

SEQUENCE LISTING

<110> Yan, Hai
He, Yiping
Yang, Rui
Diplas, Bill H
Hansen, Landon
Bigner, Darell

<120> methods for reapid and sensitive
detection of hotspot mutations

<130> 000250.00218

<150> 62/014197

<151> 2014-08-14

<160> 29

<170> FastSEQ for windows Version 4.0

<210> 1

<211> 16

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 1

ctgggagggc ccggag

16

<210> 2

<211> 16

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 2

ctgggagggc ccggaa

16

<210> 3

<211> 19

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 3

gtcctgcccc ttcaccttc

19

<210> 4

<211> 16

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 4

cccgtcccga cccctc

16

<210> 5

<211> 16
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 5
 cccgtcccga cccctt 16

 <210> 6
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 6
 caggaaacag ctatgaccca gcgctgcctg aaactc 36

 <210> 7
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 7
 gggtaaaacc tatcatcata ggtcg 25

 <210> 8
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 8
 gggtaaaacc tatcatcata ggtca 25

 <210> 9
 <211> 24
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 9
 aacatgcaaa atcacattat tgcc 24

 <210> 10
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 10
 caggaaacag ctatgaccat cccccggctt gtgagt 36

 <210> 11
 <211> 20
 <212> DNA

<213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Primer
 <400> 11
 aagcccatca ccattggcag 20
 <210> 12
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Primer
 <400> 12
 aagcccatca ccattggcaa 20
 <210> 13
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Primer
 <400> 13
 aggtcagtgg atccccctctc 20
 <210> 14
 <211> 38
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Primer
 <400> 14
 caggaaacag ctatgaccgg accaagccca tcaccatt 38
 <210> 15
 <211> 24
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Primer
 <400> 15
 gggtaaaacc tatcatcata gggt 24
 <210> 16
 <211> 24
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Primer
 <400> 16
 gggtaaaacc tatcatcata ggtg 24
 <210> 17
 <211> 24
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Primer

 <400> 17
 gggtaaaacc tatcatcata ggta 24

 <210> 18
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 18
 gggtaaaacc tatcatcata ggtct 25

 <210> 19
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 19
 aagcccatca ccattggcat 20

 <210> 20
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 20
 aagcccatca ccattggcg 19

 <210> 21
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 21
 aagcccatca ccattggct 19

 <210> 22
 <211> 9
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 22
 cgggtcccc 9

 <210> 23
 <211> 8
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

<400> 23 ggcccagc	8
<210> 24 <211> 9 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 24 atgacttac	9
<210> 25 <211> 19 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 25 ttgatcccca taagcatga	19
<210> 26 <211> 22 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 26 tcactcaaag ccgctcaact ac	22
<210> 27 <211> 24 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 27 tctgccttca tttcgttatg tacc	24
<210> 28 <211> 18 <212> DNA <213> Inovirus enterobacteria phage M13	
<400> 28 tgtaaaacga cggccagt	18
<210> 29 <211> 18 <212> DNA <213> Inovirus enterobacteria phage M13	
<400> 29 caggaaacag ctatgacc	18