

eolf-seql
SEQUENCE LISTING

<110> VIB VZW
UNIVERSITEIT GENT
CENTRE NATIONAL DE LA RECHERCHE SCIENTIFIQUE
UNIVERSITÉ MONTPELLIER 2
CENTRE HOSPITALIER REGIONAL UNIVERSITAIRE DE MONTPELLIER

<120> FUSOKINES INVOLVING CYTOKINES WITH STRONGLY REDUCED RECEPTOR
BINDING AFFINITIES

<130> JT/DUO/459

<150> EP 13306034.3

<151> 2013-07-18

<160> 15

<170> PatentIn version 3.5

<210> 1

<211> 5

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Linker

<400> 1

Gly Gly Gly Gly Ser
1 5

<210> 2

<211> 32

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 2

gggggggaat tcatgagact tctcctcctg ac

32

<210> 3

<211> 34

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

eolf-seql

<223> Primer

<400> 3

gggggggtccg gaggcccagt cagggttatc gctg

34

<210> 4

<211> 39

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 4

gcggcagcgc ccctgtcgga agcttgaact gcaccctgc

39

<210> 5

<211> 37

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 5

ctgcgggaca gccaggggaa gaggcctggtc atgagcg

37

<210> 6

<211> 38

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 6

cgagctgaag gcactggctc ttcagggcca ggacatgg

38

<210> 7

<211> 38

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 7

gaaggcactg catctgggtg gccaggacat ggaacagc

38

eolf-seql

<210> 8
<211> 49
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 8
ccccaagaac tacccaagg caaagatgga aaagcgcttc gtgttcaac 49

<210> 9
<211> 39
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 9
gcagggtgca gttcaagctt ccgacagggg cgctgccgc 39

<210> 10
<211> 37
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 10
cgctcatgac caggctcttc ccctggctgt cccgcag 37

<210> 11
<211> 38
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 11
ccatgtcctg gccctgaaga gccagtcct tcagctcg 38

<210> 12
<211> 38

eolf-seql

<212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 12
 gctgttccat gtcctggcca cccagatgca gtgccttc 38

 <210> 13
 <211> 49
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 13
 gttgaacacg aagcgctttt ccatctttgc cttggggtag ttcttgggg 49

 <210> 14
 <211> 38
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 14
 gcagatctgt cgacatccag aaagtccagg atgacacc 38

 <210> 15
 <211> 37
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 15
 cgatgcggcc gcacattcag ggctaacatc caactgt 37