SEQUENCE LISTING

<110> Yan, Hai
He, Yiping
Yang, Rui
Diplas, Bill H
Hansen, Landon
Bigner, Darell

<120> methods for reapid and sensitive
detection of hotspot mutations

<130> 000250.00252

<140> 15/505,777
<141> 2017-02-22

<150> 62/014197
<151> 2014-08-24

<150> pct/us/15/46519
<151> 2015-08-24

<160> 29

<170> FastSEQ for Windows Version 4.0

<210> 1
<211> 16
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 1
ctgggagggc ccggag 16

<210> 2
<211> 16
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 2
ctgggagggc ccggaa 16

<210> 3

<211> 19
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 3
gtcctgcccc ttcaccttc 19

<210> 4
<211> 16
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 4
cccgtcccga cccctc 16

<210> 5
<211> 16
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 5
cccgtcccga cccctt 16

<210> 6
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 6
cagcgctgcc tgaaactc 18

<210> 7
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 7

gggtaaaacc tatcatcata ggtcg 25

<210> 8
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 8
gggtaaaacc tatcatcata ggtca 25

<210> 9
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 9
aacatgcaaa atcacattat tgcc 24

<210> 10
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 10
atcccccggc ttgtgagt 18

<210> 11
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 11
aagcccatca ccattggcag 20

<210> 12
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 12
aagcccatca ccattggcaa 20

<210> 13
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 13
aggtcagtgg atcccctctc 20

<210> 14
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 14
ggaccaagcc catcaccatt 20

<210> 15
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 15
gggtaaaacc tatcatcata ggtt 24

<210> 16
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 16
gggtaaaacc tatcatcata ggtg 24

<210> 17
<211> 24
<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 17
gggtaaaacc tatcatcata ggta 24

<210> 18
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 18
gggtaaaacc tatcatcata ggtct 25

<210> 19
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 19
aagcccatca ccattggcat 20

<210> 20
<211> 19
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 20
aagcccatca ccattggcg 19

<210> 21
<211> 19
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 21
aagcccatca ccattggct 19

<210> 22
<211> 9
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 22
cgggtcccc 9

<210> 23
<211> 8
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 23
ggcccagc 8

<210> 24
<211> 9
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 24
atgacttac 9

<210> 25
<211> 19
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 25
ttgatcccca taagcatga 19

<210> 26
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 26
tcactcaaag ccgctcaact ac 22

<210> 27
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 27
tctgccttca tttcgttatg tacc 24

<210> 28
<211> 18
<212> DNA
<213> Inovirus enterobacteria phage M13

<400> 28
tgtaaaacga cggccagt 18

<210> 29
<211> 18
<212> DNA
<213> Inovirus enterobacteria phage M13

<400> 29
caggaaacag ctatgacc 18