

SEQUENCE LISTING

<110> Julius-Maximilians-Universität Würzburg
 <120> A method for high level and stable gene transfer in lymphocytes
 <130> 192305
 <150> EP 15002732.4
 <151> 2015-09-22
 <150> EP 16153490.4
 <151> 2016-01-29
 <160> 24
 <170> PatentIn version 3.5
 <210> 1
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> L(+) primer
 <400> 1
 gtaatacgac tcactatagg gctccgctta agggac 36
 <210> 2
 <211> 17
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> L(-)FspBI primer
 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (17)..(17)
 <223> n is g-AMINO
 <400> 2
 tagtccctta agcggan 17
 <210> 3
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>

<223> Nested primer

<400> 3
agggctccgc ttaaggac 19

<210> 4
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Linker primer

<400> 4
gtaatacgac tcactatagg gc 22

<210> 5
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> T_Bal rev primer

<400> 5
gaattgtgat acagtgaatt ataagtg 27

<210> 6
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> T_Bal primer

<400> 6
cttgtgtcat gcacaaagta gatgtcc 27

<210> 7
<211> 36
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> T_Bal_long primer

<400> 7
cttgtgtcat gcacaaagta gatgtcctaa ctgact 36

<210> 8
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> LAM_SB_50 primer

 <400> 8
 agttttaatg actccaactt aagtg 25

<210> 9
 <211> 89
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> SB20h-bc-ill-N primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (59)..(64)
 <223> nnnnnn is a TRUSEQ-ILLUMINA-INDEX barcode DNA sequence

<400> 9
 aatgatacgg cgaccaccga gatctacact ctttcctac acgacgctct tccgatctnn 60

 nnnncttaag tgtatgtaaa cttccgact 89

<210> 10
 <211> 64
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> PE-nest-ind1-N primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (25)..(30)
 <223> nnnnnn is a reverse complement DNA sequence of a
 TRUSEQ-ILLUMINA-INDEX sequence

<400> 10
 caagcagaag acggcatacg agatnnnnnn gtgactggag ttcagacgtg tgctcttccg 60

 atct 64

<210> 11

<211> 59
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Linker_Truseq_T+ primer

 <400> 11
 gtaatacgac tcactatagg gtcgctta agggactcag acgtgtgctc ttccgatct 59

<210> 12
 <211> 17
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Linker_Truseq_T- primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (17)..(17)
 <223> n is g-AMINO

 <400> 12
 gatcggaaga gcacacn 17

<210> 13
 <211> 64
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> PE_NEST_IND6 primer

 <400> 13
 caagcagaag acggcatacg agatattggc gtgactggag ttcagacgtg tgctcttccg 60
 atct 64

<210> 14
 <211> 64
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> PE_NEST_IND7 primer

 <400> 14
 caagcagaag acggcatacg agatagtctg gtgactggag ttcagacgtg tgctcttccg 60

atct	64
<210> 15	
<211> 64	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> PE_NEST_IND8 primer	
<400> 15	
caagcagaag acggcatacg agattcaagt gtgactggag ttcagacgtg tgctcttccg	60
atct	64
<210> 16	
<211> 20	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> CAR-Fwd primer	
<400> 16	
atctggatgt cggggatcag	20
<210> 17	
<211> 20	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> CAR-probe oligonucleotide	
<220>	
<221> misc_feature	
<222> (1)..(1)	
<223> n is FAM-A	
<220>	
<221> misc_feature	
<222> (20)..(20)	
<223> n is T-BH1	
<400> 17	
ngcagcatgg tggcggcgcn	20
<210> 18	
<211> 20	

<212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> CAR-Rev primer

 <400> 18
 gcttgctcaa ctctacgtct 20

 <210> 19
 <211> 18
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> MC-Fwd primer

 <400> 19
 ccgaccttaa tgcgcctc 18

 <210> 20
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> MC-probe oligonucleotide

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(1)
 <223> n is FAM-G

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (27)..(27)
 <223> n is T-BH1

 <400> 20
 ncgctgtagc ctcacgcca catatgn 27

 <210> 21
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> MC-Rev primer

 <400> 21

aggattaaat gtcaggaatt gtgaa 25

<210> 22
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> RPP30-Fwd primer

<400> 22
ggttaactac agctcccagc 20

<210> 23
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> RPP30-probe oligonucleotide

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> n is HEX-T

<220>
<221> misc_feature
<222> (24)..(24)
<223> n is C-BH1

<400> 23
nggacctgcg agcgggttct gacn 24

<210> 24
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> RPP30-Rev primer

<400> 24
ctgtctccac aagtccgc 18