SEQUENCE LISTING

<110> PRESIDENT AND FELLOWS OF HARVARD COLLEGE

<120> PEPTIDE PARTICLES AND USES THEREOF

<130> 002806-068451-PCT

<140> PCT/US2012/052027
<141> 2012-08-23

<150> 61/526,526
<151> 2011-08-23

<160> 55

<170> PatentIn version 3.5

<210> 1
<211> 41
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic polypeptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(40)
<223> /note="This region may encompass 1 to 20 "Trp Leu" repeating units"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (4)..(4)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (8)..(8)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (11)..(11)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (12)..(12)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (14)..(14)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (15)..(15)

<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (16)..(16)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (18)..(18)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (19)..(19)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (20)..(20)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (21)..(21)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (22)..(22)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (23)..(23)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (24)..(24)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (25)..(25)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES

<222> (26)..(26)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (27)..(27)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (30)..(30)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (31)..(31)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (36)..(36)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>

<221> MOD_RES
<222> (37)..(37)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (38)..(38)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (40)..(40)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (41)..(41)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> VARIANT
<222> (3)..(41)
<223> /replace=" "

<220>
<221> misc_feature
<222> (3)..(41)
<223> /note="Residues given in the sequence have no preference
with respect to those in the annotations for said positions"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(41)
<223> /note="see specification as filed for detailed description of
substitutions and preferred embodiments"

<400> 1
Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu
1 5 10 15

Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu
20 25 30

Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
35 40

<210> 2
<211> 41
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic polypeptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(40)
<223> /note="This region may encompass 1 to 20 "Leu Trp" repeating units"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (4)..(4)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES

<222> (8)..(8)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (11)..(11)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (12)..(12)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (14)..(14)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (15)..(15)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (16)..(16)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (18)..(18)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>

<221> MOD_RES
<222> (19)..(19)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (20)..(20)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (21)..(21)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (22)..(22)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (23)..(23)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (24)..(24)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (25)..(25)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (27)..(27)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (30)..(30)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (31)..(31)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (36)..(36)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (37)..(37)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (38)..(38)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (40)..(40)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (41)..(41)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> VARIANT
<222> (3)..(41)
<223> /replace=" "

<220>
<221> misc_feature
<222> (3)..(41)
<223> /note="Residues given in the sequence have no preference
with respect to those in the annotations for said positions"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(41)
<223> /note="see specification as filed for detailed description of
substitutions and preferred embodiments"

<400> 2
Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10 15

Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
20 25 30

Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu
35 40

<210> 3
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic
peptide"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(3)
<223> May or may not be Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES

<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(10)
<223> /note="see specification as filed for detailed description of substitutions and preferred embodiments"

<400> 3
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 4
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(3)
<223> May or may not be Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(10)
<223> /note="see specification as filed for detailed description of
substitutions and preferred embodiments"

<400> 4
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 5
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic
peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>

<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2 or absent"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(10)
<223> /note="see specification as filed for detailed description of substitutions and preferred embodiments"

<400> 5
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 6
<211> 62
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic polypeptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(21)
<223> /note="This region may encompass 3 to 21 "Lys" residues, wherein some residues may be absent"

<220>
<221> VARIANT
<222> (4)..(21)
<223> /replace=" "

<220>
<221> misc_feature
<222> (4)..(21)
<223> /note="Residues given in the sequence have no preference with respect to those in the annotations for said positions"

<220>
<221> misc_feature
<222> (22)..(61)
<223> /note="This region may encompass 3 to 20 "Trp Leu" repeating units"

<220>
<221> VARIANT
<222> (28)..(61)
<223> /replace=" "

<220>
<221> misc_feature
<222> (28)..(61)
<223> /note="Residues given in the sequence have no preference
with respect to those in the annotations for said positions"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (23)..(23)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (25)..(25)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (27)..(27)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (31)..(31)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (37)..(37)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (41)..(41)

<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (43)..(43)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (45)..(45)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (47)..(47)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (49)..(49)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (51)..(51)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (53)..(53)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (55)..(55)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (57)..(57)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (59)..(59)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (61)..(61)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature

<222> (1)..(62)
<223> /note="see specification as filed for detailed description of substitutions and preferred embodiments"

<400> 6
Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys
1 5 10 15

Lys Lys Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
20 25 30

Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
35 40 45

Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
50 55 60

<210> 7
<211> 11
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(10)
<223> /note="This region may encompass 1 to 5 "Trp Leu" repeating units"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>

<221> MOD_RES
<222> (4)..(4)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (8)..(8)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (11)..(11)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> VARIANT
<222> (3)..(11)
<223> /replace=" "

<220>
<221> misc_feature
<222> (3)..(11)
<223> /note="Residues given in the sequence have no preference
with respect to those in the annotations for said positions"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(11)
<223> /note="see specification as filed for detailed description of

substitutions and preferred embodiments"

<400> 7
Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 8
<211> 11
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(10)
<223> /note="This region may encompass 1 to 5 "Leu Trp" repeating units"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (4)..(4)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (8)..(8)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (11)..(11)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> VARIANT
<222> (3)..(11)
<223> /replace=" "

<220>
<221> misc_feature
<222> (3)..(11)
<223> /note="Residues given in the sequence have no preference
with respect to those in the annotations for said positions"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(11)
<223> /note="see specification as filed for detailed description of
substitutions and preferred embodiments"

<400> 8
Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu
1 5 10

<210> 9
<211> 15
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source

<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(15)
<223> /note="This region may encompass 1 to 15 "Lys" residues, wherein some residues may be absent"

<220>
<221> VARIANT
<222> (2)..(15)
<223> /replace=" "

<220>
<221> misc_feature
<222> (2)..(15)
<223> /note="Residues given in the sequence have no preference with respect to those in the annotations for said positions"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(15)
<223> /note="see specification as filed for detailed description of substitutions and preferred embodiments"

<400> 9
Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys
1 5 10 15

<210> 10
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>

<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2 or absent"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(10)
<223> /note="see specification as filed for detailed description of substitutions and preferred embodiments"

<400> 10
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 11
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term H"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(10)

<223> /note="C-term NH2"

<400> 11
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 12
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic oligonucleotide"

<400> 12
ttgtgccgcc tttgcaggtg tatc
24

<210> 13
<211> 41
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic polypeptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(40)
<223> /note="This region may encompass 3 to 20 "Trp Leu" repeating units"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (4)..(4)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (8)..(8)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (11)..(11)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (12)..(12)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (14)..(14)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (15)..(15)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (16)..(16)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (18)..(18)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (19)..(19)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (20)..(20)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (21)..(21)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (22)..(22)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (23)..(23)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (24)..(24)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (25)..(25)

<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (27)..(27)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (30)..(30)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (31)..(31)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES

<222> (36)..(36)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (37)..(37)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (38)..(38)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (40)..(40)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (41)..(41)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> VARIANT
<222> (7)..(41)
<223> /replace=" "

<220>
<221> misc_feature
<222> (7)..(41)
<223> /note="Residues given in the sequence have no preference
with respect to those in the annotations for said positions"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(41)
<223> /note="see specification as filed for detailed description of
substitutions and preferred embodiments"

<400> 13
Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu
1 5 10 15

Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu
20 25 30

Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
35 40

<210> 14
<211> 41
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic polypeptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(40)
<223> /note="This region may encompass 3 to 20 "Leu Trp" repeating units"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (4)..(4)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)

<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (8)..(8)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (11)..(11)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (12)..(12)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (14)..(14)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (15)..(15)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (16)..(16)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES

<222> (18)..(18)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (19)..(19)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (20)..(20)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (21)..(21)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (22)..(22)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (23)..(23)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (24)..(24)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (25)..(25)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (27)..(27)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>

<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (30)..(30)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (31)..(31)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (36)..(36)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (37)..(37)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (38)..(38)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (40)..(40)
<223> D-Trp or L-Trp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (41)..(41)
<223> D-Leu or L-Leu

<220>
<221> VARIANT
<222> (7)..(41)
<223> /replace=" "

<220>
<221> misc_feature
<222> (7)..(41)
<223> /note="Residues given in the sequence have no preference
with respect to those in the annotations for said positions"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(41)
<223> /note="see specification as filed for detailed description of
substitutions and preferred embodiments"

<400> 14
Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10 15

Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
20 25 30

Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu
35 40

<210> 15
<211> 5
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic
peptide"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(4)

<223> D-Leu

<400> 15
Trp Leu Leu Leu Trp
1 5

<210> 16
<211> 62
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic polypeptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(21)
<223> /note="This region may encompass 3 to 21 "Lys" residues, wherein some residues may be absent"

<220>
<221> VARIANT
<222> (3)..(21)
<223> /replace=" "

<220>
<221> misc_feature
<222> (3)..(21)
<223> /note="Residues given in the sequence have no preference with respect to those in the annotations for said positions"

<220>
<221> misc_feature
<222> (23)..(61)
<223> /note="This region may encompass 3 to 20 "Trp Leu" repeating units"

<220>
<221> VARIANT
<222> (28)..(41)
<223> /replace=" "

<220>
<221> misc_feature
<222> (28)..(41)
<223> /note="Residue given in the sequence has no preference with respect to the annotation for said position"

<220>
<221> MOD_RES

<222> (23)..(23)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (25)..(25)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (27)..(27)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (31)..(31)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (37)..(37)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (41)..(41)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (43)..(43)
<223> D-Leu

<220>

<221> MOD_RES
<222> (45)..(45)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (47)..(47)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (49)..(49)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (51)..(51)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (53)..(53)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (55)..(55)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (57)..(57)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (59)..(59)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (61)..(61)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(62)
<223> /note="see specification as filed for detailed description of substitutions and preferred embodiments"

<400> 16
Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys Lys
1 5 10 15

Lys Lys Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
20 25 30

Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
35 40 45

Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
50 55 60

<210> 17
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 17
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 18
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 18
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 19
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic

peptide"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 19
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 20
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic
peptide"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 20
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 21
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)

<223> /note="C-term NH2"

<400> 21
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 22
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 22
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 23
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>

<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 23
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 24
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(2)

<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 24
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1   5   10

<210> 25
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic
peptide"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>

<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 25
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 26
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 26
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 27
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<400> 27
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 28
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>

<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<400> 28
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 29
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<400> 29
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 30
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<400> 30
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 31
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>

<221> MOD_RES
<222> (2)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<400> 31
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 32
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<400> 32
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1   5   10

<210> 33
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic
peptide"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(2)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<400> 33
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1   5   10

<210> 34
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source

<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<400> 34
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 35
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 35
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 36
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES

<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 36
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 37
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 37
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 38
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 38
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 39
<211> 10
<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic
peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 39
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 40
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>

<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(2)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 40
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 41
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)

<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 41
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1   5   10

<210> 42
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic
peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> Lys(Ac)

<220>

<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 42
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 43
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 43
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1   5   10

<210> 44
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic
peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature

<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 44
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1   5   10

<210> 45
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic
peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 45
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 46
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(2)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 46
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 47
<211> 10
<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 47
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1   5   10

<210> 48
<211> 8
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term H"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(8)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 48
Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1   5

<210> 49
<211> 9
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic
peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term H"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (4)..(4)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)

<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (8)..(8)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(8)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 49
Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1   5

<210> 50
<211> 11
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic
peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term H"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (8)..(8)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(8)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 50

Lys Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 51
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term H"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 51
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 52
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term Ac"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(10)

<223> /note="C-term NH2"

<400> 52
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 53
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term H"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 53
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 54

<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term H"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 54
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1 5 10

<210> 55
<211> 10
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> source
<223> /note="Description of Artificial Sequence: Synthetic peptide"

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> /note="N-term H"

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> Lys(Ac)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> D-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> D-Leu

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(10)
<223> /note="C-term NH2"

<400> 55
Lys Lys Lys Trp Leu Trp Leu Trp Leu Trp
1   5   10