Binding agent	SEQ ID NO:	HCDR1	SEQ ID NO:	HCDR2	SEQ ID NO:	HCDR3	SEQ ID NO:	LCDR1	SEQ ID NO:	LCDR2	SEQ ID NO:	LCDR3
1	1	SYAIS	24	VINPSAGST DYAQKFQG	58	DLYPYVVVVAAGS YGMDV	96	RASQGIDSYLA	129	AASSLQS	152	QQSYSTPIT
2	2	SYYMH	25	WMNPNSDI AGYAQKFQ G	59	PSIVGAYDAFDI	97	RASQSISSWLA	129	AASSLQS	153	QQSYTTPIT
3	3	RHLLH	26	WISPQHGV RNYAQKFQ G	60	ESVEGYFDL	98	RASQSISSYLN	129	AASSLQS	154	QQIFSTPLT
4	4	SHHMH	27	WVSPSHGL TGYAQKFQ G	61	DNWNVHDAFDI	99	RASQGISSYLA	130	GASNLQS	155	QQSYSTPLT
5	5	RFMH	28	WMSLNSGL TGYAQKFQ G	62	GTYNDAFDI	100	RASQTISNYLN	129	AASSLQS	153	QQSYTTPIT
6	6	SYYIH	29	WMKPSSGT TGYAQKFQ G	63	EQWLVNDAFDI	101	RASQSVDRNYVT	131	GASTRAT	156	QQSYTTPYT
7	7	NYYIH	30	WMNPNGD VAGYAQKF QG	64	DSSGWMRNDAFDI	102	RASQGISQYLA	132	GASNLHS	157	QQTFTTPLT
8	2	SYYMH	31	GIDPNSGGT NYAQKFQG	65	SMFPTIFGDNAFDI	103	QASQDIGNYLN	133	AASSLES	155	QQSYSTPLT
9	8	HYYMH	32	WMNPDSGS TGYAQKFQ G	66	ALFPYPFYYYYMD V	104	RASQGIRNDLG	134	SASNLQS	158	QQANSFPFT
10	9	GYYMH	33	WMSLNSGL TGYAQKFQ G	67	DRGWFDP	97	RASQSISSWLA	135	AASTLES	159	QQSYTTPYS

Fig. 1A

11	7	NYYIH	34	WMNPNGDV AGYADSFQG	64	DSSGWMRNDAFDI	102	RASQGISQYLA	132	GASNLHS	160	QQTFITPLT
12	10	NYMYH	35	WISTYHGST NYAQKFQG	68	DARGYSGYDL	105	RASQHGNYLA	136	HASILET	161	QQSYSTPT
13	2	SYYMH	25	WMNPNSDIA GYAQKFQG	69	EGRHGEYLY	106	RASQHSSYLN	129	AASSLQS	162	QQGFSTPFT
14	11	TYYVH	36	WMNPNTVY TGSAQKFQG	70	EGWGSSGYFDY	107	QASQDISNYLN	129	AASSLQS	163	QQSFTNPVT
15	12	SYALS	37	RIIPAVGSVT YAQKFQG	71	HLFPTVFDDYYGM DV	108	RASQGISNYLA	137	AASTLQS	164	QQSYSAPYT
16	1	SYAIS	38	GIIPIFGTAN YAQKFQG	72	GGYSYGSFQH	109	RASQGISNNLN	138	AATTLQS	165	QQSYSTPYT
17	13	RHYVH	39	WMSPSSGIT GYAQKFQG	73	VRWSSDAFDI	98	RASQSISSYLN	129	AASSLQS	155	QQSYSTPLT
18	2	SYYMH	40	WMTPSTGN AGYAQKFQ G	74	EEWLGHFQH	110	RASQGISNGLS	137	AASTLQS	166	QQSHSTPLT
19	14	SHYMH	41	WMNPNSGN TGYAQKFQ G	75	ERFLGGMDV	111	RASQSITGWLA	129	AASSLQS	165	QQSYSTPYT
20	15	DYYMH	42	WMHPNSGH TGYAQKFQ G	74	EEWLGHFQH	97	RASQSISSWLA	139	DATHLET	152	QQSYSTPIT
21	14	SHYMH	43	WMNPNSGH TGNAQKFQ G	76	GNWVDAFDI	112	RASQGIRNDLA	137	AASTLQS	155	QQSYSTPLT
22	16	GYTLH	44	WIDPNSGVT SSAQKFQG	77	ESEVMMAYFQH	113	QASQDISSYLN	140	AASSLQT	165	QQSYSTPYT
23	9	GYYMH	45	WISPNSGVT DFTQKFQG	78	ESWSGEFDY	114	RASQSITTYLN	141	AASSLQG	165	QQSYSTPYT

Fig. 1B

24	17	NHYMH	46	WMNPNSGH TGYAQRFQG	79	EAVAGPMDV	SEQ ID NO:	LCDR1	SEQ ID NO:	LCDR2	SEQ ID NO:	LCDR3
25	9	GYYMH	25	WMNPNSDIA GYAQKFQG	80	DAWELLAFDI	98	RASQSISSYLN	129	AASSLQS	155	QQSYSTPLT
26	17	NHYMH	41	WMNPNSGN TGYAQKFQ G	81	DRWDGDYYSA	115	RASQSVSTWLA	142	AASNLES	165	QQSYSTPYT
27	7	NYYIH	47	WMSPNGGN TGYAQKFQ G	82	ESWELTGFDY	116	RASQSISNWLA	143	DVSHLES	167	QQSYSTPFT
28	2	SYYMH	41	WMNPNSGN TGYAQKFQ G	83	ERFAGGMDA	117	QASQGISNYLA	144	DASSLQS	155	QQSYSTPLT
29	18	NSYMH	48	WMDPSSGY TGSAHKFQG	84	DSGGAFDI	118	RASQSLSSSSLA	131	GASTRAT	168	QQYGSSPFT
30	19	TYYMH	49	WMNPHSAD TGYAEKFQG	85	EVFEGGMDV	119	RASEHIANWLA	145	GVSSLES	165	QQSYSTPYT
31	2	SYYMH	50	WLTPSTGHA GYAQKFQG	86	EGYGGNYGN	120	RASQSVGSWVA	146	PASTLQS	155	QQSYSTPLT
32	2	SYYMH	51	WMNPNSGH TGYAQKFQ G	87	EDFYGDFDY	121	RASQSISPWLA	147	DASNLET	169	QQTYSTPIT
33	20	RHFIH	44	WIDPNSGVT SSAQKFQG	88	ELSRWGFDY	122	RASQGISRYLA	137	AASTLQS	155	QQSYSTPLT
34	3	RHLLH	52	WISPQHGVR NYAHKFQG	60	ESVEGYFDL	123	RASQTVSSNYLA	148	GASTRAS	170	QQYYTTPLT

Fig. 1C

35	2	SYYMH	53	MINPSGGSTS YAQKFQG	89	DIFPTMIAGGFDL	98	RASQSISSYLN	129	AASSLQS	171	QQSFSTPLT
36	21	TFGIS	38	GIIPIFGTANY AQKFQG	90	GGYSYGSFDY	97	RASQSISSWLA	147	DASNLET	172	QQSYSTPPT
37	22	SYGIN	41	WMNPNSGNT GYAQKFQG	91	GSFPLVFTIFGVGD V	109	RASQGISNNLN	150	ATSTLQS	165	QQSYSTPYT
38	2	SYYMH	54	WISPRSGVTS YAQKFQG	92	DLDYVRAFDI	124	RSSQGIRNDLS	151	LASNSHS	173	LQHNSYPLT
39	2	SYYMH	55	WMDPNSGNT GYAQKFQG	93	ESWGGYFDL	126	RASQSISRWLA	129	AASSLQS	165	QQSYSTPYT
40	23	NHYVH	56	WMNPTGGIT GYAQKFQG	94	DRTTYAFDI	97	RASQSISSWLA	149	DSSSLQT	174	QQSYSTPVT
41	14	SHYMH	43	WMNPNSGHT GNAQKFQG	76	GNWVDAFDI	125	RDSHSITTWLA	142	AASNLES	175	QHFYNTQYT
42	3	RHLLH	57	WVSPIHGLTG YAPRFQG	95	VHGSGSDGMDV	127	RASQVIRNDLA	137	AASTLQS	176	QQSLQYPSHF

Fig. 1D

Binding Agent	SEQ ID NO:	HFW1	SEQ ID NO:	HFW2	SEQ ID NO:	HFW3	SEQ ID NO:	HFW4
1	177	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGGTFS	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
2	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	197	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAI	202	WGQGTLVT VSS
3	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
4	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
5	179	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFN	192	WVRQAPGQG LEWMG	198	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCTR	202	WGQGTLVT VSS
6	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
7	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	193	WVRQAPGQG LEWLG	197	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAI	202	WGQGTLVT VSS
8	180	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGNTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
9	181	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGHSFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
10	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	194	WVRQAPGQG LEWIG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS

Fig. 2A

11	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	193	WVRQAPGQG LEWLG	197	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAI	202	WGQGTLVT VSS
12	177	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGGTFS	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
13	182	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYPFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
14	183	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYRFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
15	184	QVQLVQSGAEVKKPGSSVK VSCKASGGTFS	192	WVRQAPGQG LEWMG	199	RVTITADESTSTAYMELSSLRS EDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
16	184	QVQLVQSGAEVKKPGSSVK VSCKASGGTFS	192	WVRQAPGQG LEWMG	199	RVTITADESTSTAYMELSSLRS EDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
17	185	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGDTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
18	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	195	WVRQAPGQG LEWVG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
19	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	203	WGQGTTVT VSS
20	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	200	RVTMTRDTSTSTVNMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
21	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	204	WGQGTMVT VSS
22	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SFDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS

Fig. 2B

23	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
24	185	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGDTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	203	WGQGTTVT VSS
25	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
26	186	QVQLAQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
27	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
28	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	203	WGQGTTVT VSS
29	187	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFS	192	WVRQAPGQG LEWMG	201	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAE	204	WGQGTMVT VSS
30	188	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYPFS	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	203	WGQGTTVT VSS
31	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
32	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
33	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	205	WGPGTMVT VSS
34	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	206	WGRGTLVT VSS

Fig. 2C

35	188	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYPFS	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	206	WGRGTLVT VSS
36	184	QVQLVQSGAEVKKPGSSVK VSCKASGGTFS	192	WVRQAPGQG LEWMG	199	RVTITADESTSTAYMELSSLRS EDTAVYYCAR	202	WGQGTLVT VSS
37	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	204	WGQGTMVT VSS
38	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	203	WGQGTTVT VSS
39	189	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYSFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	206	WGRGTLVT VSS
40	190	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFI	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	204	WGQGTMVT VSS
41	178	QVQLVQSGAEVKKPGASVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	196	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCAR	204	WGQGTMVT VSS
42	191	QVQLVQSGAEVKKPGSSVK VSCKASGYTFT	192	WVRQAPGQG LEWMG	199	RVTITADESTSTAYMELSSLRS EDTAVYYCAR	203	WGQGTTVT VSS

Fig. 2D

Binding agent	SEQ ID NO:	LFW1	SEQ ID NO:	LFW2	SEQ ID NO:	LFW3	SEQ ID NO:	LFW4
1	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
2	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
3	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
4	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
5	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
6	208	EIVMTQSPATLSVSPGERATLS C	211	WYQQKPGQAPRLLI Y	214	GIPARFSGSGSGTEFTLTISSLQSEDFAVYY C	218	FGQGTKVEI K
7	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
8	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
9	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
10	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K

Fig. 3A

11	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
12	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
13	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
14	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
15	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
16	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
17	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
18	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
19	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	218	FGQGTKVEI K
20	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	219	FGQGTRLEIK
21	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
22	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	221	FGQGTKLEIK

Fig. 3B

23	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	218	FGQGTKVEI K
24	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	220	FGGGTKLEIK
25	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	221	FGQGTKLEIK
26	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	222	FGPGTKVDI K
27	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
28	208	EIVMTQSPATLSVSPGERATLS C	211	WYQQKPGQAPRLLI Y	214	GIPARFSGSGSGTEFTLTISSLQSEDFAVYY C	222	FGPGTKVDI K
29	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	221	FGQGTKLEIK
30	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
31	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	219	FGQGTRLEIK
32	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	218	FGQGTKVEI K
33	208	EIVMTQSPATLSVSPGERATLS C	211	WYQQKPGQAPRLLI Y	214	GIPARFSGSGSGTEFTLTISSLQSEDFAVYY C	217	FGGGTKVEI K
34	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	219	FGQGTRLEIK

Fig. 3C

35	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	218	FGQGTKVEI K
36	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	218	FGQGTKVEI K
37	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	217	FGGGTKVEI K
38	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	221	FGQGTKLEIK
39	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	218	FGQGTKVEI K
40	209	DIQITHSPSSLSASVGYRLTITC	212	WYHQKPWNAPKLMI Y	215	GVPSRFSGSGSGTYFTLTISSLQPEDFATYY C	218	FGQGTKVEI K
41	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	213	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYY C	218	FGQGTKVEI K
42	207	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTIT C	210	WYQQKPGKAPKLLI Y	216	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFAPYY C	222	FGPGTKVDI K

Fig. 3D

Binding agent	SEQ ID NO:	VH
1	223	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGGTFSSYAISWVRQAPGQGLEWMGVINPSAGSTDYAQKFQGRVTMTRDTSTSTV YMELSSLRSEDTAVYYCARDLYPYVVVVVAAGSYGMDVWGQGTLVTVSS
2	224	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSDIAGYAQKFQGRVTMTRDTSTS TVYMELSSLRSEDTAVYYCAIPSIVGAYDAFDIWGQGTLVTVSS
3	225	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTRHLLHWVRQAPGQGLEWMGWISPQHGVRNYAQKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCARESVEGYFDLWGQGTLVTVSS
4	226	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSHHMHWVRQAPGQGLEWMGWVSPSHGLTGYAQKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCARDNWNVHDAFDIWGQGTLVTVSS
5	227	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFNRFMHWVRQAPGQGLEWMGWMSLNSGLTGYAQKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCTRGTYNDAFDIWGQGTLVTVSS
6	228	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYYIHWVRQAPGQGLEWMGWMKPSSGTTGYAQKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCAREQWLVNDAFDIWGQGTLVTVSS
7	229	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYYIHWVRQAPGQGLEWMGWMKPSSGTTGYAQKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCAREQWLVNDAFDIWGQGTLVTVSS
8	230	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGNTFTSYYMHWVRQAPGQGLEWMGGIDPNSGGTNYAQKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCARSMPPTIFGDNAFDIWGQGTLVTVSS
9	231	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGHSFTHYYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPDSGSTGYAQKFQGRVTMTRDTSTS TVYMELSSLRSEDTAVYYCARALFPYPFYYYYMDVWGQGTLVTVSS
10	232	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTGYYMHWVRQAPGQGLEWIGWMSLNSGLTGYAQKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCARDRGWFDPWGQGTLVTVSS
11	233	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTNYYIHWVRQAPGQGLEWLGWMNPNGDVAGYADSFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCAIDSSGWMRNDAFDIWGQGTLVTVSS

Fig. 4A

12	234	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGGTFSNYMYHWVRQAPGQGLEWMGWISTYHGSTNYAQKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCARDARGYSGYDLWGQGTLVTVSS
13	235	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYPFTSYYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSDIAGYAQKFQGRVTMTRDTSTS TVYMELSSLRSEDTAVYYCAREGRHGEYLYWGQGTLVTVSS
14	236	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYRFTTYYVHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNTVYTGSAQKFQGRVTMTRDTSTS TVYMELSSLRSEDTAVYYCAREGWGSSGYFDYWGQGTLVTVSS
15	237	QVQLVQSGAEVKKPGSSVKVSCKASGGTFSSYALSWVRQAPGQGLEWMGRIIPAVGSVTYAQKFQGRVTITADESTSTAY MELSSLRSEDTAVYYCARHLFPTVFDDYYGMDVWGQGTLVTVSS
16	238	QVQLVQSGAEVKKPGSSVKVSCKASGGTFSSYAISWVRQAPGQGLEWMGGIIPIFGTANYAQKFQGRVTITADESTSTAYM ELSSLRSEDTAVYYCARGGYSYGSFQHWGQGTLVTVSS
17	239	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGDTFTRHYVHWVRQAPGQGLEWMGWMSPSSGITGYAQKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCARVRWSSDAFDIWGQGTLVTVSS
18	240	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYYMHWVRQAPGQGLEWVGWMTPSTGNAGYAQKFQGRVTMTRDTSTS TVYMELSSLRSEDTAVYYCAREEWLGHFQHWGQGTLVTVSS
19	241	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSHYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSGNTGYAQKFQGRVTMTRDTSTS TVYMELSSLRSEDTAVYYCARERFLGGMDVWGQGTTVTVSS
20	242	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTDYYMHWVRQAPGQGLEWMGWMHPNSGHTGYAQKFQGRVTMTRDTSTS TVNMELSSLRSEDTAVYYCAREEWLGHFQHWGQGTLVTVSS
21	243	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSHYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSGHTGNAQKFQGRVTMTRDTSTS TVYMELSSLRSEDTAVYYCARGNWVDAFDIWGQGTMVTVSS
22	244	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTGYTLHWVRQAPGQGLEWMGWIDPNSGVTSSAQKFQGRVTMTRDTSTSTV YMELSSLRSEDTAVYYCARESEVMMAYFQHWGQGTLVTVSS
23	245	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTGYYMHWVRQAPGQGLEWMGWISPNSGVTDFTQKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCARESWSGEFDYWGQGTLVTVSS

Fig. 4B

24	246	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGDTFTNHYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSGHTGYAQRFQGRVTMTRDTSTS TVYMELSSLRSEDTAVYYCAREAVAGPMDVWGQGTTVTVSS
25	247	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTGYYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSDIAGYAQKFQGRVTMTRDTSTS TVYMELSSLRSEDTAVYYCARDAWELLAFDIWGQGTLVTVSS
26	248	QVQLAQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTNHYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSGNTGYAQKFQGRVTMTRDTSTS TVYMELSSLRSEDTAVYYCARDRWDGDYYSAWGQGTLVTVSS
27	249	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTNYYIHWVRQAPGQGLEWMGWMSPNGGNTGYAQKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCARESWELTGFDYWGQGTLVTVSS
28	250	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSGNTGYAQKFQGRVTMTRDTSTS TVYMELSSLRSEDTAVYYCARERFAGGMDAWGQGTTVTVSS
29	251	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFSNSYMHWVRQAPGQGLEWMGWMDPSSGYTGSAHKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCAEDSGGAFDIWGQGTMVTVSS
30	252	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYPFSTYYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPHSADTGYAEKFQGRVTMTRDTSTS TVYMELSSLRSEDTAVYYCAREVFEGGMDVWGQGTTVTVSS
31	253	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYYMHWVRQAPGQGLEWMGWLTPSTGHAGYAQKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCAREGYGGNYGNWGQGTLVTVSS
32	254	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSGHTGYAQKFQGRVTMTRDTSTS TVYMELSSLRSEDTAVYYCAREDFYGDFDYWGQGTLVTVSS
33	255	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTRHFIHWVRQAPGQGLEWMGWIDPNSGVTSSAQKFQGRVTMTRDTSTSTV YMELSSLRSEDTAVYYCARELSRWGFDYWGPGTMVTVSS
34	256	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTRHLLHWVRQAPGQGLEWMGWISPQHGVRNYAHKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCARESVEGYFDLWGRGTLVTVSS
35	257	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYPFSSYYMHWVRQAPGQGLEWMGMINPSGGSTSYAQKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCARDIFPTMIAGGGFDLWGRGTLVTVSS

Fig. 4C

36	258	QVQLVQSGAEVKKPGSSVKVSCKASGGTFSTFGISWVRQAPGQGLEWMGGIIPIFGTANYAQKFQGRVTITADESTSTAYM ELSSLRSEDTAVYYCARGGYSYGSFDYWGQGTLVTVSS
37	259	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYGINWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSGNTGYAQKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCARGSFPLVFTIFGVGDVWGQGTMVTVSS
38	260	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYYMHWVRQAPGQGLEWMGWISPRSGVTSYAQKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCARDLDYVRAFDIWGQGTTVTVSS
39	261	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYSFTSYYMHWVRQAPGQGLEWMGWMDPNSGNTGYAQKFQGRVTMTRDTSTS TVYMELSSLRSEDTAVYYCARESWGGYFDLWGRGTLVTVSS
40	262	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFINHYVHWVRQAPGQGLEWMGWMNPTGGITGYAQKFQGRVTMTRDTSTST VYMELSSLRSEDTAVYYCARDRTITYAFDIWGQGTMVTVSS
41	263	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSHYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSGHTGNAQKFQGRVTMTRDTSTS TVYMELSSLRSEDTAVYYCARGNWVDAFDIWGQGTMVTVSS
42	264	QVQLVQSGAEVKKPGSSVKVSCKASGYTFTRHLLHWVRQAPGQGLEWMGWVSPHHGLTGYAPRFQGRVTITADESTSTAY MELSSLRSEDTAVYYCARVHGSGSDGMDVWGQGTTVTVSS

Fig. 4D

Binding agent	SEQ ID NO:	VL
1	265	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIDSYLAWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPI TFGGGTKVEIK
2	266	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISSWLAWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYTTPI TFGGGTKVEIK
3	267	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISSYLNWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQIFSTPLT FGGGTKVEIK
4	268	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGISSYLAWYQQKPGKAPKLLIYGASNLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPL TFGGGTKVEIK
5	269	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQTISNYLNWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYTTPI TFGGGTKVEIK
6	270	EIVMTQSPATLSVSPGERATLSCRASQSVDRNYVTWYQQKPGQAPRLLIYGASTRATGIPARFSGSGSGTEFTLTISSLQSEDFAVYYCQQSYTT PYTFGQGTKVEIK
7	271	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGISQYLAWYQQKPGKAPKLLIYGASNLHSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQTFTTP LTFGGGTKVEIK
8	272	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCQASQDIGNYLNWYQQKPGKAPKLLIYAASSLESGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTP LTFGGGTKVEIK
9	273	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIRNDLGWYQQKPGKAPKLLIYSASNLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQANSFP FTFGGGTKVEIK
10	274	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISSWLAWYQQKPGKAPKLLIYAASTLESGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYTTPY SFGGGTKVEIK
11	275	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGISQYLAWYQQKPGKAPKLLIYGASNLHSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQTFITPL TFGGGTKVEIK
12	276	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQIIGNYLAWYQQKPGKAPKLLIYHASILETGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPTF GGGTKVEIK
13	277	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQIISSYLNWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQGFSTPFT FGGGTKVEIK
14	278	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCQASQDISNYLNWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSFTNP VTFGGGTKVEIK
15	279	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGISNYLAWYQQKPGKAPKLLIYAASTLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSAP YTFGGGTKVEIK
16	280	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGISNNLNWYQQKPGKAPKLLIYAATTLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTP YTFGGGTKVEIK

Fig. 4E

17	281	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITTCRASQSISSYLNWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPL TFGGGTKVEIK
18	282	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITTCRASQGISNGLSWYQQKPGKAPKLLIYAASTLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSHSTPL TFGGGTKVEIK
19	283	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITTCRASQSITGWLAWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTP YTFGQGTKVEIK
20	284	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITTCRASQSISSWLAWYQQKPGKAPKLLIYDATHLETGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPI TFGQGTRLEIK
21	285	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITTCRASQGIRNDLAWYQQKPGKAPKLLIYAASTLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTP LTFGGGTKVEIK
22	286	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITTCQASQDISSYLNWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQTGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPY TFGQGTKLEIK
23	287	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITTCRASQSITTYLNWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQGGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPY TFGQGTKVEIK
24	288	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITTCRASQSISSYLNWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPL TFGGGTKLEIK
25	289	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITTCRASQSVSTWLAWYQQKPGKAPKLLIYAASNLESGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTP YTFGQGTKLEIK
26	290	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITTCRASQSISNWLAWYQQKPGKAPKLLIYDVSHLESGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPF TFGPGTKVDIK
27	291	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITTCQASQGISNYLAWYQQKPGKAPKLLIYDASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPL TFGGGTKVEIK
28	292	EIVMTQSPATLSVSPGERATLSCRASQSLSSSSLAWYQQKPGQAPRLLIYGASTRATGIPARFSGSGSGTEFTLTISSLQSEDFAVYYCQQYGSSP FTFGPGTKVDIK
29	293	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITTCRASEHIANWLAWYQQKPGKAPKLLIYGVSSLESGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTP YTFGQGTKLEIK
30	294	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITTCRASQSVGSWVAWYQQKPGKAPKLLIYPASTLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTP LTFGGGTKVEIK
31	295	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITTCRASQSISPWLAWYQQKPGKAPKLLIYDASNLETGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQTYSTPI TFGQGTRLEIK
32	296	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITTCRASQGISRYLAWYQQKPGKAPKLLIYAASTLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPL TFGQGTKVEIK
33	297	EIVMTQSPATLSVSPGERATLSCRASQTVSSNYLAWYQQKPGQAPRLLIYGASTRASGIPARFSGSGSGTEFTLTISSLQSEDFAVYYCQQYYTT PLTFGGGTKVEIK
34	298	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITTCRASQSISSYLNWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSFSTPLT FGQGTRLEIK

Fig. 4F

35	299	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISSWLAWYQQKPGKAPKLLIYDASNLETGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPP TFGQGTKVEIK
36	300	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGISNNLNWYQQKPGKAPKLLIYATSTLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPV TFGQGTKVEIK
37	301	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRSSQGIRNDLSWYQQKPGKAPKLLIYLASNSHSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCLQHNSYPL TFGGGTKVEIK
38	302	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISRWLAWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPY TFGQGTKLEIK
39	303	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISSWLAWYQQKPGKAPKLLIYDSSSLQTGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPV TFGQGTKVEIK
40	304	DIQITHSPSSLSASVGYRLTITCRDSHSITTWLAWYHQKPWNAPKLMIYAASNLESGVPSRFSGSGSGTYFTLTISSLQPEDFATYYCQHFYNTQ YTFGQGTKVEIK
41	305	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQVIRNDLAWYQQKPGKAPKLLIYAASTLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSLQYP SHFFGQGTKVEIK
42	306	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISRYLNWYQQKPGKAPKLLIYAASTLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFAPYYCQQSYSTPL TFGPGTKVDIK

Fig. 4G

Binding agent	SEQ ID NO:	HCDR1	SEQ ID NO:	HCDR2	SEQ ID NO:	HCDR3	SEQ ID NO:	LCDR1	SEQ ID NO:	LCDR2	SEQ ID NO:	LCDR3
1	308	SDYMH	322	WMSPYNGIT GYAQKFQG	339	DRFSGSYDY	360	RASQSISSWLA	375	AASSLQS	387	QQSYSTPYT
2	309	GYYMH	323	WMSPSSGITG YAQKFQG	340	DRGWFDP	361	RASQSVGTWLA	376	AASTLEN	388	QQSFSTPYT
3	310	SYYMH	324	WMTTNSGIT GYAQKFQG	341	EGYSSGLDY	360	RASQSISSWLA	375	AASSLQS	387	QQSYSTPYT
4	311	GYYIH	325	GIIPIFGTASY AQKFQG	342	DGRFWSGYPDY	362	RASQGISNYLA	377	RASNLES	389	QQSYSTPLT
5	312	THYMH	326	WMNPNSGH AGSAQKFQG	343	ESIAVAGYDY	360	RASQSISSWLA	378	AASTLQR	387	QQSYSTPYT
6	313	SHDIN	327	WMNPNSGNT GYAQKFQG	344	DRWYMGSADY	363	RASQSISTWLA	379	AASTLQS	390	QQSYSTPFT
7	310	SYYMH	327	WMNPNSGNT GYAQKFQG	345	DDWGGDWFDP	364	QASQDISNHLN	380	GASNLQR	391	QQSYSTPIT
8	312	THYMH	328	WMNPNSGNT GYSQKFQG	346	ERLSVAGFDY	365	RASQGISSWLA	375	AASSLQS	387	QQSYSTPYT
9	314	DHYLH	329	WMNPNIGNT GYAQKFQG	347	EPLQLGGFDY	366	RASESISSWLA	375	AASSLQS	389	QQSYSTPLT
10	309	GYYMH	330	WMNPNGGTT GYAQNFQG	348	EGFGPNAFDI	360	RASQSISSWLA	381	AASNLQS	392	QQYYSTPYT
11	309	GYYMH	327	WMNPNSGNT GYAQKFQG	349	DSWYGDWFDP	367	RASQSVGSWLA	382	GASSLQS	389	QQSYSTPLT
12	309	GYYMH	322	WMSPYNGIT GYAQKFQG	350	EVIEVGMDV	360	RASQSISSWLA	383	AASHLQS	387	QQSYSTPYT
13	315	NYYMH	323	WMSPSSGITG YAQKFQG	351	EAWFGELST	368	RASQNISNFLN	375	AASSLQS	393	QQSYSLPYT
14	316	AYYVH	331	WMNPNRGIT DSAQKFQG	352	EAYVAAFDI	365	RASQGISSWLA	375	AASSLQS	389	QQSYSTPLT
15	317	RHYVH	332	WMNPNSGSA GYAQKFQG	353	ERGYNAFDY	369	RASQSLSSSYLA	131	GASTRAT	394	HQYFTTPLT
16	318	NYIH	333	WIHPRSGAT GYAPKFQG	354	DSVFGLDY	370	RASQSISSYLN	379	AASTLQS	395	QQSYSMPYT
17	310	SYYMH	334	WISPRSGVTS YAQKFQG	355	DLDYVRAFDI	371	RASQSISRWLA	375	AASSLQS	387	QQSYSTPYT

Fig. 5A

18	310	SYYMH	335	WMDPNSGNT GYAQKFQG	356	ESWGGYFDL	360	RASQSISSWLA	385	DSSSLQT	396	QQSYSTPVT
19	319	NHYVH	336	WMNPTGGT GYAQKFQG	357	DRTTYAFDI	372	RDSHSITTWLA	386	AASNLES	397	QHFYNTQYT
20	320	SHYMH	337	WMNPNSGHT GNAQKFQG	358	GNWVDAFDI	373	RASQVIRNDLA	379	AASTLQS	398	QQSLQYPSHF
21	321	RHLLH	338	WVSPIHGLTG YAPRFQG	359	VHGSGSDGMDV	374	RASQSISRYLN	379	AASTLQS	389	QQSYSTPLT

Fig. 5B

Binding agent	SEQ ID NO:	HFW1	SEQ ID NO:	HFW2	SEQ ID NO:	HFW3	SEQ ID NO:	HFW4
1	399	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYTFS	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	411	WGQGTLVTV SS
2	400	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYTFT	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	411	WGQGTLVTV SS
3	399	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYTFS	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	411	WGQGTLVTV SS
4	401	QVQLVQSGAEVKKPGSSVKV SCKASGYTFT	407	WVRQAPGQGLEW MG	410	RVTITADESTSTAYMELSSLRSEDT AVYYCAR	411	WGQGTLVTV SS
5	399	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYTFS	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	411	WGQGTLVTV SS
6	400	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYTFT	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	411	WGQGTLVTV SS
7	400	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYTFT	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	411	WGQGTLVTV SS
8	399	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYTFS	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	411	WGQGTLVTV SS
9	402	QVQLVQSGAEVKEPGASVKV SCKASGYTFT	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	411	WGQGTLVTV SS
10	400	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYTFT	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	412	WGQGTTVTV SS
11	400	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYTFT	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	411	WGQGTLVTV SS
12	400	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYTFT	408	WMRQAPGQGLEW IG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	412	WGQGTTVTV SS
13	400	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYTFT	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	411	WGQGTLVTV SS
14	403	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYNFS	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	412	WGQGTTVTV SS
15	400	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYTFT	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	411	WGQGTLVTV SS
16	472	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYTLP	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	411	WGQGTLVTV SS
17	400	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYTFT	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	412	WGQGTTVTV SS

Fig. 6A

18	405	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYSFT	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	413	WGRGTLVTV SS
19	406	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYTFI	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	414	WGQGTMVTV SS
20	400	QVQLVQSGAEVKKPGASVKV SCKASGYTFT	407	WVRQAPGQGLEW MG	409	RVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAR	414	WGQGTMVTV SS
21	401	QVQLVQSGAEVKKPGSSVKV SCKASGYTFT	407	WVRQAPGQGLEW MG	410	RVTITADESTSTAYMELSSLRSEDT AVYYCAR	412	WGQGTTVTV SS

Fig. 6B

Binding agent	SEQ ID NO:	LFW1	SEQ ID NO:	LFW2	SEQ ID NO:	LFW3	SEQ ID NO:	LFW4
1	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	425	FGGGTKVEIK
2	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	425	FGGGTKVEIK
3	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	425	FGGGTKVEIK
4	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	425	FGGGTKVEIK
5	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	426	FGQGTKLEIK
6	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	427	FGQGTKVEIK
7	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	428	FGQGTRLEIK
8	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	427	FGQGTKVEIK
9	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	426	FGQGTKLEIK
10	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	427	FGQGTKVEIK
11	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	425	FGGGTKVEIK
12	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	428	FGQGTRLEIK

Fig. 7A

13	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	427	FGQGTKVEIK
14	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	425	FGGGTKVEIK
15	416	EIVMTQSPATLSVSPGER ATLSC	419	WYQQKPGQAPRLLIY	422	GIPARFSGSGSGTEFTLTISSLQSED FAVYYC	428	FGQGTRLEIK
16	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	426	FGQGTKLEIK
17	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	426	FGQGTKLEIK
18	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	427	FGQGTKVEIK
19	417	DIQITHSPSSLSASVGYRL TITC	420	WYHQKPWNAPKLMIY	423	GVPSRFSGSGSGTYFTLTISSLQPE DFATYYC	427	FGQGTKVEIK
20	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	421	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFATYYC	427	FGQGTKVEIK
21	415	DIQMTQSPSSLSASVGDR VTITC	418	WYQQKPGKAPKLLIY	424	GVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPE DFAPYYC	429	FGPGTKVDIK

Fig. 7B

Binding agent	SEQ ID NO:	VH
1	430	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFSSDYMHWVRQAPGQGLEWMGWMSPYNGITGYAQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCARDRFSGSYDYWGQGTLVTVSS
2	431	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTGYYMHWVRQAPGQGLEWMGWMSPSSGITGYAQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCARDRGWFDPWGQGTLVTVSS
3	432	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFSSYYMHWVRQAPGQGLEWMGWMTTNSGITGYAQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAREGYSSGLDYWGQGTLVTVSS
4	433	QVQLVQSGAEVKKPGSSVKVSCKASGYTFTGYYIHWVRQAPGQGLEWMGGIIPIFGTASYAQKFQGRVTITADESTSTAYMELSSLRSEDTAV YYCARDGRFWSGYPDYWGQGTLVTVSS
5	434	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFSTHYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSGHAGSAQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSE DTAVYYCARESIAVAGYDYWGQGTLVTVSS
6	435	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSHDINWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSGNTGYAQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCARDRWTYMGSADYWGQGTLVTVSS
7	436	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSGNTGYAQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSE DTAVYYCARDDWGGDWFDPWGQGTLVTVSS
8	437	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFSTHYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSGNTGYSQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSE DTAVYYCARERLSVAGFDYWGQGTLVTVSS
9	438	QVQLVQSGAEVKEPGASVKVSCKASGYTFTDHYLHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNIGNTGYAQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCAREPLQLGGFDYWGQGTLVTVSS
10	439	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTGYYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNGGTTGYAQNFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSE DTAVYYCAREGFGPNAFDIWGQGTTVTVSS
11	440	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTGYYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSGNTGYAQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCARDSWYGDWFDPWGQGTLVTVSS

Fig. 8A

12	441	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTGYYMHWMRQAPGQGLEWIGWMSPYNGITGYAQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLRS EDTAVYYCAREVIEVGMDVWGQGTTVTVSS
13	442	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTNYYMHWVRQAPGQGLEWMGWMSPSSGITGYAQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLRS EDTAVYYCAREAWFGELSTWGQGTLVTVSS
14	443	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYNFSAYYVHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNRGITDSAQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLRS EDTAVYYCAREAYVAAFDIWGQGTTVTVSS
15	444	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTRHYVHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSGSAGYAQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCARERGYNAFDYWGQGTLVTVSS
16	445	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTLPNYIHWVRQAPGQGLEWMGWIHPRSGATGYAPKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSED TAVYYCARDSVFGLDYWGQGTLVTVSS
17	446	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYYMHWVRQAPGQGLEWMGWISPRSGVTSYAQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLRSE DTAVYYCARDLDYVRAFDIWGQGTTVTVSS
18	447	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYSFTSYYMHWVRQAPGQGLEWMGWMDPNSGNTGYAQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCARESWGGYFDLWGRGTLVTVSS
19	448	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFINHYVHWVRQAPGQGLEWMGWMNPTGGITGYAQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLRS EDTAVYYCARDRTTYAFDIWGQGTMVTVSS
20	449	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSHYMHWVRQAPGQGLEWMGWMNPNSGHTGNAQKFQGRVTMTRDTSTSTVYMELSSLR SEDTAVYYCARGNWVDAFDIWGQGTMVTVSS
21	450	QVQLVQSGAEVKKPGSSVKVSCKASGYTFTRHLLHWVRQAPGQGLEWMGWVSPIHGLTGYAPRFQGRVTITADESTSTAYMELSSLRSED TAVYYCARVHGSGSDGMDVWGQGTTVTVSS

Fig. 8B

Binding agent	SEQ ID NO:	VL
1	451	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISSWLAWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPY TFGGGTKVEIK
2	452	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSVGTWLAWYQQKPGKAPKLLIYAASTLENGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSFSTP YTFGGGTKVEIK
3	453	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISSWLAWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPY TFGQGTKVEIK
4	454	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGISNYLAWYQQKPGKAPKLLIYRASNLESGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPL TFGGGTKVEIK
5	455	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISSWLAWYQQKPGKAPKLLIYAASTLQRGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTP YTFGQGTKLEIK
6	456	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISTWLAWYQQKPGKAPKLLIYAASTLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPF TFGQGTKVEIK
7	457	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCQASQDISNHLNWYQQKPGKAPKLLIYGASNLQRGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPI TFGQGTRLEIK
8	458	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGISSWLAWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTP YTFGQGTKVEIK
9	459	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASESISSWLAWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPL TFGQGTKLEIK
10	460	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISSWLAWYQQKPGKAPKLLIYAASNLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQYYSTP YTFGQGTKVEIK
11	461	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSVGSWLAWYQQKPGKAPKLLIYGASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTP LTFGGGTKVEIK
12	462	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISSWLAWYQQKPGKAPKLLIYAASHLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTP YTFGQGTRLEIK

Fig. 8C

13	463	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQNISNFLNWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSLPYTF GQGTKVEIK
14	464	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGISSWLAWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPLTF GGGTKVEIK
15	465	EIVMTQSPATLSVSPGERATLSCRASQSLSSSYLAWYQQKPGQAPRLLIYGASTRATGIPARFSGSGSGTEFTLTISSLQSEDFAVYYCHQYFTTPLT FGQGTRLEIK
16	466	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISSYLNWYQQKPGKAPKLLIYAASTLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSMPYTF GQGTKLEIK
17	467	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISRWLAWYQQKPGKAPKLLIYAASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPYTF GQGTKLEIK
18	468	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISSWLAWYQQKPGKAPKLLIYDSSSLQTGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSYSTPVTF GQGTKVEIK
19	469	DIQITHSPSSLSASVGYRLTITCRDSHSITTWLAWYHQKPWNAPKLMIYAASNLES GVPSRFSGSGSGTYFTLTISSLQPEDFATYYCQHFYNTQYTFGQGTKVEIK
20	470	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQVIRNDLAWYQQKPGKAPKLLIYAASTLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQSLQYPSHF FGQGTKVEIK
21	471	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQSISRYLNWYQQKPGKAPKLLIYAASTLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFAPYYCQQSYSTPLTF GPGTKVDIK

Fig. 8D

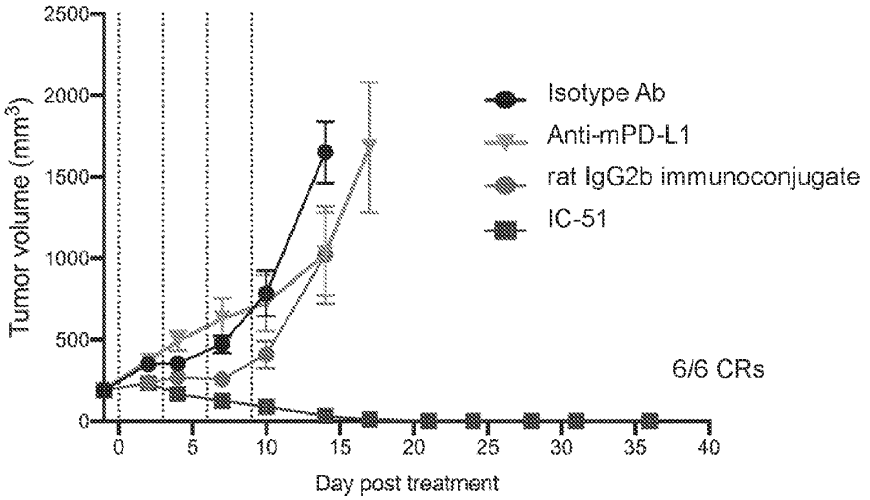

2500
2000
1500
1000
500
0
Tumor volume (mm3)
0
5
10
15
20
25
30
35
40
Day post treatment
Isotype Ab
Anti-mPD-L1
rat IgG2b immunoconjugate
IC-51
6/6 CRs

Fig. 9a

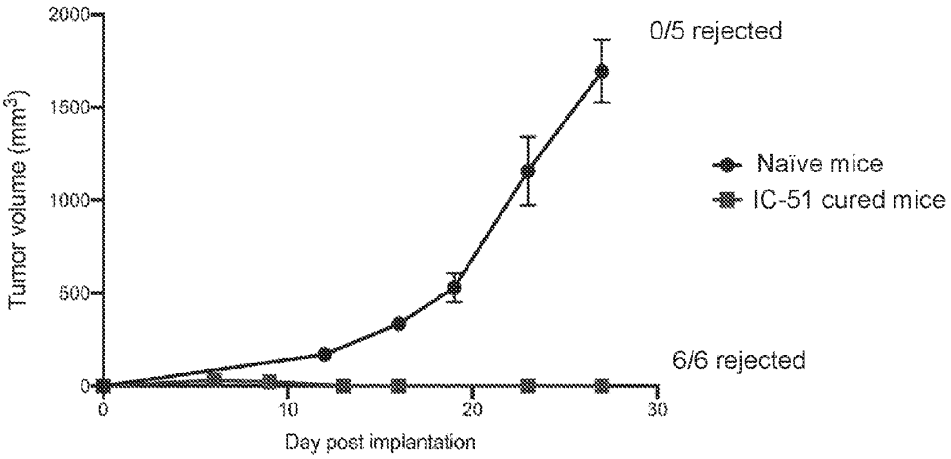

2000
1500
1000
500
0
Tumor volume (mm3)
0
10
20
30
Day post implantation
0/5 rejected
Naïve mice
IC-51 cured mice
6/6 rejected

Fig. 9b

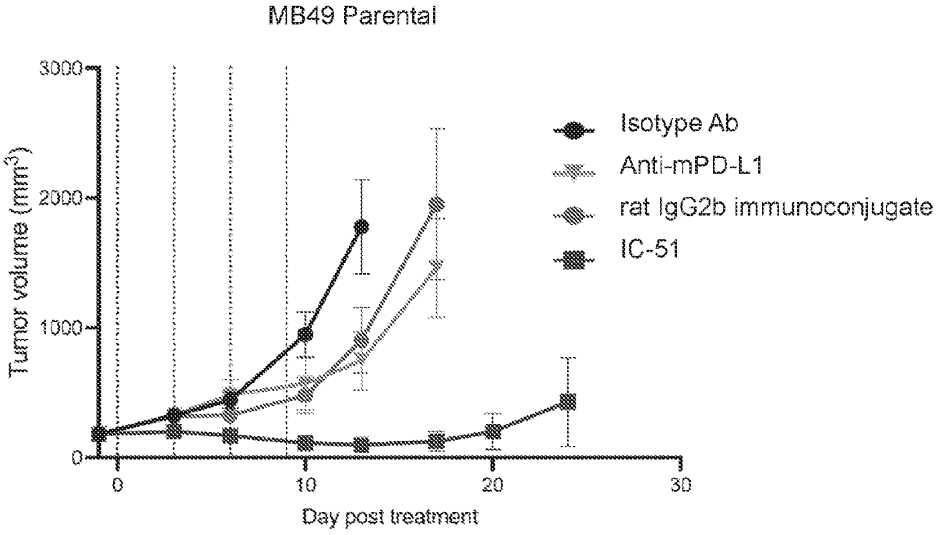


Fig. 10a

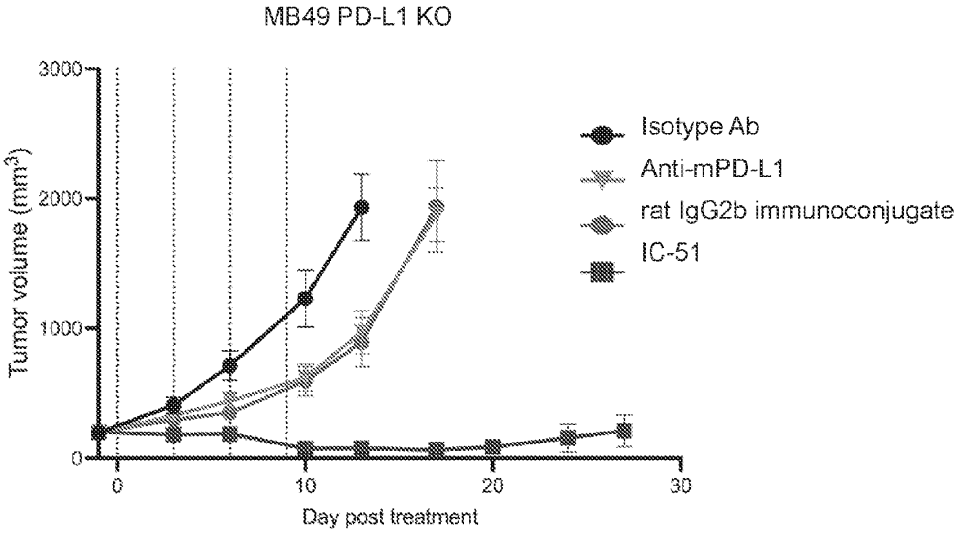


Fig. 10b