

청구범위

- [청구항 1] (a) 대상체(subject)로부터 분리된 생물학적 시료에서 DNA를 분리하는 단계; 및
(b) 상기 분리된 DNA에서 서열번호 1 및 서열번호 2로 표시되는 서열의 CpG 부위의 메틸화 수준을 측정하는 단계;를 포함하는 생물학적 시료의 간 조직 기원 여부를 판별하는 방법.
- [청구항 2] 제1항에 있어서, 상기 생물학적 시료는 대상체로부터 분리된 조직, 조직 단편, 세포, 세포 단편, 혈액, 혈장, 체액, 대변 및 소변으로 이루어진 군에서 선택되는 것인, 생물학적 시료의 간 조직 기원 여부를 판별하는 방법.
- [청구항 3] 제1항에 있어서,
상기 (b) 단계는 PCR, 메틸화 특이 PCR(methylation specific PCR), 실시간 메틸화 특이 PCR(real time methylation specific PCR), MethyLight PCR, MehtyLight digital PCR, EpiTYPER, 메틸화 DNA 특이적 결합 단백질을 이용한 PCR, 정량 PCR, DNA 칩, 분자 비콘(molecular beacon), MS-HRM (Methylation-sensitive high resolution melting), 비대칭 PCR (asymmetric PCR), 비대칭 PCR MS-HRMA (asymmetric PCR Methylation-sensitive high resolution melting analysis), 재조합효소-중합효소 증폭법 (Recombinase Polymerase Amplification), LAMP법(Loop-Mediated Isothermal Amplification), Eclipse probe, 차세대 염기서열분석 패널(NGS panel), 파이로시퀀싱 및 바이셀과이트 시퀀싱으로 이루어진 군에서 선택되는 방법으로 수행되는 것인, 생물학적 시료의 간 조직 기원 여부를 판별하는 방법.
- [청구항 4] (a) 대상체로부터 분리된 생물학적 시료에서 DNA를 분리하는 단계; 및
(b) 상기 분리된 DNA에서 서열번호 1 및 서열번호 2로 표시되는 서열의 CpG 부위의 메틸화 수준을 측정하는 단계;를 포함하는 생물학적 시료에서 간 조직 유래 DNA를 검출하는 방법.
- [청구항 5] 서열번호 1 및 서열번호 2로 표시되는 서열의 메틸화 수준을 측정할 수 있는 제제를 포함하는 생물학적 시료의 간 조직 기원 여부 판별용 조성물.
- [청구항 6] 제5항에 있어서, 상기 메틸화 수준을 측정할 수 있는 제제는 서열번호 1 및 서열번호 2로 표시되는 서열의 CpG 부위에 결합하는 프라이머, 프로브 또는 안티센스 핵산인 것인 생물학적 시료의 간 조직 기원 여부 판별용 조성물.