VARIABLE LIGHT CDRs

Ab	CDR 1	CDR 2	CDR 3
A1 NA	CAAGGAGACAGCCTCAGAAGCTATTA TGCAAGC (SEQ ID NO: 5)	GGTAAAAACTACCGGCCCTCA (SEQ ID NO: 52)	AACTCCCGGGACAGAAGTGGTAACCATCTGGTG TT (SEQ ID NO: 97)
AA	QGDSLRSYYAS (SEQ ID NO: 6)	GKNYRPS (SEQ ID NO: 53)	NSRDRSGNHLV (SEQ ID NO: 98)
A2 NA	CAAGGAGACAGCCTCAGAACCTATTA TGCAAGC (SEQ ID NO: 7)	GATAAAAACAACCGGCCCTCA (SEQ ID NO: 54)	AACTCCCGGGACAGCAGTGATAACCATCTAGTG GTAT (SEQ ID NO: 99)
AA	QGDSLRTYYAS (SEQ ID NO: 8)	DKNNRPS (SEQ ID NO: 55)	NSRDSSDNHLVV (SEQ ID NO: 100)
A3 NA	ACTGGGAGCAGCTCCAACATCGGGGC AGGTTTTGATGTACAC (SEQ ID NO: 9)	GATAACAACAATCGGCCCTCA (SEQ ID NO: 56)	CAGTCCTATGACAGCAACCTGAGTGGTTCGATT GTGGTTT (SEQ ID NO: 101)
AA	TGSSSNIGAGFDVH (SEQ ID NO: 10)	DNNNRPS (SEQ ID NO: 57)	QSYDSNLSGSIVV (SEQ ID NO: 102)
A4 NA	ACTGGGAGCAGCTCCAACATCGGGGC AGGTTTTGATGTGCAC (SEQ ID NO: 119)	GATAACAACAATCGCCCCTCA (SEQ ID NO: 58)	CAGTCCTATGACAGCAACCTGAGTGGTTCGATT GTGGTAT (SEQ ID NO: 103)
AA	TGSSSNIGAGFDVH (SEQ ID NO: 10)	DNNNRPS (SEQ ID NO: 57)	QSYDSNLSGSIVV (SEQ ID NO: 102)
A5 NA	GGGGGAAACAACCTTGGAAGTAAAA GTGTGCAC (SEQ ID NO: ~~11~~12)	GATGATAGCGACCGGCCCTCA (SEQ ID NO: 59)	CAGGTGTGGGATAGTAGTAGTGATCATGTGGTA T (SEQ ID NO: 104)
AA	GGNNLGSKSVH (SEQ ID NO: ~~12~~13)	DDSDRPS (SEQ ID NO: 60)	QVWDSSSDHVV (SEQ ID NO: 105)

FIGURE 1A

Ab	CDR 1	CDR 2	CDR 3
A6 NA	TCTGGAGATAAATTGGGGGATAAATA TGCTTGC (SEQ ID NO: ~~13~~14)	CAAGATAAGAAGCGGCCCTC A (SEQ ID NO: 61)	CAGGCGTGGGACAGCAGCACTGTGGTAT (SEQ ID NO: 106)
AA	SGDKLGDKYAC (SEQ ID NO: ~~14~~15)	QDKKRPS (SEQ ID NO: 62)	QAWDSSTVV (SEQ ID NO: 107)
A7 NA	TCTGGAGATAAATTGGGGGATAAATA TGCTTGC (SEQ ID NO: ~~13~~14)	CAAGATAACAAGCGGCCCTCA (SEQ ID NO: 63)	CAGGCGTGGGACAGCACCACTGCGATAT (SEQ ID NO: 108)
AA	SGDKLGDKYAC (SEQ ID NO: ~~14~~15)	QKNKPRPS (SEQ ID NO: 64)	QAWDSTTAI (SEQ ID NO: 109)
A8 NA	TCTGGAGATAAATTGGGGGATAAATA TGCTTGC (SEQ ID NO: ~~13~~14)	CAAGATAACAAGCGGCCCTCA (SEQ ID NO: 63)	CAGGCGTGGGACAGCAGCACTGTGGTAT (SEQ ID NO: 106)
AA	SGDKLGDKYAC (SEQ ID NO: ~~14~~15)	QDNKRPS (SEQ ID NO: 65)	QAWDSSTVV (SEQ ID NO: 107)
A9 NA	CAAGGAGACAGCCTCAGAATCTTTTA TGCAAAC (SEQ ID NO: ~~15~~16)	GGTAAAAACAACCGGCCCTCA (SEQ ID NO: 66)	AACTCCCGGGACAGCAGTGGTAACCATGTGGTA T (SEQ ID NO: 110)
AA	QGDSLRIFYAN (SEQ ID NO: ~~16~~17)	GKNNRPS (SEQ ID NO: 67)	NSRDSSGNHVV (SEQ ID NO: 111)
A10 NA	CGGGCAAATCAGTACATTAGCACCTA TTTAAAT (SEQ ID NO: ~~17~~18)	GCTGCATCCAGTTTGCAAAGT (SEQ ID NO: 68)	CAGCAGAGCTACACTACCCCGATCACCT (SEQ ID NO: 112)
AA	RANQYISTYLN (SEQ ID NO: ~~18~~19)	AASSLQS (SEQ ID NO: 69)	QQSYTTPIT (SEQ ID NO: 113)
A11 NA	AAGTCCAGCCAGAGTGTTTTAAACAG CTCCAACAATAAGAACTACTTAGCT (SEQ ID NO: ~~19~~20)	TGGACATCCACCCGGGAAGGC (SEQ ID NO: 70)	CAGCAGTATTTTACTACTCCGTGGACGT (SEQ ID NO: 114)
AA	KSSQSVLNSSNNKNYLA (SEQ ID NO: ~~20~~21)	WTSTREG (SEQ ID NO: 71)	QQYFTTPWT (SEQ ID NO: 115)

FIGURE 1B

Ab	CDR 1	CDR 2	CDR 3
A12 NA	CGGGCGAGTCAGGGTATTAGTAGCTG GTTAGCC (SEQ ID NO: ~~21~~22)	ACTGCATCCAGTTTGCAAAGT (SEQ ID NO: 72)	CAACAGGCTGACAGTTTCCCGCTCACTT (SEQ ID NO: 116)
AA	RASQGISSWLA (SEQ ID NO: ~~22~~23)	TASSLQS (SEQ ID NO: 73)	QQADSFPLT (SEQ ID NO: 117)
A13.1 NA	AGGTCTAGTCAAAGCCTCGTCTACAG TGATGGAGACACCTACTTGAAT (SEQ ID NO: ~~23~~24)	AAGGTTTCTAACTGGGACTCT (SEQ ID NO: 74)	ATGCAAGGTACACACTGGCCTCCGGCCT (SEQ ID NO: 118)
AA	RSSQSLVYSDGDTYLN (SEQ ID NO: ~~24~~25)	KVSNWDS (SEQ ID NO: 75)	MQGTHWPPA (SEQ ID NO: 119)
A13.2 NA	CGGGCGAGTCAGGGTCTTAGCAGCTG GTTAGCC (SEQ ID NO: ~~25~~26)	AACACATCCAGTTTGCAAAGT (SEQ ID NO: 76)	CAACAGGCTAACAGTTTCCCTCTCACTT (SEQ ID NO: 120)
AA	RASQGLSSWLA (SEQ ID NO: ~~26~~27)	NTSSLQS (SEQ ID NO: 77)	QQANSFPLT (SEQ ID NO: 121)
A14.1 NA	AGGTCTAGTCAAAGCCTCGTCTACAG TGATGGAAACACCTACTTGAAT (SEQ ID NO: ~~27~~28)	AAGGTTTCTAACTGGGACTCT (SEQ ID NO: 74)	ATGCAAGGTACACACTGGCCTCCGGCC (SEQ ID NO: 122)
AA	RSSQSLVYSDGNTYLN (SEQ ID NO: ~~28~~29)	KVSNWDS (SEQ ID NO: 75)	MQGTHWPPA (SEQ ID NO: 119)
A14.2 NA	CGGGCGAGTCAGGGTCTTAGCAGCTG GTTAGCC (SEQ ID NO: ~~25~~26)	AACACATCCAGTTTGCAAAGT (SEQ ID NO: 76)	CAACAGGCTAACAGTTTCCCTCTCACTT (SEQ ID NO: 120)
AA	RASQGLSSWLA (SEQ ID NO: ~~26~~27)	NTSSLQS (SEQ ID NO: 77)	QQANSFPLT (SEQ ID NO: 121)
A15.1 NA	AGGTCTAGTCAAAGCCTCATATACAG TGATGGAAACACTTACTTGAAT (SEQ ID NO: ~~29~~30)	AAGGTTTCTAACTGGGACTCT (SEQ ID NO: 74)	ATGCAAGGTACACACTGGCCTCCGGCC (SEQ ID NO: 122)
AA	RSSQSLIYSDGNTYLN (SEQ ID NO: ~~30~~31)	KVSNWDS (SEQ ID NO: 75)	MQGTHWPPA (SEQ ID NO: 119)

FIGURE 1C

Ab	CDR 1	CDR 2	CDR 3
A15.2 NA	CGGGCGAGTCAGGGTCTTAGCAGCTG GTTAGCC (SEQ ID NO: ~~25~~26)	ACTACATCCAGTTTGCAAAGT (SEQ ID NO: 78)	CAACAGGCTGACAGTTTCCCTCTCACTT (SEQ ID NO: 123)
AA	RASQGLSSWLA (SEQ ID NO: ~~26~~27)	TTSSLQS (SEQ ID NO: 79)	QQADSFPLT (SEQ ID NO: 117)
A16.1 NA	AGGTCTAGTCAAAGCCTCGTATACAG TGATGGAAACACCTACTTGAAT (SEQ ID NO: ~~31~~32)	AAGGTTTCTTACTGGGACTCT (SEQ ID NO: 80)	ATGCAAGGTACACACTGGCCTCCGGCCT (SEQ ID NO: 118)
AA	RSSQSLVYSDGNTYLN (SEQ ID NO: ~~32~~33)	KVSYWDS (SEQ ID NO: 81)	MQGTHWPPA (SEQ ID NO: 119)
A16.2 NA	CGGGCGAGTCAGAGTCTTAGCAGCTG GTTAGCC (SEQ ID NO: ~~33~~34)	AATGCATCCAGTTTGCAAAGT (SEQ ID NO: 82)	CAACAGGCTAACAGTTTCCCTCTCACTT (SEQ ID NO: 120)
AA	RASQSLSSWLA (SEQ ID NO: ~~34~~35)	NASSLQS (SEQ ID NO: 83)	QQANSFPLT (SEQ ID NO: 121)
A-17 NA	GGCTTGAACTCTGGCTCAGTCTCTACT AGTTACTTCCCCAGC (SEQ ID NO: ~~35~~36)	AGCACAAACAGTCGCTCTTCT (SEQ ID NO: 84)	GTGCTGTATATGGGTAGAGGCATTTGGGTGT (SEQ ID NO: 124)
AA	GLNSGSVSTSYFPS (SEQ ID NO: ~~36~~37)	STNSPSS (SEQ ID NO: 85)	VLYMGRGIWV (SEQ ID NO: 125)
A18.1 NA	AGGTCTAGTCAAAGCCTCGTATACAG TGATGGAAACACCTACTTGAAT (SEQ ID NO: ~~31~~32)	AAGGTTTCTTACTGGGACTCT (SEQ ID NO: 80)	ATGCAAGGTACACACTGGCCTCCGGCCT (SEQ ID NO: 118)
AA	RSSQSLVYSDGNTYLN (SEQ ID NO: ~~32~~33)	KVSYWDS (SEQ ID NO: 81)	MQGTHWPPA (SEQ ID NO: 119)
A18.2 NA	CGGGCGAGTCAGAGTCTTAGCAGCTG GTTAGCC (SEQ ID NO: ~~33~~34)	AATGCATCCAGTTTGCAAAGT (SEQ ID NO: 82)	CAACAGGCTAACAGTTTCCCTCTCACTT (SEQ ID NO: 120)
AA	RASQSLSSWLA (SEQ ID NO: ~~34~~35)	NASSLQS (SEQ ID NO: 83)	QQANSFPLT (SEQ ID NO: 121)

FIGURE 1D

Ab	CDR 1	CDR 2	CDR 3
A19.1 NA	AGGTCTAGTCAAAGCCTCGTCTACAG TGATGGAGACACCTACTTGAAT (SEQ ID NO: ~~37~~38)	AAGGTTTCTAACTGGGACTCT (SEQ ID NO: 74)	ATGCAAGGTACACACTGGCCTCCGGCCT (SEQ ID NO: 118)
AA	RSSQSLVYSDGDTYLN (SEQ ID NO: ~~38~~39)	KVSNWDS (SEQ ID NO: 75)	MQGTHWPPA (SEQ ID NO: 119)
A19.2 NA	CGGGCGAGTCAGGGTCTTAGCAGCTG GTTAGCC (SEQ ID NO: ~~25~~26)	AACACATCCAGTTTGCAAAGT (SEQ ID NO: 76)	CAACAGGCTAACAGTTTCCCTCTCACTT (SEQ ID NO: 120)
AA	RASQGLSSWLA (SEQ ID NO: ~~26~~27)	NTSSLQS (SEQ ID NO: 77)	QQANSFPLT (SEQ ID NO: 121)
A20.1 NA	AGGTCTAGTCAAAGCCTCGTCTACAG TGATGGAGACACCTACTTGAAT (SEQ ID NO: ~~37~~38)	AAGGTTTCTAACTGGGACTCT (SEQ ID NO: 74)	ATGCAAGGTACACACTGGCCTCCGGCCT (SEQ ID NO: 118)
AA	RSSQSLVYSDGDTYLN (SEQ ID NO: ~~38~~39)	KVSNWDS (SEQ ID NO: 75)	MQGTHWPPA (SEQ ID NO: 119)
A20.2 NA	CGGGCGAGTCAGGGTCTTAGCAGCTG GTTAGCC (SEQ ID NO: ~~25~~26)	AACACATCCAGTTTGCAAAGT (SEQ ID NO: 76)	CAACAGGCTAACAGTTTCCCTCTCACTT (SEQ ID NO: 120)
AA	RASQGLSSWLA (SEQ ID NO: ~~26~~27)	NTSSKQS (SEQ ID NO: 86)	QQANSFPLT (SEQ ID NO: 121)
A21 NA	ACTGGGAGCAGCTCCAACATTGGGGC GGGTTATGTTGTACAT (SEQ ID NO: 40)	GGTAACAGCAATCGGCCCTCA (SEQ ID NO: 87)	AAAGCATGGGATAACAGCCTGAATGCTCAAGG GGTAT (SEQ ID NO: 126)
AA	TGSSSNIGAGYVVH (SEQ ID NO: 41)	GNSNRPS (SEQ ID NO: 88)	KAWDNSLNAQGV (SEQ ID NO: 127)
A22 NA	AAGTCCAGCCAGAGTGTTTTATACAA CTCCAACAATAAGAACTACTTAGCT (SEQ ID NO: 42)	TGGGCTTCTACCCGGGAATCC (SEQ ID NO: 89)	CAGCAATTTTATGGTCCTCCTCTCACTT (SEQ ID NO: 128)
AA	KSSQSVLYNSNNKNYLA (SEQ ID NO: 43)	WASTRES (SEQ ID NO: 90)	QQFYGPPLT (SEQ ID NO: 129)

FIGURE 1E

Ab	CDR 1	CDR 2	CDR 3
A23 NA	TCTGGTGATAAATTGGGGGATAAATT TGCTTTC (SEQ ID NO: 44)	CAAGATAGCAAGCGGCCCTCA (SEQ ID NO: 91)	CAGGCGTGGGACAGCAGCGCCGGGGGGGTA (SEQ ID NO: 130)
AA	SGDKLGDKFAF (SEQ ID NO: 45)	QDSKRPS (SEQ ID NO: 92)	QAWDSSAGGV (SEQ ID NO: 131)
A24 NA	CAAGGAGACAGCCTCAGAAGCTATCA TGCAAGC (SEQ ID NO: 46)	GGTGAAAACAACCGGCCCTCA (SEQ ID NO: 93)	AATTATCGGGACAACAGTGGTAACCATCTGGTG T (SEQ ID NO: 132)
AA	QGDSLRSYHAS (SEQ ID NO: 47)	GENNRPS (SEQ ID NO: 94)	NYRDNSGNHLV (SEQ ID NO: 133)
A25 NA	AAGTCCAGCCAGAGTGTTTTATACAA CTCCAACAATAAGAACTACTTAGCT (SEQ ID NO: 42)	TGGGCTTCTACCCGGGAATCC (SEQ ID NO: 89)	CAGCAATTTTATGGTCCTCCTCTCACTT (SEQ ID NO: 128)
AA	KSSQSVLYNSNNKNYLA (SEQ ID NO: 43)	WASTRES (SEQ ID NO: 90)	QQFYGPPLT (SEQ ID NO: 129)
A26 NA	TCTGGAGATAATTTGGGGGATAAATA TATTTGC (SEQ ID NO: 48)	CAAGATAACAAGCGGCCCTCA (SEQ ID NO: 63)	CAGGCGTGGGACAGCAGCACTGTGGTAT (SEQ ID NO: 106)
AA	SGDNLGDKYIC (SEQ ID NO: 49)	QDNKRPS (SEQ ID NO: 65)	QAWDSSTVV (SEQ ID NO: 107)
A27 NA	TCTGGAGATAAATTGGGGGAAAGCTA TGCTTGC (SEQ ID NO: 50)	CAAGATTACAAGCGGCCCTCA (SEQ ID NO: 95)	CAGGCGTGGGACAGAAGTACTGTACTAT (SEQ ID NO: 134)
AA	SGDKLGESYAC (SEQ ID NO: 51)	QDYKRPS (SEQ ID NO: 96)	QAWDRSTVL (SEQ ID NO: 135)

FIGURE 1F

VARIABLE HEAVY CDRs

Ab	CDR 1	CDR 2	CDR 3
A1 NA	AACTATGGCATGCAC (SEQ ID NO: 136)	GTTATATGGTATGATGGAAGTAA TAAATACTATGCAGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 164)	CTAGTGGGAGCTACCAACTACTACGGTATGGACGTC (SEQ ID NO: 203)
AA	NYGMH (SEQ ID NO: 137)	VIWYDGSNKYYADSVKG (SEQ ID NO: 165)	LVGATNYYGMDV (SEQ ID NO: 204)
A2 NA	GATTTTACCATGCAC (SEQ ID NO: 138)	CTTATTAGTTGGGATGGTGGTAG CACATACTATGCAGACTCTGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 166)	CCTTACTACTACTTCTACGGTATGGACGTC (SEQ ID NO: 205)
AA	DFTMH (SEQ ID NO: 139)	LISWDGGSTYYADSVKG (SEQ ID NO: 167)	PYYYFYGMDV (SEQ ID NO: 206)
A3 NA	GACTACTATATGTAC (SEQ ID NO: 140)	TGGATCAACCCTAACAGTGGTGG CACAAACTATGTACAGAAGTTTC AGGGC (SEQ ID NO: 168)	GATGGGGGTAGCAGTGGCTGGCCCCTCTTTGCCTAC (SEQ ID NO: 207)
AA	DYYMY (SEQ ID NO: 141)	WINPNSGGTNYVQKFQG (SEQ ID NO: 169)	DGGSSGWPLFAY (SEQ ID NO: 208)
A4 NA	GGCGACTATATGCAC (SEQ ID NO: 142)	TGGATCAACCCTAACAGTGGTGG CACAAACCATGCACGGAAGTTTC AGGGC (SEQ ID NO: 170)	GATAGGGGTACCAGTGGCTGGCCACTCTTTGACTAT (SEQ ID NO: 209)
AA	GDYMH (SEQ ID NO: 143)	WINPNSGGTNHARKFQG (SEQ ID NO: 171)	DRGTSGWPLFDY (SEQ ID NO: 210)

FIGURE 2A

Ab	CDR 1	CDR 2	CDR 3
A5 NA	ACCTATGGCATGCAC (SEQ ID NO: 144)	GTTATATGGTATGATGGAAGTAA TAAACACTATGCAGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 172)	GCCCCTCAGTGGGAGCTAGTTCATGAAGCTTTTGATATC (SEQ ID NO: 211)
AA	TYGMH (SEQ ID NO: 145)	VIWYDGSNKHYADSVKG (SEQ ID NO: 173)	APQWELVHEAFDI (SEQ ID NO: 212)
A6 NA	AGCTATGGCATTCAC (SEQ ID NO: 146)	GTTATATCATATGATGGAAGTTA TAAATACTATGCAGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 174)	GGGGACTCCTGGAACGACAGATTAAACTACTACTTCTACG ATATGGACGTC (SEQ ID NO: 213)
AA	SYGIH (SEQ ID NO: 147)	VISYDGSYKYYADSVKG (SEQ ID NO: 175)	GDSWNDRLNYYFYDMDV (SEQ ID NO: 214)
A7 NA	AGTGGTGGTTACTACTG GAGC (SEQ ID NO: 148)	TTCATCCATTACAGTGGGACCAC CTACTACAACCCGTCCCTCAAGA GT (SEQ ID NO: 176)	GAAGTTGGCAGCTCGTCGGGTAACTGGTTCGACCCC (SEQ ID NO: 215)
AA	SGGYYWS (SEQ ID NO: 149)	FIHYSGTTYYNPSLKS (SEQ ID NO: 177)	EVGSSSGNWFDP (SEQ ID NO: 216)
A8 NA	AGCTATGGCATTCAC (SEQ ID NO: 146)	GTTATATCATATGATGGAAGTAA TAAATACTATGCAGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 178)	GGGGACTCCTGGAACGACAGATTAAACTACTACTTCTACG ATATGGACGTC (SEQ ID NO: 213)
AA	SYGIH (SEQ ID NO: 147)	VISYDGSNKYYADSVKG (SEQ ID NO: 179)	GDSWNDRLNYYFYDMDV (SEQ ID NO: 214)
A9 NA	AGCTATGGCATGCAC (SEQ ID NO: 150)	GTTATATGGTATGATGGAAGTAA TACATACTATGCAGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 180)	GAGGTCCGGGCGTATAGCAGTGGCTGGTACGCCGCCTTTG ACTAC (SEQ ID NO: 217)
AA	SYGMH (SEQ ID NO: 151)	VIWYDGSNTYYADSVKG (SEQ ID NO: 181)	EVRAYSSGWYAAFDY (SEQ ID NO: 218)

FIGURE 2B

Ab	CDR 1	CDR 2	CDR 3
A10 NA	AGTTATGGCATGCAC (SEQ ID NO: 152)	GTTATATGGTATGATGGAAGTAG TAAATACTATGCAGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 182)	GTAAGAAGTGGGAGCTACTACGAACAGTATTACTACGGTA TGGACGTC (SEQ ID NO: 219)
AA	SYGMH (SEQ ID NO: 151)	VIWYDGSSKYYADSVKG (SEQ ID NO: 183)	VRSGSYYEQYYYGMDV (SEQ ID NO: 220)
A11 NA	AGTTATAGCATGAAC (SEQ ID NO: 153)	TACATTAGTGGTCGTACTAGTAG CGTATACTACGCAGACTCTGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 184)	AGTGGGATCTACTACGACTACTACGGTATGGACGTC (SEQ ID NO: 221)
AA	SYSMN (SEQ ID NO: 154)	YISGRTSSVYYADSVKG (SEQ ID NO: 185)	SGIYYDYYGMDV (SEQ ID NO: 222)
A12 NA	AGCTATGGCATGCAC (SEQ ID NO: 150)	GTTATATGGTATGATGGAAGTAA TAAATACTATGCAGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 164)	GGGGCAGCCACTGCTATAGATTACTACTACTCCTACGGTA TGGACGTC (SEQ ID NO: 223)
AA	SYGMH (SEQ ID NO: 151)	VIWYDGSNKYYADSVKG (SEQ ID NO: 165)	GAATAIDYYYSYGMDV (SEQ ID NO: 224)
A13 NA	AGCTATGGCATGCAC (SEQ ID NO: 150)	GTTATATGGTATGATGGAAGTAA TAAATACTATGCAGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 164)	GGGGGGGGTATACCAGTAGCTGACTACTACTACTACGGTA TGGACGTC (SEQ ID NO: 225)
AA	SYGMH (SEQ ID NO: 151)	VIWYDGSNKYYADSVKG (SEQ ID NO: 165)	GGGIPVADYYYYGMDV (SEQ ID NO: 226)
A14 NA	AGCTATGGCATGCAC (SEQ ID NO: 150)	GTTATATGGTATGATGGAAGTAA TAAATACTATGCAGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 164)	GGGGGGGGTATACCAGTAGCTGACTACTACTACTACGGTA TGGACGTC (SEQ ID NO: 225)
AA	SYGMH (SEQ ID NO: 151)	VIWYDGSNKYYADSVKG (SEQ ID NO: 165)	GGGIPVADYYYYGMDV (SEQ ID NO: 226)

FIGURE 2C

Ab	CDR 1	CDR 2	CDR 3
A15 NA	AACTATGGCATGCAC (SEQ ID NO: 136)	GTTATATGGTTTGATGGAAGTAA TAAATACTATGCGGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 186)	GGGGGGGGTATAGCAGTGGCTGACTACTACTTCTACGGTA TGGACGTC (SEQ ID NO: 227)
AA	NYGMH (SEQ ID NO: 137)	VIWFDGSNKYYADSVKG (SEQ ID NO: 187)	GGGIAVADYYFYGMDV (SEQ ID NO: 228)
A16 NA	AACTATGGCATGCAC (SEQ ID NO: 136)	GTTATATGGTATGATGGAAGTAA TAAATACTATGCAGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 164)	GGGGGGGGTATAGCAGTGGCTGACTACTACTACTACGGTA TGGACGTC (SEQ ID NO: 229)
AA	NYGMH (SEQ ID NO: 137)	VIWYDGSNKYYADSVKG (SEQ ID NO: 165)	GGGIAVADYYYYGMDV (SEQ ID NO: 230)
A17 NA	AGTTATGGCATGCTC (SEQ ID NO: 155)	GTTTTATGGTTTGATGGAAGTTA TAAAAACTATGCAGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 188)	GATAGTACAACTATGGCCCACTTTGACTAC (SEQ ID NO: 231)
AA	SYGML (SEQ ID NO: 156)	VLWFDGSYKNYADSVKG (SEQ ID NO: 189)	DSTTMAHFDY (SEQ ID NO: 232)
A18 NA	AACTATGGCATGCAC (SEQ ID NO: 136)	GTTATATGGTATGATGGAAGTAA TAAATACTATGCAGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 164)	GGGGGGGGTATAGCAGTGGCTGACTACTACTACTACGGTA TGGACGTC (SEQ ID NO: 229)
AA	NYGMH (SEQ ID NO: 137)	VIWYDGSNKYYADSVKG (SEQ ID NO: 165)	GGGIAVADYYYYGMDV (SEQ ID NO: 230)
A19 NA	AGCTATGGCATGCAC (SEQ ID NO: 150)	GTTATATGGTATGATGGAAGTAA TAAATACTATGCAGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 164)	GGGGGGGGTATACCAGTAGCTGACTACTACTACTACGGTA TGGACGTC (SEQ ID NO: 225)
AA	SYGMH (SEQ ID NO: 151)	VIWYDGSNKYYADSVKG (SEQ ID NO: 165)	GGGIPVADYYYYGMDV (SEQ ID NO: 226)

FIGURE 2D

Ab	CDR 1	CDR 2	CDR 3
A20 NA	AGCTATGGCATGCAC (SEQ ID NO: 150)	GTTATATGGTATGATGGAAGTAA TAAATACTATGCAGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 164)	GGGGGGGGTATACCAGTAGCTGACTACTACTACTACGGTA TGGACGTC (SEQ ID NO: 225)
AA	SYGMH (SEQ ID NO: 151)	VIWYDGSNKYYADSVKG (SEQ ID NO: 165)	GGGIPVADYYYYGMDV (SEQ ID NO: 226)
A21 NA	AGCTATGCCATGAGC (SEQ ID NO: 157)	GCAATTAGTGGTAGTGGTGGAA GTACACACTACGCAGACTCCGTG AAGGGC (SEQ ID NO: 190)	GATCTCAACTGGGGAGCTTTTGATATC (SEQ ID NO: 233)
AA	SYAMS (SEQ ID NO: 158)	AISGSGGSTHYADSVKG (SEQ ID NO: 191)	DLNWGAFDI (SEQ ID NO: 234)
A22 NA	GGCTATGTCATGACT (SEQ ID NO: 159)	GGAATTAGTGGTAGTGGTGGTA GCACATACTACGCAGACTCCGTG AAGGGC (SEQ ID NO: 192)	GGAGACAGCTCGAACTACTACTCCGGTATGGACGTC (SEQ ID NO: 235)
AA	GYVMT (SEQ ID NO: 160)	GISGSGGSTYYADSVKG (SEQ ID NO: 193)	GDSSNYYSGMDV (SEQ ID NO: 236)
A23 NA	GGCTACTATATGCAC (SEQ ID NO: 161)	TGGATCAACCCTAACAATGGTGG CACAAACTATGGACAGAAGTTTC AGGGC (SEQ ID NO: 194)	GGGAACTGGAACGACGATGCTTTTGATATC (SEQ ID NO: 237)
AA	GYYMH (SEQ ID NO: 162)	WINPNNGGTNYGQKFQG (SEQ ID NO: 195)	GNWNDDAFDI (SEQ ID NO: 238)
A24 NA	AGCTATGGCATGCAC (SEQ ID NO: 150)	GTTATATGGTATGATGGAAGTAA TAAATACTATGTAGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 196)	ATGGGGTTTACTATGGTTCGGGGAGCCCTCTACTACGGTA TGGACGTC (SEQ ID NO: 239)
AA	SYGMH (SEQ ID NO: 151)	VIWYDGSNKYYVDSVKG (SEQ ID NO: 197)	MGFTMVRGALYYGMDV (SEQ ID NO: 240)

FIGURE 2E

Ab	CDR 1	CDR 2	CDR 3
A25 NA	AGCTATGCCATGAGC (SEQ ID NO: 157)	GCTATTAGTCGTAGTGGTAGTAC CACATACTACGCAGACTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 198)	CCGAGATATTTTGACTGGTTATTAGGCGAC (SEQ ID NO: 241)
AA	SYAMS (SEQ ID NO: 158)	AISRSGSTTYYADSVKG (SEQ ID NO: 199)	RPYFDWLLGD (SEQ ID NO: 242)
A26 NA	AGCTATGGCATGCAC (SEQ ID NO: 150)	GTTAAATGGTATGAAGGAAGTA ATAAATACTATGGAGACTCCGTG AAGGGC (SEQ ID NO: 200)	GGCGCCCACGACTACGGTGACTTCTACTACGGTATGGACG TC (SEQ ID NO: 243)
AA	DFTMH (SEQ ID NO: 163)	LISWDGGSTYYADSVKG (SEQ ID NO: 167)	PYYYFYGMDV (SEQ ID NO: 206)
A27 NA	AGCTATGCCATGAGC (SEQ ID NO: 157)	GCTATTAGTTATAGTGGCGGTAG CACATACTACGCAGGCTCCGTGA AGGGC (SEQ ID NO: 201)	GATCGGGAGGGAGCGACTTGGTACTACGGTATGGACGTC (SEQ ID NO: 244)
AA	SYAMS (SEQ ID NO: 158)	AISYSGGSTYYAGSVKG (SEQ ID NO: 202)	DREGATWYYGMDV (SEQ ID NO: 245)

FIGURE 2F