SEQUENCE LISTING

<110> KBIOSCIENCES UK LIMITED

<120> Polymerase chain reaction detection system

<130> WOP6799

<140> PCT/GB2012/050645
<141> 2012-03-22

<160> 19

<170> PatentIn version 3.5

<210> 1
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Labelled primer

<400> 1
gcgattagcc gttaggatga 20

<210> 2
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Labelled primer

<220>
<221> modified_base
<222> (19)..(20)
<223> phosphorothioate linkage

<400> 2
gcgattagcc gttaggatga 20

<210> 3
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Labelled primer

<220>
<221> modified_base
<222> (1)..(2)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(4)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (5)..(6)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (7)..(8)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (9)..(10)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (11)..(12)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (13)..(14)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (15)..(16)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (17)..(18)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (19)..(20)
<223> phosphorothioate linkage

<400> 3
gcgattagcc gttaggatga 20

<210> 4
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Labelled primer

<220>
<221> modified_base
<222> (1)..(2)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (2)..(3)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(4)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (4)..(5)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (5)..(6)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (6)..(7)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (7)..(8)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (8)..(9)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (9)..(10)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (10)..(11)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (11)..(12)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (12)..(13)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (13)..(14)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (14)..(15)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (15)..(16)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (16)..(17)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (17)..(18)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base

<222> (18)..(19)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (19)..(20)
<223> phosphorothioate linkage

<400> 4
gcgattagcc gttaggatga 20

<210> 5
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Labelled primer

<400> 5
gtcggtgaac aggttagaga 20

<210> 6
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Labelled primer

<220>
<221> modified_base
<222> (19)..(20)
<223> phosphorothioate linkage

<400> 6
gtcggtgaac aggttagaga 20

<210> 7
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Labelled primer

<220>
<221> modified_base
<222> (1)..(2)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(4)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (5)..(6)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base

<222> (7)..(8)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (9)..(10)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (11)..(12)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (13)..(14)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (15)..(16)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (17)..(18)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (19)..(20)
<223> phosphorothioate linkage

<400> 7
gtcggtgaac aggttagaga 20

<210> 8
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Labelled primer

<220>
<221> modified_base
<222> (1)..(2)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (2)..(3)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(4)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (4)..(5)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base

<222> (5)..(6)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (6)..(7)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (7)..(8)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (8)..(9)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (9)..(10)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (10)..(11)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (11)..(12)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (12)..(13)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (13)..(14)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (14)..(15)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (15)..(16)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (16)..(17)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (17)..(18)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (18)..(19)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (19)..(20)
<223> phosphorothioate linkage

<400> 8
gtcggtgaac aggttagaga 20

<210> 9
<211> 16
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Labelled primer

<400> 9
cctaacggct aatcgc 16

<210> 10
<211> 16
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Labelled primer

<220>
<221> modified_base
<222> (1)..(2)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(4)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (5)..(6)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (7)..(8)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (9)..(10)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (11)..(12)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (13)..(14)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (15)..(16)
<223> phosphorothioate linkage

<400> 10
cctaacggct aatcgc 16

<210> 11
<211> 16
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Labelled primer

<220>
<221> modified_base
<222> (2)..(3)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (4)..(5)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (6)..(7)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (8)..(9)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (10)..(11)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (12)..(13)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (14)..(15)
<223> phosphorothioate linkage

<400> 11
cctaacggct aatcgc 16

<210> 12
<211> 16
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Labelled primer

<220>
<221> modified_base
<222> (1)..(2)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (2)..(3)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(4)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (4)..(5)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (5)..(6)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (6)..(7)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (7)..(8)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (8)..(9)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (9)..(10)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (10)..(11)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (11)..(12)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (12)..(13)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (13)..(14)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (14)..(15)

<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (15)..(16)
<223> phosphorothioate linkage

<400> 12
cctaacggct aatcgc 16

<210> 13
<211> 15
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Labelled primer

<400> 13
aacctgttca ccgac 15

<210> 14
<211> 15
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Labelled primer

<220>
<221> modified_base
<222> (2)..(3)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (4)..(5)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (6)..(7)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (8)..(9)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (10)..(11)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (12)..(13)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (14)..(15)
<223> phosphorothioate linkage

<400> 14

aacctgttca ccgac 15

<210> 15
<211> 15
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Labelled primer

<220>
<221> modified_base
<222> (1)..(2)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(4)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (5)..(6)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (7)..(8)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (9)..(10)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (11)..(12)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (13)..(14)
<223> phosphorothioate linkage

<400> 15
aacctgttca ccgac 15

<210> 16
<211> 15
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Labelled primer

<220>
<221> modified_base
<222> (1)..(2)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (2)..(3)

<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(4)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (4)..(5)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (5)..(6)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (6)..(7)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (7)..(8)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (8)..(9)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (9)..(10)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (10)..(11)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (11)..(12)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (12)..(13)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (13)..(14)
<223> phosphorothioate linkage

<220>
<221> modified_base
<222> (14)..(15)
<223> phosphorothioate linkage

<400> 16
aacctgttca ccgac 15

<210> 17
<211> 42

<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 17
gcgattagcc gttaggatga ctgagtgcag gttcagacgt cc 42

<210> 18
<211> 42
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 18
gtcggtgaac aggttagaga ctgagtgcag gttcagacgt ct 42

<210> 19
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 19
ctcccttcca cctccgtacc at 22