

(12) 特許協力条約に基づいて公開された国際出願

(19) 世界知的所有権機関
国際事務局

(43) 国際公開日
2022年6月30日(30.06.2022)



(10) 国際公開番号

WO 2022/138736 A1

(51) 国際特許分類:
C12Q 1/686 (2018.01) C12Q 1/6851 (2018.01)

都小金井市中町 2-24-16 株式会社 T L Genomics 内 Tokyo (JP).

(21) 国際出願番号: PCT/JP2021/047619

(22) 国際出願日: 2021年12月22日(22.12.2021)

(25) 国際出願の言語: 日本語

(26) 国際公開の言語: 日本語

(30) 優先権データ:
特願 2020-216149 2020年12月25日(25.12.2020) JP

(71) 出願人: 株式会社 T L Genomics (TL GENOMICS INC.) [JP/JP]; 〒1840012 東京都小金井市中町 2-24-16 Tokyo (JP).

(72) 発明者: 高橋 啓太 (TAKAHASHI, Keita); 〒1840012 東京都小金井市中町 2-24-16 株式会社 T L Genomics 内 Tokyo (JP). 久保 知大 (KUBO, Tomohiro); 〒1840012 東京都小金井市中町 2-24-16 株式会社 T L Genomics 内 Tokyo (JP). 土屋 純一 (TSUCHIYA, Junichi); 〒1840012 東京

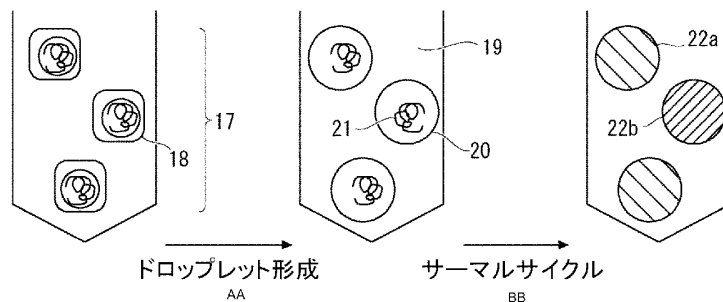
(74) 代理人: 特許業務法人鷺田国際特許事務所 (WASHIDA & ASSOCIATES); 〒1600023 東京都新宿区西新宿 1-23-7 新宿ファーストウエスト 8階 Tokyo (JP).

(81) 指定国(表示のない限り、全ての種類の国内保護が可能): AE, AG, AL, AM, AO, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BH, BN, BR, BW, BY, BZ, CA, CH, CL, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DJ, DK, DM, DO, DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, GT, HN, HR, HU, ID, IL, IN, IR, IS, IT, JO, JP, KE, KG, KH, KN, KP, KR, KW, KZ, LA, LC, LK, LR, LS, LU, LY, MA, MD, ME, MG, MK, MN, MW, MX, MY, MZ, NA, NG, NI, NO, NZ, OM, PA, PE, PG, PH, PL, PT, QA, RO, RS, RU, RW, SA, SC, SD, SE, SG, SK, SL, ST, SV, SY, TH, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, WS, ZA, ZM, ZW.

(84) 指定国(表示のない限り、全ての種類の広域保護が可能): ARIPO (BW, GH, GM, KE, LR, LS,

(54) Title: METHOD FOR DETECTING COPY NUMBER OF SPECIFIC NUCLEIC ACID PER SINGLE CELL

(54) 発明の名称: シングルセルごとの特定の核酸のコピー数の検出方法



AA Droplet formation
BB Thermal cycle

(57) Abstract: The present invention detects the copy number of a specific nucleic acid per single cell in a cell population. This method comprises, in a reaction compartment containing a DNA sample, which is derived from nucleic acids in a single cell, and a PCR system, amplifying a target contained in the DNA sample by PCR. Then, PCR amplicons for each reaction compartment are quantified during the exponential amplification phase.

(57) 要約: 細胞の集団中のシングルセルごとの特定の核酸のコピー数を検出する。シングルセル内の核酸に由来する試料DNAとPCR反応系とを含む反応区画内にて、試料DNAに含まれる標的をPCRにて増幅する。指数関数的増幅期において反応区画ごとにPCRのアンプリコンを定量する。

[続葉有]



WO 2022/138736 A1

MW, MZ, NA, RW, SD, SL, ST, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), ユーラシア (AM, AZ, BY, KG, KZ, RU, TJ, TM), ヨーロッパ (AL, AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HR, HU, IE, IS, IT, LT, LU, LV, MC, MK, MT, NL, NO, PL, PT, RO, RS, SE, SI, SK, SM, TR), OAPI (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, KM, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

添付公開書類：

一 国際調査報告（条約第21条(3)）