

Fig. 1: pG1 (SEQ ID 1)

ATTTCCACCCCCATCCCAGTAGAATGTAGGGTCCCCAAACATTTGCTCCCCCTAG
TCTCCAGGGAAATGTAAATATACTGCTAATAGAAAACAGTAAGACGCTCAGTTGT
5 CAGGATAATTACGTTTCGACTGTAGTAAAACAGGAATCTGTATTGTTAGAAAGAACG
AGAGTTTTTTTACGGCGCCGCCATATTGGGCCGTGTGAAAACAGCTTGAAACCCCA
CTACTTTCAAAGGTTCTGTTGCTATACACGAACCATGTTTAACCAACCTCGCTTTT
GACTTGACTGAAGTCATCGGTAAACAATCAAGTACCCTAGTCTGTCTGAATGCTCC
TTTCCATATTCAGTAGGTGTTTCTTGCACTTTTGCATGCACTGCGGAAGAATTAGC
10 CAATAGCGCGTTTTCATATGCGCTTTTACCCCTCTTTTGTCAAGCGCAAATGCCT
GTAAGATTTGGTGGGGGTGTGAGCCGTTAGCTGAAGTACAACAGGCTAATTCCT
GAAAAAACTGCAGATAGACTTCAAGATCTCAGGGATTCCCACTATTTGGTATTCTG
ATATGTTTTTCCTGATATGCATCAAACTCTAATCTAAACCTGAATCTCCGCTATT
TTTTTTTTTTTTTTGATGACCCCGTTTTTCGTGACAAATTAATTTCCAACGGGGTCTT
15 GTCCGGATAAGAGAATTTTGTTTGATTATCCGTTCCGGATAAATGGACGCCTGCTCC
ATATTTTTCCGGTTATTACCCACCTGGAAGTGCCCAGAATTTTCCGGGGGATTACG
GATAATACGGTGGTCTGGATTAATTAATACGCCAAGTCTTACATTTTGTTGCAGTC
TCGTGCGAGTATGTGCAATAATAACAAGATGAGCCAATTTATTGGATTAGTTGCA
GCTTGACCCCGCCATAGCTAGGCATAGCCAAGTGCTATGGGTGTTAGATGATGCA
20 CTTGGATGCAGTGAGTTTTGGAGTATAAAAGATCCTTAAAATTCCACCCTT

Fig. 2: pG3 (SEQ ID 2)

GTAAATAGCGGCAGCAATCCAGTAACCTTTTCTGAATAGCAGAGCCTTAACTAAAA
TAATGGCCAGGGTAAAAAATTCGAAATTTGACACCAAAAATAAAGACTTGTCGTTA
5 TAAGTCTTAACAAAGTCCGCAATTTTGGAGCTAACGGTGGCGGTTGCTGGGATAT
TCAATAATGGTAGAATGTTGCTGCGGGTATATGACAGAGCGTGAAACACACTGAA
CAAGGTAAATGGAACAACAGCAATTGCAATATGGGGGAGGATAGTCAAGAACAAA
GCAGCAATGGCAAAGTACTGAATATTCTCCAAAGCCAAAAGGTCCAGTGGTTTCA
ACGACAAAGTCTTGTTGGTATAGCTTTGGAACAAAAGGACACCGAAAGACTCGAC
10 AGCGCCCAACAAATACAGCGTTGTAGAAGAACGAATTGATTGCTCCAGAGCTTCTA
ATAGTCAGAAGATACCCCAAACCTCCGAGCAACGTTAGCACATGACCTAAGAACC
AGGCGAAGTGAAGAGTCTGGAATAACGACACCCAGTCAGTTTTTCTGAGCTCCT
GGTGGGATTGGTAGAAGCATTGATTTGCTTGGAGTGGTTTTATTTGAAGATGGT
GTTGAAGCCATTGTTGCTAAAGAGTCGGAGTTTTGCTTTTAGGGTTTGTTAAGCAA
15 AGGAGGAAAACTGCGCCGTTTGAAGTCCCAGGTAGTTTCGCGTGTGAGGCCAG
CCAGGGAAAGCTTCCTTCGGTACTTTTTTTCTTTTGCAGGTTCCGGACGGATTAA
GCTTCGGGTTATGAGGGGGGCGGTAGCCAATTCCGGACACAATATTGCGTCGCA
GCTAGTCACCCCGCCATAAATATACGCAGGATTGAGGTAATAACATCGATAGTCTT
AGTAATTAATACAATTCAGTGGCGAATTTGGCAACATGACGTAAGGCCCACTGTTG
20 TCTATAAAAGGGGATGAATTTTCATGTTTTTGAGGCCTCCCGGACAATTTATTGAA
CTCAA

Fig. 3: pG4 (SEQ ID 4)

TGGACTGTTCAATTTGAAGTCGATGCTGACGATGTCAAGAGAGATGCTCAATTATA
TTTGTCAATTTGCTGGTTACACTGGAAACGCTACTTTTGTGGCGGAAACTCTACCA
5 GTTTGGCCGTCCATGTAAACGATGTCGTTCTGGGCCGTGACCGTTTCAACACGAA
CATAACCAATGACAAATCCACTTACAGGTCTAGTTCATATGGAGGCAATTGGTACC
TTACTTCTTTGGATGTCCCAAGTGGGGCTTTAACGTCTGGTACTAACAATGTCTCG
TTTGTCACTACAAACTCCGAGGTAAATAAAGGATTCTTGTGGGATTCTCTCAAGTT
TGTTTGGAAAGTTGTAACAGGTTTATAAGCATATCGTGCGCTTGTCCACAATTGAAT
10 CATTTATTGTTGCGAGATACATGAACAAAGTGTGAACTGGGACCCATTACTACAAT
TCCCACGCAACCGTTGTTTCAAAGCCCATATTTTTTGACAATTGTTTCGTTACACC
CCCAGTTTGATGTACATCGCTTGCAATGATGTGTGTCCCGGAGTATTTTCCATATT
CAGCTTGAATTCGTATACTCAACCAATATCTGGGGGTATACTTTTATGTAACCTATA
CAAATCAACTATACTATTTACCTTTGACCAATCATCTCCCATCTTGTTAAGTTTT
15 GCTTCCTATATCCCTGACCCTGACATCACCCATGATTCCGCTCAACGGTTCTCCTC
TACATCGTCCCTCTTTTGGAGAGGGTGTTTCAGTTTGACATTCAAATTACCCCCCGC
CATCACGCGCAACCGAGACCGCACCCCCGAATTTTCACAAATTACCCACACCCCT
ATACTCCACCACTATGAGGGTTATTAGAACTGATCACGTATAAATACCACCGCAAG
TTCCAAGGGATCGTGTTCTTCTTCTCCAATTGCAATCATATTTCTGACTCTTTCTA
20 GTTCAGATTAATTCCTTTACACTTGCTTTTTTCCCTTACCTTTATCC

Fig. 4: pG6 (SEQ ID 3)

AGACCAGCAGTTTAACTACGCAAATCCACAGGAATTTCTACATCACAATACCAATG
GTAATACCACGACGTCAAGGAATGGAAACGACGACTTGGAGGAAGACTTCGTCAA
5 CCTCTTGCGGAGTACCCGAGGCTAAGACAATAAGAAGAAAAAAAAAAGAAAAGCG
GTGGGGGAGGGATTATTAATAAGGATTATGTAACCCCAGGGTACCGTTCTATAC
ATATTTAAGGATTATTTAGGACAATCGATGAAATCGGCATCAAAGTGGATGGGAGT
ATAGTGTCCGGATAATCGGATAAATCATCTTGCGAGGAGCCGCTTGGTTGGTTGG
TGAGAGGAGTGAAATATGTGTCTCCTCACCCAAGAATCGCGATATCAGCACCCCTG
10 TGGGGGACACTATTGGCCTCCCTCCCAAACCTTCGATGTGGTAGTGCTTTATTAT
ATTGATTACATTGATTACATAGCTAAACCCTGCCTGGTTGCAAGTTGAGCTCCGAA
TTCCAATATTAGTAAAATGCCTGCAAGATAACCTCGGTATGGCGTCCGACCCCGC
TTAATTATTTTAACTCCTTTCCAACGAGGACTTCGTAATTTTTTGATTAGGGAGTTGA
GAAACGGGGGGGTCTTGATACCTCCTCGATTTTCAGATCCCACCCCTCTCAGTCCC
15 AAGTGGGACCCCCCTCGGCCGTGAAATGCGCGCACTTTAGTTTTTTTCGCATGTA
AACGCCGGTGTCCGTCAATTAAAAGTCGCAGACTAGGGTGAACTTTACCATTTTT
GTCGCACTCCGTCTCCTCGGAATAGGGGTGTAGTAATTCTGCAGTAGTGCAATTT
TTACCCCGCCAAGGGGGGGCGAAAAGAGACGACCTCATCACGCATTCTCCAGTC
GCTCTCTACGCCTACAGCACCGACGTAGTTAACTTTCTCCCATATATAAAGCAATT
20 GCCATTCCCCTGAAAACTTTAACCTCTGCTTTTTCTTGATTTTTCTTGCCCAAAGA
AAAG

Fig. 5: pG7 (SEQ ID 5)

AATTGATTAAGTTCAGTGAAATTTCAAACCGCTATACACAACAGGACAACCTTTGAG
TTTAGAAAAATCCGATGTAGTGTAACGGCTAGCACGGTCCGCTTTCACCGGGCAG
5 ACCCGGGTTCGACTCCCGGCATCGGAGTTTATTTTTCCATTCGTTCTTTAGAGTA
TTCTCCTCAGCATGCCCCCTGAATTTTTCTTTTTTCCATGTGTCCCATTTTTCCA
CTTTTTTTACAGTTTTCTCGTGATGTTAATTGGCTACACAAAAGCTGCCACACGA
AACCTTAATCACGAAAACTATACAGCCTTCACTAATCCGTAGCCCCATAATATGT
TGTCCACGTGCTGTTGGGTACTACCTGTAGACTCTCATACCCCACTCCGTCTTTCT
10 CCAACAATTAACGCAGTACCGAGATTTATCAGCAGACTCAAATTGGGCAAACCTCT
GTATTTTTCTTGCCCGCATAATTTATGGGTCTCAGGCCTCCACGTTTCCTGTTTA
CTTGAAGAATATTGGCTGCGGAAAAAGTGGTAAGGACAACCCCTTTTAATTGGA
TCCAGTTTTTCCGAAATGTTCCGATCCGTACGTCATCTCCGAAGCCGTACATTTTC
ACTCAATCTACGTAGCTTTGGACTCAGCGCTCCTGGAATTGCCAGGACAGTTTAC
15 TTGAGTTGATATTCCCTTGTAGATTGTGTGCTTCTTTTTCCAAAATTTGAGGCTTCG
TTTGAAAAGTGGAATCTGGTCGCTAGATCACTTCATGCCTATTTTTCACGGAAAAA
TAAGTGGTACTATGCACCCCTTAAACCTAAAGAAAAACGGAAAAATTACCCCAAAA
CCTGGTGATGTTTTTCGCCCTTTCTTTTTATCCGAGTTTTTCTTTTTCTTGTCTG
CCAAATTCCTCTCCTGACCTTAGCGTCCCCGGAAAAAATTAATACTTAAGGACCG
20 AATGAGCCCCAGCTTTTCCCCTTCTCTTCATTATTCCCATAATATAAT

Fig. 6: pG8 (SEQ ID 6)

CTGCACAACCATTTGCCAGTAAGGACGAAGAGAAGGCCCCACTACCCAAAATTCAG
GATAACGTCTTCATACCATGCAGCGACGCCTACAAGACGCTGTCAAGACATGCCA
5 ACTTCAACGAAGTGAACTTTAACACATTGATCGGGAAATTGACCACCAAGGGAAT
GCTGGTTGAGGCTGGAAGCGTTGCCAGTGTCTTGAGGGAACTGGACCGAAAGTT
TAGTAATGCATAAGAGGATATATATAGGAATGCAGTAATAATATTAGTACCCATTAA
GTGGGCTAAGCCATTGGAAGGCCGTCTGACTGATGGTGGTGTTCCTTCATTTAG
ATAGTGCATTTGCAACTACCGTCTGAGATTGAGTTTGATGTGAAGCTCCAGCGCC
10 AAAACAGTATAAGAACCTTATCTCCGCATTATTGTTCTTGCGTAAAAGTTTGTGTGA
AGAAACAGGGGTAGTTGCGCAGATTAGTTGTAATATGCGCATAGGATGGGTCATT
GACTTCTTTCCTCGAAAGAGCCACACCGTTAGCTAAAAAAGGACGCGCATCTACC
CCAAAATAGAATGTGGGGAAATAGGACGCGCAACTTCCTCTCAATCACTGGACGT
CAGAAAAACAAATGCGCAATCGAGTCACCCTCCGTGATACCCTCCGTGATACCCC
15 CTCTCCGTCTATTCTGACAGCGTCTCCCCATGACGTTTCAATCTACTTAGAAAAGA
TTTCGTTTTTTTTTTCCTTCAATTACACGATCTCATCTTCTGCAAGGGTCTGGAGGAC
ATCACCAATCTGCGACTCCATAACTTAGTCCTGAGTTTATATTTACGCTTCATCTGA
TGAGTAGGAAGAAAAAGTTTCACGAAATCCCCCGCCAACTTGCCCTTCGGAATA
AGCAGCCACTCTCCTTCTGCCCATAGTAAGCTTGCGCGAGGCCCCAACTTGGCC
20 AGAAACTTTAAATATGCCAAACAATCTCCCCAATCTAAGTTCTCCCTCTTCTAAAA
A

Fig. 7: G1 (SEQ ID 7)

ATGTCCTCGTTTTTTCTAAACAACCAAACAGTAAAGATGATGACGCCTTTGGGAAG
AGCTAGAGCTCTAAATTTTCAGGGCAAAGTTTATGATAAATTTCCAAAACTTACAA
5 TATCTACGCTATTGCAATAACAGCCACCGTTTCTGGACTGATGTTCCGGTTTTGATA
TTTCTTCTGTGTCCTCGTTCGTAAGTCAGGATCATTACAGAACTACTTCAACCGT
CCCGACAGTTTGACGCAAGGGGGTATCACCGCAAGTATGGCTGGAGGTTCTTTCT
TGGGTTTCGTTATTTTCTTCTGACTTCCAGGATATCTTTGGAAGAAGAGTTGCTCTG
CATATGTGCAGTGTCTCTGGATTATCGGGGCCATTCTTCAATGCGCTGCACAAA
10 ACCAAGGTATGCTGATCGCAGGGAGATTGATTTCCGGTATCGGTGTCGGGTTTGG
TTCAGCTTCAGCTCCAGTCTATTGTTCTGAAGTTGCTCCAGCAAAGATTAGAGGAA
TGATTGGAGGATTATTTCAATTTTCTGTCACTGTGGGTATCATGATAATGTTTTATA
TCGGATATGGATGTCACTACATTGACGGCGTTGCATCATTTAGACTGGCCTGGGG
TTTGCAAATGGTTCCAGGTCTTATTCTTTTGGTCGGTGTATTCTTCCTTCCTGAGT
15 CTCCAAGATGGCTGGCTAACCACAACCGCTGGGAAGACGCAGTTGAGGTTATTG
CTAATGTTGTTGCAAAAGGTGACAGAGAAAACGCCGATGTGCGTCTGCAATTGGA
TGAAGTTCAGGAGCAACTATTGATTGACAAAGATGCTTCTGATTTTGGTTACCTTG
ATTTGTTTAAGAAAGATTGTATCAAACGTACCTTCATTGGAGTGTGAGCTCAAGTG
TGGCAACAACCTTTGTGGTATTAATGTTGCAATGTACTACGTTGTGTATCTCTTCCA
20 AATGGCTGGTTTTACTGGAAATGTGGCGTTGGTATCGTCCTCAATTCAATATGTTT
TGAATGTTGTTATGACTGTTCCAGCTTTGTTTCTAATGGACCGTATAGGCAGACGA
CCCCTACTAATTGGTGGTGGTATTTTCATGTGTATTTGGCTGTTTGGAGTGGCAG
GATTATTAGGCACTTACTCTGAACCAATTGAAAATTTGAGCGGTGATGATACTGTC
AGAATTACTATTCCTGACCAGCACAAGGCTGCAGCAAGGGGTGTTATTGCCTGTT
25 CCTATCTATTCGTGTGCTCCTTTGCTCCAACCTGGGGTATCTGCATTTGGGTTTAT
GCCTCTGAAATTTTCAACAACAGACAAAGAGCAAAGGGAGCAGCATTTGCTGCCT
CCGCTAACTGGATTTTCACTTTGCCTTGGCTATGTTTCGTGCCATCAGCCTTTAGA
AACATTACATGGAAGACTTACATCATTTTTGGAGTATTTTCGTTCTGCTTAACAATC
CATGTTTTCTTACAATTCCCAGAAACCAGAGGTAAGACTTTGGAAGAAATTGATCA
30 AATGTTTAAGGACAATATTCCAGCTTGGAGAAGTGCTTCGTACGTTCCAGATATGC
CAATTTTCAACAAAGAGAAGGTAGTATCTACTGAGCATGCAGAAAATGCTTCCAGC
TCGTCCGAAAAAGCCTTGATGGTTCAGGAAGAGGAATCTGTATAA

Fig. 8: G3 (SEQ ID 8)

ATGGTAGTTGCAATCGAAGGTGGTACAGGCTTAGGCCTTATGAATCTTACTTGGA
AACCAACTCCAACCCCAATTGATGATGCAATTGAGACAATTAGATATGCTGTTGAG
5 GAAGCTGGTGTGTCAGATACTTGAACGGAGGAGAGTTCTACAACCTTTCCTCTTGATT
CAAACCTGAATTTGCAGTACATTCAGGAATTTGCAAAAAGGTACCCCGAGCTATAT
AAAAAGGTGAGTCTGTGCGGTAAAAGGTGCTGTGTCAGTTTGGTCGATGTGAGCCCCG
ATTCTTCCCCGGAGAACCCTTGAAAAATCGATTTCAAACATAACCAAACATTTGCCG
AACAACTTCCTGCCAATTTTTGAGCCTGCTAGAATCGATAAACGTTACTCCATTGA
10 GGAGACAATAAAGAATCTCTCTAAGTTCGTGCGAAGATGGCAGAATTGGAGGTATT
TCACTTAGTGAAGTTGGTGCTGACACTATCAGAAGAGCTGCGAAAGTGGCTCCCA
TCGCCTGTGTGGAAGTGGAGTTTTCTCTATTGACTAGAGATATTCTTCATAATGGA
GTTCTTGCTGCTTGTGAGGATTTGAACATTCCTATTATTGCCTACAGTCCCTTGGG
AAGAGGATTTTTGACTGGAACGATAAACAGCAAAGCTGACATTCCTGAAGGTGAT
15 ATCAGGTTAAGTTTGGAAAGATTCAATGACGATGAAGTTATTGAACACAATTTGAA
ACTTGTTACGGTTTGAAAAAGATAGCCGACAAAAAAGGAGTCACATTGGCTCAAT
TGTCTCTTGCGTGGTTACGAAAGTTTGGAGATAAACACGTCAAGGTGCTTCCTATT
CCAAGCTGCTCATCTCCTCGTAGAGTTGCAGAAAACACAAAAGAGATTTCTTGA
CTGATAGCGAGTTCCAGGAGATTACTGACTTTGCAGAGTCGGTTCCAATCAAAGG
20 TGGTCGTTACAACAAAGCAAGTGAGGCTGTTCTTAACGGTTAG

Fig. 9: G4 (SEQ ID 9)

ATGACATTTGCTCCTCCCTTAGAATTCGAGATTGACCTTCCTAACGGATTGAAGTA
CACTCAACCATTGGGACTCTTCATCAACAATGAGTTTGTTGAAGGTGTAGAGGGA
5 AAGCTCTTACCAGTGATCAATCCTTGTGATGAGACTAAAATAACCCAAGTTTGGGA
AGCTTCTGCAGCGGATGTTGACCGTGCTGTTGATGCCGCTGAAGATGCTTTCAAC
AACTCCGTATGGGCTACTCAGGACCCATTAGAGAGGGGAAAGCTGATGAACAAAT
TGGCAGACCTTATCGATCGTGACTTCAACATCTTGGCTGGTATCGAATCCATCGA
CAATGGTAAGGCCTATACCTCTGCCCAGGGTGATGTTACTCTTGCTGTCAACTAC
10 ATCAGATCCTGTGCTGGATGGGCCGACAAGATTTTGGGAAACGTTGTTGATTCCG
GAAACACCCACCTTAACTTGGTTAAAAGAGAGCCATTGGGTGTTGTGGGACAAAT
TATCCCATGGAACTTTCCTCTCCTGATGTTGGCTTGGAAGTTGGGACCTGCGCTG
GCCACAGGTAACACTGTTGTTTTGAAGACTGCCGAGTCTACCCCTCTGTGCGGTT
TATACGTTGCCAAATTGATCAAGGAGGCCGTTTCCACCTGGTGTGGTTAACAT
15 TCTCAGTGGTTTTCGGTAACCCAGCTGGAGCTGCCATCGCTGCTCATCCCAGAATC
AAGAAGATTGCTTTCACCGGATCCACTGCAACAGGCCGTAAGATCATGGAAGCAG
CCGCTAAATCTAACCTGAAAAAAGTCACTTTGGAAGTAGGTGGTAAATCTCCAAAC
ATTGTGTTTGAAGATGCTGATATCCAGAAGACTATCCATAACATTATTTTGGGAAT
CTTCTTCAATTCTGGTGAAGTCTGTTGTGCAGGTTCCAGAGTCTACATTCAAGACA
20 CTGTGTATGAAGAAGTGCTTGAAGCCTTCAAGAAGGAGACTGATAACGTTAAGGT
TGGTGGACCATTTCGAAGAAGGTGTCTTCCAAGGGCCTCAGACCTCTGAGTTGCAA
CTTAACAGAATCCTTAGTTACATCAAACACGGTAAGGATGAAGGTGCTCGTGTAAT
TACCGGTGGTTCAAGATACCGTAACCGAGGTTACTACATTAAGCCCACAATTTTG
CTGACGTTACTGAAGACATGAAGATTGTCAAGGAGGAGATTTTGGTCCTGTGGT
25 TACTATCACTAAGTTCTCTACCGTGGATGAGGTTGTTGGATATGCCAACAACACCA
ACTATGGTCTAGCTGCTGGTATTCACACAAACAACCTTGAACAAAGCCATTGATGTT
GCCAGTAGAATCAAGGCGGGTGTCGTTTGGATTAACACCTACAACGATTTCCACC
ACATGGTTCCTTTCGGAGGTTATGGAGAATCTGGTATTGGCAGAGAGCTTGGTGC
TGAGGCTTTGGATAACTACACTCAAGCCAAGGCTATCAGAATTGCTTACACTCCTG
30 AACATAAGTAG

Fig. 10: G6 (SEQ ID 10)

ATGCTTAGAACTTCTCCAGCTACTAAGAAAGCTCTCAAGTCGCAGATTAACGCCTT
 CAACGTTGCTGCCTTGAGATTCTACTCCTCATTGCCTTTGCAGGTTCCAATTACCT
 5 TGCCAAACGGTAAGACCTACAATCAGCCAACAGGTTTGTTTATCAACAATGAGTTC
 GTTCCTTCTAAGCAAGGTAAGACCTTTGCTGTTTTAAACCCTTCCACTGAGGAGGA
 GATTACTCACGTCTACGAGTCCAGAGAGGACGACGTTGAGTTAGCCGTTGCAGC
 CGCTCAAAAGGCTTTTCGACTCAACCTGGTCCACCCAGGACCCTGCTGAGAGAGG
 TAAGGTCTTGAACAAGTTGGCTGACCTGATCGAGGAGCACTCTGAGACCCTTGCC
 10 GCCATCGAGTCCTTGACAACGGTAAGGCCATTTCTCCGCTAGAGGTGATGTTG
 GTCTGGTTGTGCGCCTACTTGAAGTCCTGTGCCGTTGGGCCGACAAGGTTTTCG
 GTAGAGTTGTTGAAACCGGAAGCTCCCACTTCAACTACGTTAGAAGAGAGCCATT
 GGGTGTTTGTGGTCAGATTATCCCATGGAACCTTCTCTTCTGATGTGGTCCTGG
 AAAGTTGGTCCAGCTTTGGCCACTGGTAACACTGTTGTCCTGAAGACAGCCGAGT
 15 CTA CTCTCTGTCCGCCCTGTACGTTTCCCAATTGGTCAAGGAGGCCGGTATCCC
 AGCTGGTGTCCACAACATTGTGTCCGGTTTCGGTAAGATTACTGGTGAAGCTATT
 GCTACTCATCCTAAGATCAAGAAGGTTGCCTTCACTGGTTCTACCGCCACTGGTC
 GTCACATCATGAAGGCTGCTGCCGAATCCAACCTTGAAGAAGGTTACTTTGGAGTT
 GGGTGGTAAATCTCCTAACATCGTGTTCAACGATGCTAACATTAAGCAAGCTGTC
 20 GCCAACATCATCCTCGGTATTTACTACAACTCTGGAGAAGTTTGTTGTGCTGGTTC
 CAGAGTTTATGTTCAATCCGGTATTTACGACGAGCTTTTGGCCGAATTCAAGACTG
 CTGCTGAGAATGTCAAGGTTGGTAACCCATTTCGACGAGGACACCTTCCAAGGTGC
 TCAAACCTCTCAGCAACAATTGGAGAAGATTTTGGGTTTCGTTGAGCGTGGTAAG
 AAGGACGGTGCTACTTTGATTACTGGTGGTGGCAGATTAGGTGACAAGGGTTACT
 25 TCGTCCAGCCAACTATCTTCGGTGATGTTACACCAGAGATGGAGATTGTCAAGGA
 AGAGATCTTTGGTCCTGTTGTCACTATCAGCAAGTTTGACACCATTGATGAGGTTG
 TCGACCTTGCTAACGACTCTCAATACGGTCTTGCTGCTGGTATCCACTCTGACGA
 TATCAACAAGGTCATTGACGTTGCTGCTAGAATCAAGTCCGGTACCGTGTGGGTC
 AACACCTACAACGATTTCCACCAAATGGTTCCATTCCGGTGGATTGTTGGCCAATCCG
 30 GTATTGGTCGTGAGATGGGTGTTGAAGCTTTGGAAAACCTACACCCAATACAAGGC
 TATCCGTGTCAAGATCAACCACAAGAACGAGTAA

Fig. 11: G7 (SEQ ID 11)

ATGAGTTCAACAGATATCCAAGGTGATCAAGGTGACAATGAAAAGATATACGCCA
TTGAGAGCAGTCCCTCCAATGAGCAAATAAAAGATATTCATGAGGCTCCGGCCGA
5 CAACAAAAGTGAAGTAGACATCCCAGTCAAACCCAAGGGTTCCTATATCTTGGTGT
CTGTGTTATGTCTTCTAGTCGCATTCCGGTGGTTTCGTGTTCCGGTTGGGATACCGG
TACCATCTCAGGTTTCGTTAACATGTCTGACTTTACGAGACGTTTCGGACAGTTTA
ACGGTGAAACGTATTACCTTTCTAAAGTGAGAGTTGGTTTAATTGTTTCTATTTTCA
ACATTGGTTGTGCTATCGGAGGTGTCACTCTAGGTAAACTTGGTGACATTTGGGG
10 TAGAAAGAAGGCTTTGATGTTTCGTATGGTTCATCTATATGGTCCGGTATTTTGATTC
AAATTGCTTCCATTGACAAATGGTACCAGTATTTCAATTGGAAGAATTATTGCAGGT
CTGGCCGTCGGTGCAGTTTCCGTTTTATCCCCCATGTTTCATCAGTGAGACTTCTC
CTAAACACATCAGAGGTTCTTAGTCTCCTGCTACCAATTAATGATTACAGCCGGT
ATTTTCTTGGGTACTGTACCACTTACGGAACCAAGACTTACACCGACTCCACCCA
15 ATGGAGAGTTCTTTGGGATTGTGTTTCGCTTGGGCCATTCTGATGATTGTTGGTA
TGACCTTCATGCCAGAGTCCCCACGTTTCTTGGTTGAGGTTAACAGAGTCGACGA
GGCTATGAAGTCCATTGCCAGAGTTAACAAGGTCTCTATCGACGATCCATCTGTC
TACAATGAGATGAGACTTATTTCTGACGGTATTGAGAAGGAGAAGGAGGCTGGTA
GCGTTTCTTGGGGTGAAGTGTTCCTGGTAAGCCAAAGATTTTCTACCGTCTATTG
20 ATTGGTATTTTCATGCAATCTTTGCAACAATTGACCGGTAACAACCTATTTCTTCTAC
TACGGAACCTACCATTTTCAAGGCTGTCCGATTGGACGATTCTTTCCAAACTTCTAT
CATTCTTGGTGTGTCATTTTGTCTTCCACATTCCTAGGTATCTACACCATGGATAA
ATTTGGTAGAAGAAGAACAACCTTTTAGGAGGTTCTGGAGCCATGGTTGTTTGGTGG
TCATTTTCAGTTCCGTTGGTGTCAAGTCTCTTTATGAGAACGGTAAGGATGATCCA
25 TCCAAACCAGCAGGTAACGCCATGATTGTCTTCACCTGTCTGTTCATTTTCTTCTT
TGCATGTACCTGGGCTCCAGGTGTTTTCGTCGTTGTGTCTGAAACCTACCCACTT
AGAATTAGATCCAAGGGTATGGCCATCGCTCAAGGTTCCAATTGGCTTTGGGGTT
TCCTCATTGCCTTCTTCACTCCATTTATCTCAGGTGCCATTGATTTTCGCCTACGGT
TACGTCTTTATGGGATGTACTCTGTTTCGCTTCTTCTTTGTGTACTTCTTCGTTCT
30 GAAACCAAGGGTCTGTGCTGGAAGACGTTGATGAAGTCTATGAGAACCTTACCT
TCGGAAGAGCATATGCATACAGCCACACGATTAAAGACAAGGGCGCCCTATAA

Fig. 12: G8 (SEQ ID 12)

ATGGCCCTATCTCCTACCTATCAGGGCTACATATCTACCACTGGCGACGCGTTGA
TCGTGATCCAGGCAGCTCTAAATAACCATTTGAATCTTCTTCCCCGAAGACCAAGA
5 GAAAGAGAGCGAGATGGGCTAATACGATCAGGTAACGTATTTGTTTTGTGCGAGC
AACGGTCTCATATCAAACGATGGACCGATGGTATCCCCTGGTCTCCATCTAGAGT
CCTTGGAAGTTCTTGTTGTATCGGGAAGTGGACAAGGATACCCCCAAAACTCG
CAAAGTGACGAAGATACTGAGGAGGGGAGAAAGAGGCGAAAGACTTCTGTGGAT
GTAACCGATCCAAATACCAGGCAGTTGGTGGGATCATTGGTGACTTCCTATGACT
10 TCAAAGAGGATGGACTTATTAATAAAACACTCTCCTTGACTTTCCAGACCGGTGCT
AATGAAGAAAGGGAAACAGTGCACTTGATTAGTTATTATACTCCGGAAGATGTAAC
GAACCATCGTTTGAACAGGCCGTCTGACAATCCATATCTGGCCAATATCACTGTTT
CAGAGTCATTATTGACTGCCTTGAGAGAGAGTACCCTTGGAGGAAGAGCAACGTC
TGATGACGAGCTTTCTTTAGTCAGAAGTAACTCGTTAGAGTACCAAGAGGTACCAA
15 TGAACATATCTATGTCTTTACCTTTATCAACTCCACTTTCCTTGAACACAGGAGTAA
ACTCAACTACCCAGCTGCAACAGCAACAACACTACAACAACAACAACAGCAACAGCA
ACAGCAGCAGCAACAACAGCAGCAACAACAGCAACCGGTAGCATCCCTTCCAAA
ATTTGATGGATCCTTTCTATTACAACAGGGTGTAAATCCAGTTCCTCATTTTCATGGA
CCAAAAAATGGGAAGTAGCAATTCGTGGATTAACAATTGGTTTCGTCCAAATTCGT
20 CAGAATCAAATGGGCTATCGGTTATCGGACCTCACAAGGGATATGACGAACAAAG
TCCAGCAACGAGTTATACTTTGAATGAACGTTGA

Fig. 13: pGAP (SEQ ID 13)

CTTTTTTGTAGAAATGTCTTGGTGTCTCGTCCAATCAGGTAGCCATCTCTGAAAT
ATCTGGCTCCGTTGCAACTCCGAACGACCTGCTGGCAACGTAAAATTCTCCGGGG
5 TAAAACTTAAATGTGGAGTAATGGAACCAGAAACGTCTCTTCCCTTCTCTCTCCTT
CCACCGCCCGTTACCGTCCCTAGGAAATTTTACTCTGCTGGAGAGCTTCTTCTAC
GGCCCCCTTGCAGCAATGCTCTTCCCAGCATTACGTTGCGGGTAAAACGGAGGT
CGTGTACCCGACCTAGCAGCCCAGGGATGGAAAAGTCCCGGCCGTCGCTGGCAA
TAATAGCGGGCGGACGCATGTCATGAGATTATTGGAAACCACCAGAATCGAATAT
10 AAAAGGCGAACACCTTTCCCAATTTTGGTTTCTCCTGACCCAAAGACTTTAAATTT
AATTTATTTGTCCCTATTTCAATCAATTGAACAACCTATCACCTGCAGGCC

Fig. 14

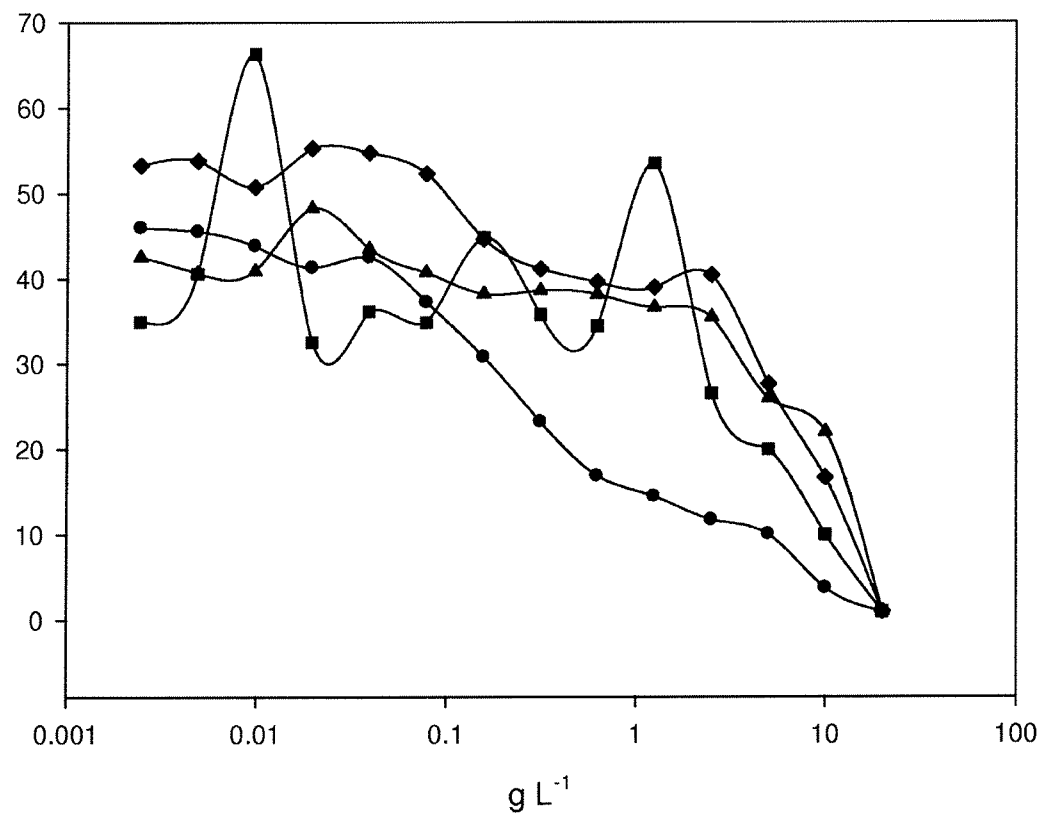


Fig. 15

pG1a (SEQ ID 41)

5
GGAATCTGTATTGTTAGAAAGAACGAGAGTTTTTTACGGCGCCGCCATATTGGGC
CGTGTGAAAACAGCTTGAAACCCCACTACTTTCAAAGGTTCTGTTGCTATACACGA
ACCATGTTTAACCAACCTCGCTTTTGACTTGACTGAAGTCATCGGTAAACAATCAA
GTACCCTAGTCTGTCTGAATGCTCCTTTCCATATTCAGTAGGTGTTTCTTGCACTT
10 TTGCATGCACTGCGGAAGAATTAGCCAATAGCGCGTTTCATATGCGCTTTTACCC
CCTCTTTTGTCAAGCGCAAAATGCCTGTAAGATTTGGTGGGGGTGTGAGCCGTTA
GCTGAAGTACAACAGGCTAATTCCCTGAAAAAACTGCAGATAGACTTCAAGATCTC
AGGGATTCCCACTATTTGGTATTCTGATATGTTTTTCCTGATATGCATCAAACTCT
AATCTAAACCTGAATCTCCGCTATTTTTTTTTTTTTTTTATGATGACCCCGTTTTTCGT
15 GACAAATTAATTTCCAACGGGGTCTTGTCCGGATAAGAGAATTTTGTTTGATTATC
CGTTCGGATAAATGGACGCCTGCTCCATATTTTTCCGGTTATTACCCACCTGGAA
GTGCCCAGAATTTTCCGGGGATTACGGATAATACGGTGGTCTGGATTAATTAATA
CGCCAAGTCTTACATTTTGTTGCAGTCTCGTGCGAGTATGTGCAATAATAACAAG
ATGAGCCAATTTATTGGATTAGTTGCAGCTTGACCCCGCCATAGCTAGGCATAGC
20 CAAGTGCTATGGGTGTTAGATGATGCACTTGGATGCAGTGAGTTTTGGAGTATAA
AAGATCCTTAAATTCCACCCTT

Fig. 15 (continued)

pG1b (SEQ ID 42)

5 CCATATTCAGTAGGTGTTTCTTGCACTTTTGCATGCACTGCGGAAGAATTAGCCAA
TAGCGCGTTTCATATGCGCTTTTACCCCTCTTTTGTCAAGCGCAAAATGCCTGTA
AGATTTGGTGGGGGTGTGAGCCGTTAGCTGAAGTACAACAGGCTAATTCCTGAA
AAACTGCAGATAGACTTCAAGATCTCAGGGATTCCCACTATTTGGTATTCTGATA
TGTTTTTCTGATATGCATCAAACTCTAATCTAAACCTGAATCTCCGCTATTTTT
10 TTTTTTTTTTGTGACCCCGTTTTCGTGACAAATTAATTTCCAACGGGGTCTTGTC
CGGATAAGAGAATTTTGTGTTGATTATCCGTTCCGATAAATGGACGCCTGCTCCATA
TTTTTCCGGTTATTACCCACCTGGAAGTGCCAGAATTTTCCGGGGATTACGGA
TAATACGGTGGTCTGGATTAATTAATACGCCAAGTCTTACATTTTGTGTCAGTCTC
GTGCGAGTATGTGCAATAATAACAAGATGAGCCAATTTATTGGATTAGTTGCAGC
15 TTGACCCCGCCATAGCTAGGCATAGCCAAGTGCTATGGGTGTTAGATGATGCACT
TGGATGCAGTGAGTTTTGGAGTATAAAAGATCCTTAAAATTCCACCCTT

pG1c (SEQ ID 43)

20 CTGCAGATAGACTTCAAGATCTCAGGGATTCCCACTATTTGGTATTCTGATATGTT
TTTCTGATATGCATCAAACTCTAATCTAAACCTGAATCTCCGCTATTTTTTTTTT
TTTTTTGATGACCCCGTTTTCGTGACAAATTAATTTCCAACGGGGTCTTGTCGGA
TAAGAGAATTTTGTGTTGATTATCCGTTCCGATAAATGGACGCCTGCTCCATATTTT
CCGGTTATTACCCACCTGGAAGTGCCAGAATTTTCCGGGGATTACGGATAATA
25 CGGTGGTCTGGATTAATTAATACGCCAAGTCTTACATTTTGTGTCAGTCTCGTGCG
AGTATGTGCAATAATAACAAGATGAGCCAATTTATTGGATTAGTTGCAGCTTGAC
CCCGCCATAGCTAGGCATAGCCAAGTGCTATGGGTGTTAGATGATGCACTTGGAT
GCAGTGAGTTTTGGAGTATAAAAGATCCTTAAAATTCCACCCTT

Fig. 15 (continued)

pG1d (SEQ ID 44)

5 GACCCCGTTTTCGTGACAAATTAATTTCCAACGGGGTCTTGTCCGGATAAGAGAA
TTTTGTTTGATTATCCGTTCCGATAAATGGACGCCTGCTCCATATTTTTCCGGTTAT
TACCCACCTGGAAGTGCCCAGAATTTTCCGGGGATTACGGATAATACGGTGGTC
TGGATTAATTAATACGCCAAGTCTTACATTTTGTTGCAGTCTCGTGCGAGTATGTG
CAATAATAACAAGATGAGCCAATTTATTGGATTAGTTGCAGCTTGACCCCGCCAT
10 AGCTAGGCATAGCCAAGTGCTATGGGTGTTAGATGATGCACTTGGATGCAGTGAG
TTTTGGAGTATAAAAGATCCTTAAAATTCCACCCTT

pG1e (SEQ ID 45)

15 CCGGATAAGAGAATTTTGTTTGATTATCCGTTCCGATAAATGGACGCCTGCTCCAT
ATTTTTCCGGTTATTACCCACCTGGAAGTGCCCAGAATTTTCCGGGGATTACGG
ATAATACGGTGGTCTGGATTAATTAATACGCCAAGTCTTACATTTTGTTGCAGTCT
CGTGCGAGTATGTGCAATAATAACAAGATGAGCCAATTTATTGGATTAGTTGCAG
CTTGACCCCGCCATAGCTAGGCATAGCCAAGTGCTATGGGTGTTAGATGATGCAC
20 TTGGATGCAGTGAGTTTTGGAGTATAAAAGATCCTTAAAATTCCACCCTT

pG1f (SEQ ID 46)

GCCTGCTCCATATTTTTCCGGTTATTACCCACCTGGAAGTGCCCAGAATTTTCCG
25 GGGATTACGGATAATACGGTGGTCTGGATTAATTAATACGCCAAGTCTTACATTTT
GTTGCAGTCTCGTGCGAGTATGTGCAATAATAACAAGATGAGCCAATTTATTGGA
TTAGTTGCAGCTTGACCCCGCCATAGCTAGGCATAGCCAAGTGCTATGGGTGTTA
GATGATGCACTTGGATGCAGTGAGTTTTGGAGTATAAAAGATCCTTAAAATTCCAC
CCTT

30