

(12) 按照专利合作条约所公布的国际申请

(19) 世界知识产权组织
国际局



(43) 国际公布日
2010 年 10 月 21 日 (21.10.2010)

PCT

(10) 国际公布号
WO 2010/118559 A1

- (51) 国际专利分类号:
C12Q 1/68 (2006.01)
- (21) 国际申请号: PCT/CN2009/000411
- (22) 国际申请日: 2009 年 4 月 17 日 (17.04.2009)
- (25) 申请语言: 中文
- (26) 公布语言: 中文
- (72) 发明人: 及
- (71) 申请人: 赖鸿政 (LAI, Hung-Cheng) [CN/CN]; 中国台湾省台北市成功路二段 325 号 5 楼, Taiwan (CN)。
- (74) 代理人: 北京科龙寰宇知识产权代理有限公司 (KELONG INTERNATIONAL INTELLECTUAL PROPERTY AGENT LTD.); 中国北京市海淀区知春路 6 号锦秋国际大厦 A-1303 孙皓晨, Beijing 100088 (CN)。
- (81) 指定国 (除另有指明, 要求每一种可提供的国家保护): AE, AG, AL, AM, AO, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BH, BR, BW, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU,

CZ, DE, DK, DM, DO, DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, GT, HN, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KM, KN, KP, KR, KZ, LA, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LY, MA, MD, ME, MG, MK, MN, MW, MX, MY, MZ, NA, NG, NI, NO, NZ, OM, PG, PH, PL, PT, RO, RS, RU, SC, SD, SE, SG, SK, SL, SM, ST, SV, SY, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, ZA, ZM, ZW。

- (84) 指定国 (除另有指明, 要求每一种可提供的地区保护): ARIPO (BW, GH, GM, KE, LS, MW, MZ, NA, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), 欧亚 (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), 欧洲 (AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HR, HU, IE, IS, IT, LT, LU, LV, MC, MK, MT, NL, NO, PL, PT, RO, SE, SI, SK, TR), OAPI (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG)。

本国际公布:

- 包括国际检索报告(条约第 21 条(3))。
- 包括说明书序列表部分(细则 5.2(a))。

(54) Title: A METHOD FOR SCREENING CANCER

(54) 发明名称: 一种癌症筛检的方法

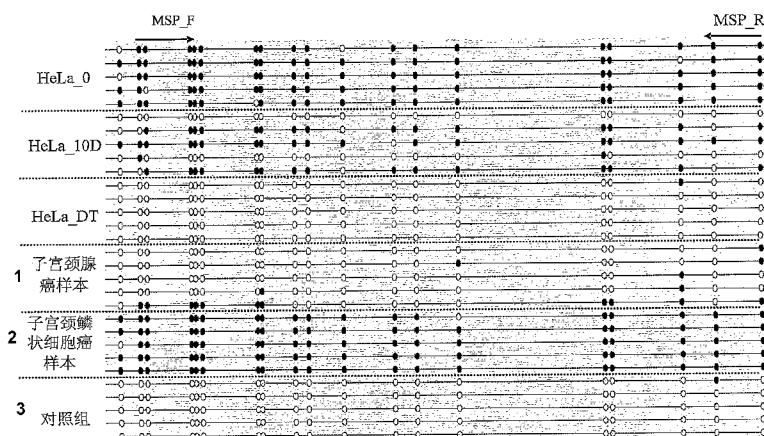


图 1 A /Fig.1A

1 CERVICAL CANCER SAMPLES
2 CERVICAL SQUAMOUS CELL CARCINOMA SAMPLES
3 CONTROLS

(57) Abstract: A method for screening cancer comprises the following steps: (1) providing a test specimen; (2) detecting the methylation state of the CpG sequence in at least one target gene within the genomic DNA of the test specimen, wherein the target genes are consisted of PTPRR, ZNF582, PDE8B and DBC1; and (3) determining whether there is cancer or cancerous pathological change in the specimen based on the presence or absence of the methylation state in at least one target gene; wherein the method for detecting methylation state is methylation-specific PCR (MSP), quantitative methylation-specific PCR (QMSP), bisulfite sequencing (BS), microarrays, mass spectrometer, denaturing high-performance liquid chromatography (DHPLC) and the like.

[见续页]

WO 2010/118559 A1