			mAb-1 Binding to the Pre-complex of mAb-2 & hIL-33																				
mAb-1	mAb Captured	mAb #	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22
H4H9639P	1.88 ± 0.11	1	0.00	0.03	0.02	0.01	0.03	0.01	0.00	0.02	0.04	0.02	0.00	0.05	0.05	0.05	0.03	0.10	-0.10	1.45	1.08	[illegible]	0.02	0.10
H4H9633P	1.78 ± 0.04	2	0.02	0.00	-0.01	-0.01	0.00	-0.01	-0.01	0.00	0.02	0.01	-0.01	0.00	0.07	0.02	0.03	0.07	-0.10	1.32	0.89	[illegible]	0.01	0.15
H4H9640P	1.44 ± 0.03	3	0.01	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	-0.00	0.01	0.03	0.01	-0.01	-0.01	0.10	0.05	0.02	0.09	-0.11	1.20	0.78	[illegible]	0.16	0.10
H4H9658P	1.4 ± 0.03	4	-0.02	0.01	0.01	0.00	0.01	-0.01	0.00	0.00	0.03	0.00	-0.01	0.00	0.10	0.04	0.03	0.03	-0.05	1.08	0.58	[illegible]	0.17	0.03
H4H9660P	1.69 ± 0.13	5	0.01	0.00	0.01	0.01	0.00	0.02	-0.02	0.02	0.04	0.02	0.01	0.00	0.06	0.06	0.03	0.11	-0.03	1.06	0.71	[illegible]	0.21	0.15
H4H9662P	1.61 ± 0.05	6	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01	0.03	0.01	-0.01	0.04	0.07	0.04	0.03	0.10	-0.08	1.12	0.89	[illegible]	0.19	0.11
H4H9663P	1.61 ± 0.04	7	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.02	0.01	-0.01	0.00	0.07	0.02	0.02	0.10	-0.08	1.09	0.85	[illegible]	0.17	0.02
H4H9664P	1.61 ± 0.04	8	0.02	-0.01	-0.02	0.00	0.01	0.01	-0.01	0.00	0.02	0.03	-0.01	0.01	0.06	0.03	0.03	0.08	-0.02	0.97	0.38	[illegible]	0.16	0.10
H4H9665P	1.68 ± 0.03	9	0.02	0.01	-0.01	0.01	0.02	0.02	0.01	0.01	0.00	0.00	0.01	0.03	0.07	0.03	0.01	0.06	-0.09	1.26	0.80	[illegible]	0.18	0.05
H4H9666P	1.53 ± 0.03	10	0.05	0.02	0.02	0.03	0.01	0.02	0.03	0.02	0.02	0.00	0.02	0.03	0.06	0.02	0.00	0.05	-0.09	1.17	0.55	[illegible]	0.15	0.08
H4H9667P	1.47 ± 0.1	11	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.00	0.02	0.04	0.01	0.00	0.01	0.05	0.02	0.02	0.05	-0.10	1.09	0.87	[illegible]	0.23	0.12
H4H9670P	1.48 ± 0.06	12	0.02	0.01	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	0.00	0.02	0.01	0.00	0.00	0.04	0.01	0.00	0.05	-0.09	1.13	0.64	[illegible]	0.19	0.14
H4H9671P	1.92 ± 0.04	13	0.03	0.00	0.00	0.01	0.00	0.01	0.01	0.00	0.02	0.02	0.01	0.01	0.00	0.01	0.01	0.02	-0.08	1.17	0.86	[illegible]	0.13	0.07
H4H9672P	1.67 ± 0.04	14	0.03	0.02	0.01	0.02	0.02	0.01	0.02	0.02	0.02	0.05	0.01	0.01	0.01	0.00	0.02	0.06	-0.09	1.11	0.88	[illegible]	0.16	0.05
H4H9675P	1.84 ± 0.14	15	0.01	0.01	0.01	0.02	0.04	0.02	0.05	0.04	0.03	0.04	0.01	0.02	0.02	0.06	0.00	0.04	-0.07	1.11	0.88	[illegible]	0.13	0.11
H4H9676P	1.75 ± 0.07	16	0.03	0.01	0.03	0.03	0.05	0.05	0.05	0.05	0.07	0.05	0.01	0.02	0.05	0.04	0.03	0.00	0.08	1.07	0.74	[illegible]	0.17	0.10
H1M9659N	0.94 ± 0.14	17	0.15	0.10	0.09	0.09	0.13	0.11	0.13	0.13	0.15	0.15	0.05	0.08	0.15	0.15	0.10	0.14	0.00	0.86	0.48	[illegible]	0.09	0.1
H1M9666N	0.78 ± 0.03	18	0.48	0.46	0.47	0.52	0.41	0.45	0.58	0.47	0.57	0.52	0.47	0.46	0.52	0.49	0.47	0.57	0.56	0.00	0.40	[illegible]	0.06	0.10
H1M9668N	0.66 ± 0.02	19	0.64	0.57	0.53	0.55	0.45	0.58	0.58	0.51	0.63	0.56	0.58	0.56	0.56	0.58	0.50	0.64	0.62	0.67	0.00	[illegible]	0.03	0.0
[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	[illegible]	0.00	0.01	0.03
Isotype Ctrl hG1	1.33 ± 0.01	21	-0.02	-0.02	-0.01	-0.01	-0.03	-0.02	-0.02	-0.02	-0.03	0.02	-0.01	-0.03	0.00	-0.02	-0.00	-0.01	-0.10	-0.03	-0.05	-0.06	0.00	-0.01
Isotype Ctrl hG1 S.2	0.00 ± 0.02	22	-0.15	-0.13	-0.08	-0.08	-0.12	-0.10	-0.12	-0.10	-0.17	-0.14	-0.10	-0.09	-0.15	-0.12	-0.12	-0.13	-0.22	-0.13	-0.09	-0.04	-0.06	0.00

Figure 1

				mAb-2 Binding to the Pre-complex of mAb-1 & MIL-33-6xHis																			
mAb-1	MIL-33-6xHis Captured(nm)	mAb-1 Binding (nm)	mAb#	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22
H4H9629P	0.15 ± 0.01	0.72 ± 0.03	1	0.03	0.01	0.01	0.02	0.02	0.02	0.02	0.01	0.02	0.02	0.01	0.01	0.05	0.04	0.03	0.05	0.01	0.21	0.60	0.59	0.01	0.01
H4H9633P	0.16 ± 0.01	0.84 ± 0.01	2	0.07	0.02	0.02	0.01	0.03	0.04	0.02	0.03	0.02	0.04	0.01	0.04	0.03	0.05	0.06	0.03	0.02	0.32	0.59	0.47	0.01	0.00
H4H9640P	0.16 ± 0.01	0.51 ± 0.01	3	0.02	0.01	0.03	0.02	0.02	0.03	0.03	0.01	0.04	0.02	0.02	0.02	0.04	0.03	0.03	0.04	0.03	0.24	0.60	0.59	0.02	0.01
H4H9658P	0.15 ± 0.01	0.56 ± 0.02	4	0.02	0.02	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.02	0.02	0.02	0.01	0.02	0.02	0.03	0.03	0.04	0.02	0.24	0.52	0.46	0.01	0.01
H4H9660P	0.15 ± 0.01	0.58 ± 0.02	5	0.03	0.01	0.02	0.02	0.03	0.02	0.02	0.02	0.03	0.02	0.01	0.03	0.03	0.03	0.03	0.04	0.03	0.28	0.52	0.46	0.03	0.00
H4H9662P	0.15 ± 0.01	0.56 ± 0.02	6	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.00	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.02	0.02	0.03	0.01	0.02	0.00	0.27	0.51	0.46	0.02	0.01
H4H9663P	0.15 ± 0.01	0.84 ± 0.02	7	0.02	0.02	0.02	0.01	0.02	0.02	0.01	0.01	0.03	0.01	0.01	0.02	0.03	0.02	0.03	0.02	0.01	0.26	0.49	0.44	0.02	0.00
H4H9664P	0.15 ± 0.01	0.61 ± 0.02	8	0.03	0.02	0.02	0.02	0.01	0.03	0.03	0.02	0.03	0.02	0.02	0.03	0.04	0.03	0.03	0.03	0.02	0.26	0.53	0.47	0.02	0.01
H4H9665P	0.16 ± 0.01	0.63 ± 0.02	9	0.02	0.01	0.01	0.01	0.00	0.02	0.04	0.01	0.01	0.00	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.00	0.28	0.58	0.52	0.01	0.01
H4H9666P	0.16 ± 0.01	0.57 ± 0.03	10	0.03	0.02	0.01	0.03	0.03	0.01	0.02	0.03	0.04	0.03	0.02	0.02	0.05	0.03	0.03	0.05	0.01	0.22	0.57	0.39	0.00	0.00
H4H9667P	0.16 ± 0.01	0.56 ± 0.02	11	0.04	0.02	0.01	0.03	0.03	0.04	0.02	0.03	0.05	0.03	0.02	0.02	0.05	0.03	0.04	0.04	0.03	0.27	0.58	0.50	0.03	0.00
H4H9670P	0.16 ± 0.01	0.56 ± 0.02	12	0.02	0.03	0.01	0.01	0.02	0.02	0.01	0.02	0.02	0.01	0.02	0.03	0.03	0.02	0.03	0.05	0.02	0.23	0.51	0.46	0.01	0.01
H4H9671P	0.15 ± 0.01	0.58 ± 0.03	13	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.03	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00	0.01	0.01	0.01	0.00	0.02	0.01	0.23	0.51	0.44	0.02	0.02
H4H9672P	0.15 ± 0.01	0.56 ± 0.02	14	0.00	0.01	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.00	0.04	0.00	0.01	0.02	0.03	0.01	0.02	0.02	0.00	0.22	0.49	0.41	0.01	0.01
H4H9678P	0.15 ± 0.01	0.52 ± 0.03	15	0.00	0.00	0.01	0.01	0.01	0.01	0.02	0.04	0.04	0.02	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.00	0.24	0.49	0.38	0.03	0.00
H4H9679P	0.16 ± 0.01	0.62 ± 0.02	16	0.01	0.01	0.00	0.01	0.00	0.01	0.01	0.00	0.02	0.01	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.02	0.01	0.22	0.53	0.46	0.02	0.02
H1M9658N	0.16 ± 0.01	0.58 ± 0.02	17	0.03	0.01	0.02	0.02	0.02	0.03	0.01	0.03	0.05	0.03	0.02	0.04	0.04	0.02	0.03	0.03	0.03	0.21	0.52	0.48	0.01	0.00
H1M9665N	0.16 ± 0.01	0.46 ± 0.02	18	0.24	0.22	0.24	0.22	0.22	0.21	0.23	0.21	0.23	0.23	0.21	0.22	0.26	0.24	0.26	0.25	0.19	0.58	0.59	0.23	0.03	0.02
H1M9666N	0.16 ± 0.01	0.58 ± 0.01	19	0.45	0.46	0.44	0.43	0.42	0.37	0.47	0.44	0.46	0.47	0.43	0.43	0.44	0.46	0.44	0.45	0.38	0.29	0.63	0.44	0.04	0.02
H1M9668N	0.16 ± 0.01	0.52 ± 0.02	20	0.38	0.32	0.39	0.39	0.32	0.33	0.34	0.26	0.49	0.30	0.26	0.29	0.42	0.38	0.39	0.43	0.28	0.17	0.48	0.08	0.00	0.01
Isotype control	0.15 ± 0.01	0.01 ± 0.01	21	0.25	0.20	0.23	0.25	0.25	0.22	0.23	0.27	0.30	0.26	0.25	0.23	0.26	0.25	0.26	0.25	0.21	0.33	0.30	0.34	0.01	0.03
Buffer	0.16 ± 0	0.02 ± 0.01	22	0.30	0.32	0.33	0.31	0.30	0.25	0.31	0.31	0.33	0.32	0.30	0.30	0.29	0.30	0.31	0.29	0.25	0.31	0.32	0.32	0.03	0.03

Figure 2