(12)特許協力条約に基づいて公開された国際出願

(19) 世界知的所有権機関
国際事務局

(43) 国際公開日
2005 年6 月16 日 (16.06.2005)

PCT

(10) 国際公開番号
WO 2005/054465 A1

(51) 国際特許分類[7]: C12N 15/09, 15/12, C12Q 1/68, C07K 14/47, 16/18, C12P 21/02, C12N 1/15, 1/19, 1/21, 5/10

(21) 国際出願番号: PCT/JP2004/008174

(22) 国際出願日: 2004 年6 月4 日 (04.06.2004)

(25) 国際出願の言語: 日本語

(26) 国際公開の言語: 日本語

(30) 優先権データ:
特願2003-402306 2003 年12 月1 日 (01.12.2003) JP
特願2004-006630 2004 年1 月14 日 (14.01.2004) JP

(71) 出願人 (米国を除く全ての指定国について): 株式会社ポストゲノム研究所 (POST GENOME INSTITUTE CO., LTD.) [JP/JP]; 〒1130033 東京都文京区本郷３－３８－１ 本郷イシワタビル６階 Tokyo (JP).

(72) 発明者; および
(75) 発明者/出願人 (米国についてのみ): 橋本 真一 (HASHIMOTO, Shin-ichi) [JP/JP]; 〒1100001 東京都台東区谷中２－６－４３－２０１ Tokyo (JP). 松島 綱治 (MATSUSHIMA, Kouji) [JP/JP]; 〒2710092 千葉県松戸市松戸１５９－１ 第３住宅２－９０５ Chiba (JP). 菅野 純夫 (SUGANO, Sumio) [JP/JP]; 〒1670052 東京都杉並区南荻窪４－８－１３ Tokyo (JP).

(74) 代理人: 清水 初志, 外 (SHIMIZU, Hatsushi et al.); 〒3000847 茨城県土浦市卸町１－１－１ 関鉄つくばビル６階 Ibaraki (JP).

(81) 指定国 (表示のない限り、全ての種類の国内保護が可能): AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BW, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NA, NI, NO, NZ, OM, PG, PH, PL, PT, RO, RU, SC, SD, SE, SG, SK, SL, SY, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, YU, ZA, ZM, ZW.

(84) 指定国 (表示のない限り、全ての種類の広域保護が可能): ARIPO (BW, GH, GM, KE, LS, MW, MZ, NA, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), ユーラシア (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), ヨーロッパ (AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HU, IE, IT, LU, MC, NL, PL, PT, RO, SE, SI, SK, TR), OAPI (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

添付公開書類:
— 国際調査報告書

２文字コード及び他の略語については、定期発行される各PCTガゼットの巻頭に掲載されている「コードと略語のガイダンスノート」を参照。

(54) Title: METHOD OF OBTAINING GENE TAG

(54) 発明の名称: 遺伝子タグの取得方法

(57) Abstract: It is intended to provide a method of forming the 5'-end base sequence of an mRNA as a tag. Namely, a method involving the step of synthesizing a cDNA by using, as a template, an mRNA having a IIs linker containing the recognition sequence of a IIs type restriction enzyme in its CAP structure attached thereto. By treating this cDNA with the IIs type restriction enzyme, a tag comprising the 5'-end base sequence of the mRNA is formed. Thus, a tag can be formed from any mRNA without depending on base sequences. Based on the base sequence data of the above tag, it is possible to provide a method of identifying a transcription initiation point or a primer for synthesizing a full-length cDNA.

(57) 要約: mRNAの5'末端の塩基配列をタグとして生成するための方法が提供された。本発明の方法は、CAP構造にIIs型制限酵素の認識配列を含むIIsリンカーを連結したmRNAを鋳型としてcDNAを合成する工程を含む。このcDNAにIIs型制限酵素を作用させることによって、mRNAの5'末端の塩基配列からなるタグが生成される。 塩基配列に依存せず、あらゆるmRNAからタグを生成することができる。本発明のタグの塩基配列情報に基づいて、転写開始点の同定方法や、全長cDNA合成用プライマーが提供される。

WO 2005/054465 A1