

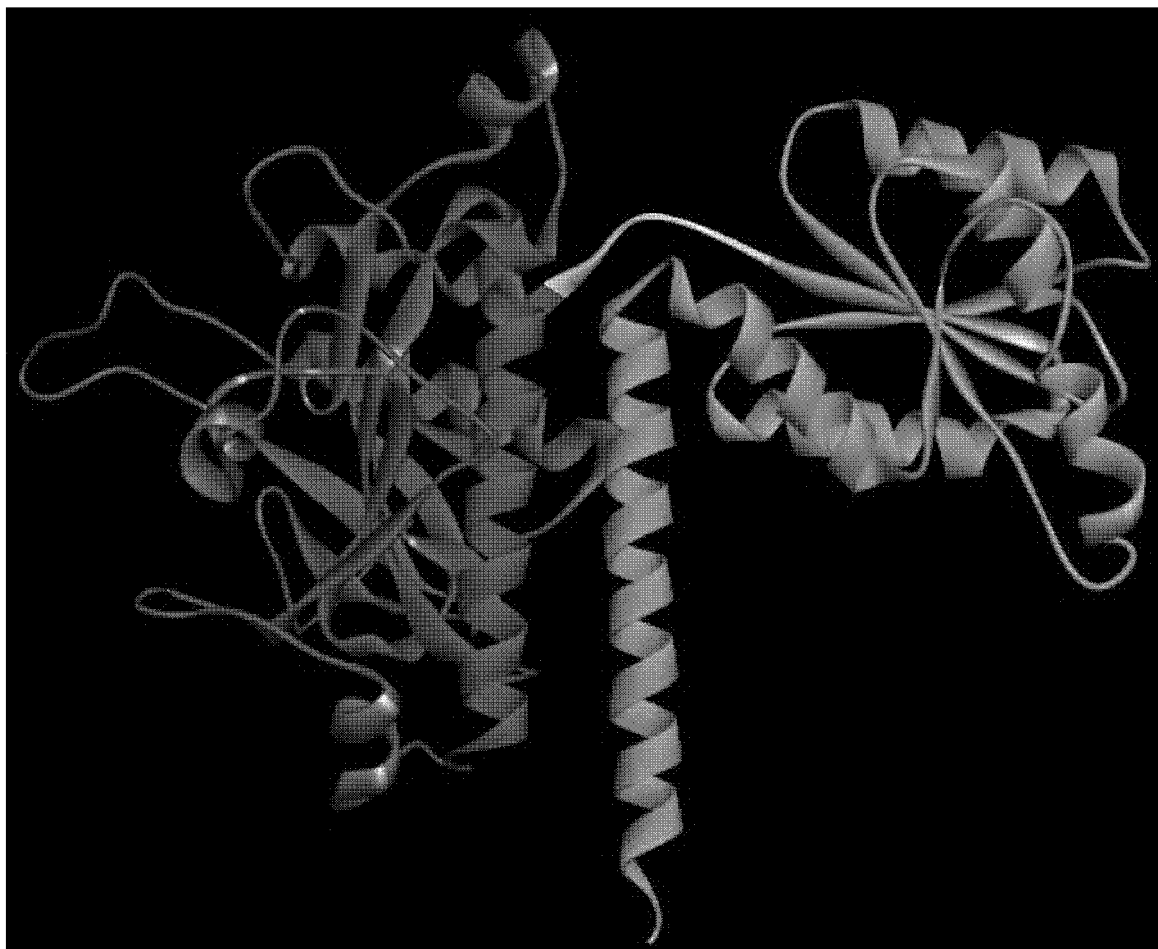
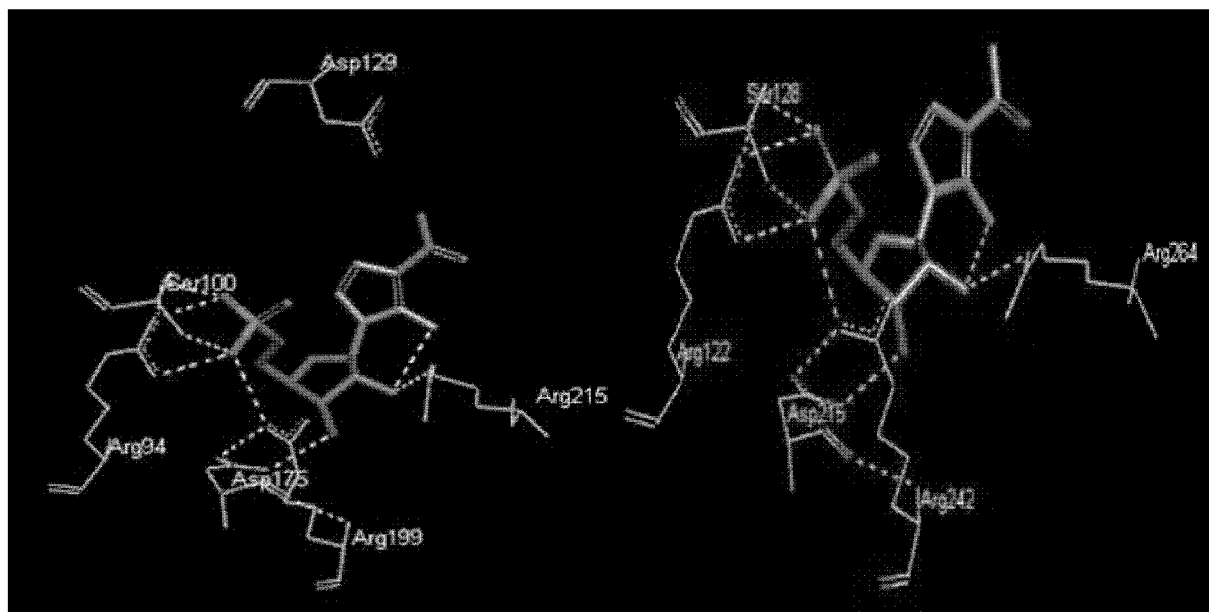
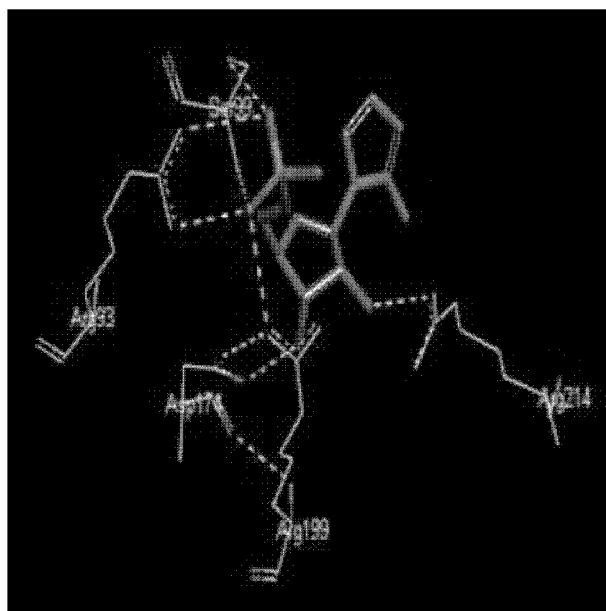


图 1



(B)



(C)

图 2

		Section 1									
		(1)	10	20	30	40	50	60	70	80	90
2H31_Hemo_PACIS	(1)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
41A0_Bombix mor_PACIS	(1)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3KUT_Thermotoga maritima_SAICAR synthase	(1)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
2GQR_Escherichia coli_SAICAR synthetase	(1)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
ZYEL_Methanocaldococcus jannaschii_SAICAR synthet...	(1)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3U54_Picrococcus horikoshii_SAICAR synthetase	(1)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
ZYVY_Geobacillus kaustophilus_SAICAR synthetase	(1)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3NUR_Clostridium perfringens_SAICAR synthetase	(1)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3KRE_Escherichia chaffinensis_SAICAR synthetase	(1)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
1A46_Saccharomyces cerevisiae_SAICAR SYNTHASE	(1)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3R9R_Mycobacterium abscessus_SAICAR synthetase	(1)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
Consensus	(1)	M	T	L	V	A	L	I	K	I	K
		Section 2									
		(55)	65	75	85	95	100	110	120	130	140
2H31_Hemo_PACIS	(55)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
41A0_Bombix mor_PACIS	(55)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3KUT_Thermotoga maritima_SAICAR synthase	(55)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
2GQR_Escherichia coli_SAICAR synthetase	(55)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
ZYEL_Methanocaldococcus jannaschii_SAICAR synthet...	(55)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3U54_Picrococcus horikoshii_SAICAR synthetase	(55)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
ZYVY_Geobacillus kaustophilus_SAICAR synthetase	(55)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3NUR_Clostridium perfringens_SAICAR synthetase	(55)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3KRE_Escherichia chaffinensis_SAICAR synthetase	(55)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
1A46_Saccharomyces cerevisiae_SAICAR SYNTHASE	(55)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3R9R_Mycobacterium abscessus_SAICAR synthetase	(55)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
Consensus	(55)	M	T	L	V	A	L	I	K	I	K
		Section 3									
		(125)	129	140	150	160	170	180	190	200	210
2H31_Hemo_PACIS	(125)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
41A0_Bombix mor_PACIS	(125)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3KUT_Thermotoga maritima_SAICAR synthase	(125)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
2GQR_Escherichia coli_SAICAR synthetase	(125)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
ZYEL_Methanocaldococcus jannaschii_SAICAR synthet...	(125)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3U54_Picrococcus horikoshii_SAICAR synthetase	(125)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
ZYVY_Geobacillus kaustophilus_SAICAR synthetase	(125)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3NUR_Clostridium perfringens_SAICAR synthetase	(125)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3KRE_Escherichia chaffinensis_SAICAR synthetase	(125)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
1A46_Saccharomyces cerevisiae_SAICAR SYNTHASE	(125)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3R9R_Mycobacterium abscessus_SAICAR synthetase	(125)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
Consensus	(125)	M	T	L	V	A	L	I	K	I	K
		Section 4									
		(195)	199	200	210	220	230	240	250	260	270
2H31_Hemo_PACIS	(195)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
41A0_Bombix mor_PACIS	(195)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3KUT_Thermotoga maritima_SAICAR synthase	(195)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
2GQR_Escherichia coli_SAICAR synthetase	(195)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
ZYEL_Methanocaldococcus jannaschii_SAICAR synthet...	(195)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3U54_Picrococcus horikoshii_SAICAR synthetase	(195)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
ZYVY_Geobacillus kaustophilus_SAICAR synthetase	(195)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3NUR_Clostridium perfringens_SAICAR synthetase	(195)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3KRE_Escherichia chaffinensis_SAICAR synthetase	(195)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
1A46_Saccharomyces cerevisiae_SAICAR SYNTHASE	(195)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3R9R_Mycobacterium abscessus_SAICAR synthetase	(195)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
Consensus	(195)	M	T	L	V	A	L	I	K	I	K
		Section 5									
		(257)	267	270	280	290	300	310	320	330	340
2H31_Hemo_PACIS	(257)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
41A0_Bombix mor_PACIS	(257)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3KUT_Thermotoga maritima_SAICAR synthase	(257)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
2GQR_Escherichia coli_SAICAR synthetase	(257)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
ZYEL_Methanocaldococcus jannaschii_SAICAR synthet...	(257)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3U54_Picrococcus horikoshii_SAICAR synthetase	(257)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
ZYVY_Geobacillus kaustophilus_SAICAR synthetase	(257)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3NUR_Clostridium perfringens_SAICAR synthetase	(257)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3KRE_Escherichia chaffinensis_SAICAR synthetase	(257)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
1A46_Saccharomyces cerevisiae_SAICAR SYNTHASE	(257)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
3R9R_Mycobacterium abscessus_SAICAR synthetase	(257)	MA	TA	LV	AL	IK	IK	IK	IK	IK	IK
Consensus	(257)	M	T	L	V	A	L	I	K	I	K

图 3

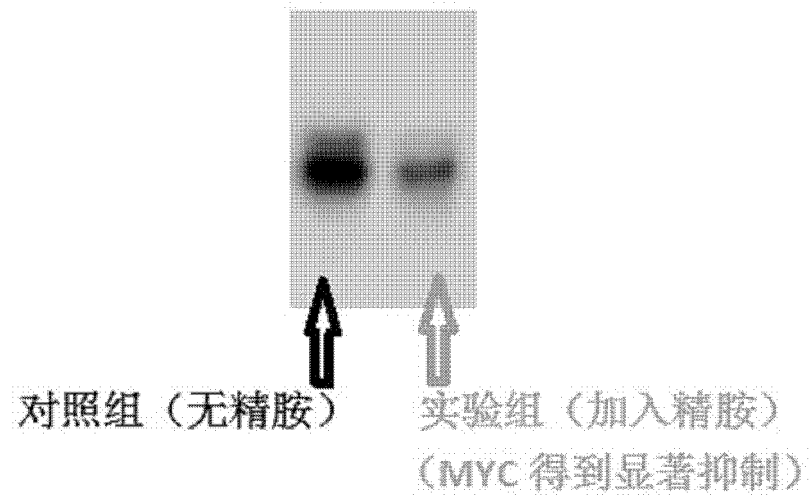


图 4