTACTCATCCTAAGATCAAGAAGGTTGCCTTCACTGGTTCTACCGCCACTGGTC
GTCACATCATGAAGGCTGCTGCCGAATCCAACCTTGAAGAAGGTTACTTTGGAGTT
GGGTGGTAAATCTCCTAACATCGTGTTCAACGATGCTAACATTAAGCAAGCTGTC
20 GCCAACATCATCCTCGGTATTTACTACAACCTCTGGAGAAGTTTGTGTTGTGCTGGTTC
CAGAGTTTATGTTCAATCCGGTATTTACGACGAGCTTTTGGCCGAATTCAAGACTG
CTGCTGAGAATGTCAAGGTTGGTAACCCATTCGACGAGGACACCTTCCAAGGTGC
TCAAACCTCTCAGCAACAATTGGAGAAGATTTTGGGTTTCGTTGAGCGTGGTAAG
AAGGACGGTGCTACTTTGATTACTGGTGGTGGCAGATTAGGTGACAAGGGTTACT
25 TCGTCCAGCCAACTATCTTCGGTGATGTTACACCAGAGATGGAGATTGTCAAGGA
AGAGATCTTTGGTCCTGTTGTCACTATCAGCAAGTTTGACACCATTGATGAGGTTG
TCGACCTTGCTAACGACTCTCAATACGGTCTTGCTGCTGGTATCCACTCTGACGA
TATCAACAAGGTCATTGACGTTGCTGCTAGAATCAAGTCCGGTACCGTGTGGGTC
AACACCTACAACGATTTCCACCAAATGGTTCCATTCCGGTGGATTTGGCCAATCCG
30 GTATTGGTCGTGAGATGGGTGTTGAAGCTTTGGAAAACCTACACCCAATACAAGGC
TATCCGTGTCAAGATCAACCACAAGAACGAGTAA

Fig. 11: G7 (SEQ ID 11)

ATGAGTTCAACAGATATCCAAGGTGATCAAGGTGACAATGAAAAGATATACGCCA
TTGAGAGCAGTCCCTCCAATGAGCAAATAAAAGATATTCATGAGGCTCCGGCCGA
5 CAACAAAAGTGAAGTAGACATCCCAGTCAAACCCAAGGGTTCCTATATCTTGGTGT
CTGTGTTATGTCTTCTAGTCGCATTCGGTGGTTTCGTGTTCCGGTTGGGATACCGG
TACCATCTCAGGTTTCGTTAACATGTCTGACTTTACGAGACGTTTCGGACAGTTTA
ACGGTGAAACGTATTACCTTTCTAAAGTGAGAGTTGGTTTAATTGTTTCTATTTTCA
ACATTGGTTGTGCTATCGGAGGTGTCACCTAGGTAAACTTGGTGACATTTGGGG
10 TAGAAAGAAGGCTTTGATGTTTCGTCATGGTCATCTATATGGTCGGTATTTTGATT
AAATTGCTTCCATTGACAAATGGTACCAGTATTTTATTGGAAGAATTATTGCAGGT
CTGGCCGTCCGGTGAGTTTCCGTTTTATCCCCCATGTTTCATCAGTGAGACTTCTC
CTAAACACATCAGAGGTTCCCTAGTCTCCTGCTACCAATTAATGATTACAGCCGGT
ATTTTCTTGGGTTACTGTACCACTTACGGAACCAAGACTTACACCGACTCCACCCA
15 ATGGAGAGTTCCTTTGGGATTGTGTTTCGCTTGGGCCATTCTGATGATTGTTGGTA
TGACCTTCATGCCAGAGTCCCCACGTTTCTTGGTTGAGGTTAACAGAGTCGACGA
GGCTATGAAGTCCATTGCCAGAGTTAACAAGGTCTCTATCGACGATCCATCTGTC
TACAATGAGATGAGACTTATTTCTGACGGTATTGAGAAGGAGAAGGAGGCTGGTA
GCGTTTCTTGGGGTGAAGTGTTCACCTGGTAAGCCAAAGATTTTCTACCGTCTATTG
20 ATTGGTATTTTCATGCAATCTTTGCAACAATTGACCGGTAACAACCTATTTCTTCTAC
TACGGAACTACCATTTTCAAGGCTGTCCGATTGGACGATTCTTTCCAACTTCTAT
CATTCTTGGTGTGTCATTTTGCTTCCACATTCCTAGGTATCTACACCATGGATAA
ATTTGGTAGAAGAAGAACAACCTTTTAGGAGGTTCTGGAGCCATGGTTGTTTGTGG
TCATTTTCAGTTCCGTTGGTGTCAAGTCTCTTTATGAGAACGGTAAGGATGATCCA
25 TCCAAACCAGCAGGTAACGCCATGATTGTCTTCACCTGTCTGTTCATTTTCTTCTT
TGCATGTACCTGGGCTCCAGGTGTTTTCGTCGTTGTGTCTGAAACCTACCCACTT
AGAATTAGATCCAAGGGTATGGCCATCGCTCAAGGTTCCAATTGGCTTTGGGGTT
TCCTCATTGCCTTCTTCACTCCATTTATCTCAGGTGCCATTGATTTGCCTACGGT
TACGTCTTTATGGGATGTACTCTGTTTCGCTTCTTCTTTGTGTACTTCTTCGTTCC
30 GAAACCAAGGGTCTGTGCTGGAAGACGTTGATGAAGTCTATGAGAACCTTACCT
TCGGAAGAGCATATGCATACAGCCACACGATTAAAGACAAGGGCGCCCTATAA

Fig. 12: G8 (SEQ ID 12)

ATGGCCCTATCTCCTACCTATCAGGGCTACATATCTACCACTGGCGACGCGTTGA
TCGTGATCCAGGCAGCTCTAAATAACCATTTGAATCTTCTTCCCCGAAGACCAAGA
5 GAAAGAGAGCGAGATGGGCTAATACGATCAGGTAACGTATTTGTTTTTGTGAGC
AACGGTCTCATATCAAACGATGGACCGATGGTATCCCCTGGTCTCCATCTAGAGT
CCTTGGAAGTTCTTGTTGTATCGGGAAGTGGACAAGGATACCCCCAAAACTCG
CAAAGTGACGAAGATACTGAGGAGGGGAGAAAGAGGCGAAAGACTTCTGTGGAT
GTAACCGATCCAAATACCAGGCAGTTGGTGGGATCATTGGTGAAGTTCCTATGACT
10 TCAAAGAGGATGGACTTATTAACAAAAACACTCTCCTTGACTTTCCAGACCGGTGCT
AATGAAGAAAGGGAAACAGTGCAGTTGATTAGTTATTATACTCCGGAAGATGTAAC
GAACCATCGTTTGAACAGGCCGTCTGACAATCCATATCTGGCCAATATCACTGTTT
CAGAGTCATTATTGACTGCCTTGAGAGAGAGTACCCTTGGAGGAAGAGCAACGTC
TGATGACGAGCTTTCTTTAGTCAGAAGTAACTCGTTAGAGTACCAAGAGGTACCAA
15 TGAACATATCTATGTCTTTACCTTTATCAACTCCACTTTCTTGAACACAGGAGTAA
ACTCAACTACCCAGCTGCAACAGCAACAACACTACAACAACAACAGCAACAGCA
ACAGCAGCAGCAACAACAGCAGCAACAACAGCAACCGGTAGCATCCCTTCCAAA
ATTTGATGGATCCTTTCTATTACAACAGGGTGTAATTCCAGTTCCTCATTTCATGGA
CCAAAAAATGGGAAGTAGCAATTCGTGGATTAACAATTGGTTTCGTCCAAATTCGT
20 CAGAATCAAATGGGCTATCGGTTATCGGACCTCACAAGGGATATGACGAACAAAG
TCCAGCAACGAGTTATACTTTGAATGAACGTTGA

Fig. 13: pGAP (SEQ ID 13)

CTTTTTTGTAGAAATGTCTTGGTGTCCCTCGTCCAATCAGGTAGCCATCTCTGAAAT
ATCTGGCTCCGTTGCAACTCCGAACGACCTGCTGGCAACGTAAAATTCTCCGGGG
5 TAAAACTTAAATGTGGAGTAATGGAACCAGAAACGTCTCTTCCCTTCTCTCTCCTT
CCACCGCCCGTTACCGTCCCTAGGAAATTTTACTCTGCTGGAGAGCTTCTTCTAC
GGCCCCCTTGCAGCAATGCTCTTCCCAGCATTACGTTGCGGGTAAAACGGAGGT
CGTGTACCCGACCTAGCAGCCCAGGGATGGAAAAGTCCCGGCCGTCGCTGGCAA
TAATAGCGGGCGGACGCATGTCATGAGATTATTGGAAACCACCAGAATCGAATAT
10 AAAAGGCGAACACCTTTCCCAATTTTGGTTTCTCCTGACCCAAAGACTTTAAATTT
AATTTATTTGTCCCTATTTCAATCAATTGAACAACCTATCACCTGCAGGCC

Fig. 14

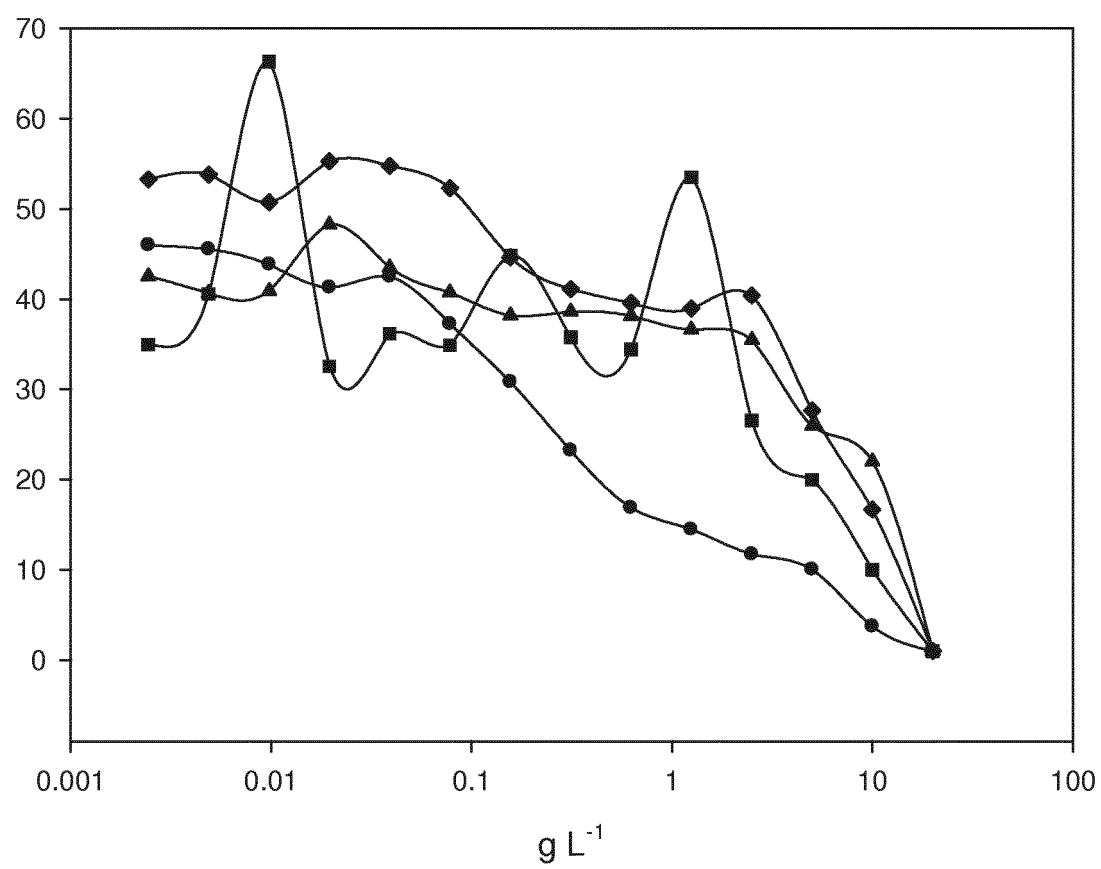


Fig. 15

pG1a (SEQ ID 41)

5
GGAATCTGTATTGTTAGAAAGAACGAGAGTTTTTTACGGCGCCGCCATATTGGGC
CGTGTGAAAACAGCTTGAAACCCCACTACTTTCAAAGGTTCTGTTGCTATACACGA
ACCATGTTTAACCAACCTCGCTTTTGACTTGACTGAAGTCATCGGTAAACAATCAA
GTACCCTAGTCTGTCTGAATGCTCCTTTCCATATTCAGTAGGTGTTTCTTGCACTT
10 TTGCATGCACTGCGGAAGAATTAGCCAATAGCGCGTTTCATATGCGCTTTTACCC
CCTCTTTTGTCAAGCGCAAAATGCCTGTAAGATTTGGTGGGGGTGTGAGCCGTTA
GCTGAAGTACAACAGGCTAATTCCCTGAAAAAACTGCAGATAGACTTCAAGATCTC
AGGGATTCCCACTATTTGGTATTCTGATATGTTTTTCCTGATATGCATCAAACTCT
AATCTAAAACCTGAATCTCCGCTATTTTTTTTTTTTTTTTGGATGACCCCGTTTTTCGT
15 GACAAATTAATTTCCAACGGGGTCTTGTCCGGATAAGAGAATTTTGTTTGATTATC
CGTTCGGATAAATGGACGCCTGCTCCATATTTTTCCGGTTATTACCCACCTGGAA
GTGCCCAGAATTTTCCGGGGATTACGGATAATACGGTGGTCTGGATTAATTAATA
CGCCAAGTCTTACATTTTGTGTCAGTCTCGTGCGAGTATGTGCAATAATAACAAG
ATGAGCCAATTTATTGGATTAGTTGCAGCTTGACCCCGCCATAGCTAGGCATAGC
20 CAAGTGCTATGGGTGTTAGATGATGCACTTGGATGCAGTGAGTTTTGGAGTATAA
AAGATCCTTAAAATTCCACCCTT

Fig. 15 (continued)

pG1b (SEQ ID 42)

5 CCATATTCAGTAGGTGTTTCTTGCACTTTTGCATGCACTGCGGAAGAATTAGCCAA
TAGCGCGTTTCATATGCGCTTTTACCCCTCTTTTGTCAAGCGCAAAATGCCTGTA
AGATTTGGTGGGGGTGTGAGCCGTTAGCTGAAGTACAACAGGCTAATTCCCTGAA
AAACTGCAGATAGACTTCAAGATCTCAGGGATTCCCACTATTTGGTATTCTGATA
TGTTTTTCTGATATGCATCAAACTCTAATCTAAAACCTGAATCTCCGCTATTTTT
10 TTTTTTTTTTGTGATGACCCCGTTTTCGTGACAAATTAATTTCCAACGGGGTCTTGTC
CGGATAAGAGAATTTTGTGTTGATTATCCGTTCCGATAAATGGACGCCTGCTCCATA
TTTTTCCGGTTATTACCCACCTGGAAGTGCCCAAGATTTTCCGGGGATTACGGA
TAATACGGTGGTCTGGATTAATTAATACGCCAAGTCTTACATTTTGTGTCAGTCTC
GTGCGAGTATGTGCAATAATAACAAGATGAGCCAATTTATTGGATTAGTTGCAGC
15 TTGACCCCGCCATAGCTAGGCATAGCCAAGTGCTATGGGTGTTAGATGATGCACT
TGGATGCAGTGAGTTTTGGAGTATAAAAGATCCTTAAAATTCCACCCTT

pG1c (SEQ ID 43)

20 CTGCAGATAGACTTCAAGATCTCAGGGATTCCCACTATTTGGTATTCTGATATGTT
TTTCCTGATATGCATCAAACTCTAATCTAAAACCTGAATCTCCGCTATTTTTTTTTT
TTTTTTGATGACCCCGTTTTCGTGACAAATTAATTTCCAACGGGGTCTTGTCGGGA
TAAGAGAATTTTGTGTTGATTATCCGTTCCGATAAATGGACGCCTGCTCCATATTTT
CCGGTTATTACCCACCTGGAAGTGCCCAAGATTTTCCGGGGATTACGGATAATA
25 CGGTGGTCTGGATTAATTAATACGCCAAGTCTTACATTTTGTGTCAGTCTCGTGCG
AGTATGTGCAATAATAACAAGATGAGCCAATTTATTGGATTAGTTGCAGCTTGAC
CCCGCCATAGCTAGGCATAGCCAAGTGCTATGGGTGTTAGATGATGCACTTGGAT
GCAGTGAGTTTTGGAGTATAAAAGATCCTTAAAATTCCACCCTT

Fig. 15 (continued)

pG1d (SEQ ID 44)

5 GACCCCGTTTTCGTGACAAATTAATTTCCAACGGGGTCTTGTCCGGATAAGAGAA
TTTTGTTTGATTATCCGTTCCGATAAATGGACGCCTGCTCCATATTTTTCCGGTTAT
TACCCACCTGGAAGTGCCCAGAATTTTCCGGGGATTACGGATAATACGGTGGTC
TGGATTAATTAATACGCCAAGTCTTACATTTTGTTGCAGTCTCGTGCGAGTATGTG
CAATAATAACAAGATGAGCCAATTTATTGGATTAGTTGCAGCTTGACCCCGCCAT
10 AGCTAGGCATAGCCAAGTGCTATGGGTGTTAGATGATGCACTTGGATGCAGTGAG
TTTTGGAGTATAAAAGATCCTTAAAATTCCACCCTT

pG1e (SEQ ID 45)

15 CCGGATAAGAGAATTTTGTTTGATTATCCGTTCCGATAAATGGACGCCTGCTCCAT
ATTTTTCCGGTTATTACCCACCTGGAAGTGCCCAGAATTTTCCGGGGATTACGG
ATAATACGGTGGTCTGGATTAATTAATACGCCAAGTCTTACATTTTGTTGCAGTCT
CGTGCGAGTATGTGCAATAATAACAAGATGAGCCAATTTATTGGATTAGTTGCAG
CTTGACCCCGCCATAGCTAGGCATAGCCAAGTGCTATGGGTGTTAGATGATGCAC
20 TTGGATGCAGTGAGTTTTGGAGTATAAAAGATCCTTAAAATTCCACCCTT

pG1f (SEQ ID 46)

GCCTGCTCCATATTTTTCCGGTTATTACCCACCTGGAAGTGCCCAGAATTTCCG
25 GGGATTACGGATAATACGGTGGTCTGGATTAATTAATACGCCAAGTCTTACATTTT
GTTGCAGTCTCGTGCGAGTATGTGCAATAATAACAAGATGAGCCAATTTATTGGA
TTAGTTGCAGCTTGACCCCGCCATAGCTAGGCATAGCCAAGTGCTATGGGTGTTA
GATGATGCACTTGGATGCAGTGAGTTTTGGAGTATAAAAGATCCTTAAAATTCCAC
CCTT

30