

Figures

Antibody	Global virus panel												GeoMean Breadth	
	Tro11	25710	398F1	CNE8	X2278	BuOX20 00	X1632	CE1176	246F3	CH119	CEO217	CNE55	IC ₅₀ (µg/ml)	(%)
	IC ₅₀ (µg/ml)													
01_D03	0.015	0.017	0.010	0.028	0.010	0.072	0.031	0.040	0.016	0.023	0.011	0.028	0.021	100
04_A06	0.047	0.031	0.040	0.028	0.047	0.024	0.060	0.084	0.063	0.032	0.018	0.024	0.038	100
04_B09	0.038	0.037	0.079	0.081	0.017	0.018	0.039	0.114	0.108	0.040	0.019	0.027	0.042	100
05_C07	0.041	0.045	0.041	0.063	0.031	0.096	0.032	0.231	0.031	0.054	0.018	0.027	0.046	100
01_B01	0.034	0.035	0.025	0.037	0.023	0.085	0.230	0.142	0.022	0.111	0.031	0.037	0.049	100
1-18	0.017	0.030	0.070	0.010	0.020	0.040	0.023	0.214	0.030	0.050	0.040	0.020	0.033	100
N6	0.102	0.079	0.033	0.095	0.032	0.044	0.061	0.208	0.044	0.052	0.034	0.081	0.061	100
VRC07 _{6523LS}	0.096	0.127	0.037	0.096	0.024	0.385	0.006	0.271	0.125	0.065	0.052	0.055	0.071	100
VRC07	0.196	0.180	0.104	0.241	0.064	>20	0.038	0.901	0.319	0.111	0.091	0.144	0.151	92
3BNC117	0.046	0.136	0.073	0.082	0.021	>20	3.260	0.259	0.102	4.734	0.042	0.119	0.158	92
N49P7	0.073	0.190	0.101	0.079	0.046	2.860	12.046	0.310	0.172	0.108	0.131	0.050	0.208	92
NIH45-46	1.482	0.239	0.178	0.330	0.060	>20	0.074	1.311	0.761	0.206	0.135	0.259	0.274	92
VRC01	0.366	0.533	0.151	0.541	0.137	>20	0.119	2.261	0.275	0.715	0.261	0.360	0.354	92
8ANC195	0.174	2.419	0.786	0.407	0.066	0.510	0.347	5.408	>20	2.113	>20	1.583	0.700	83

Figure 1

119 multiclade panel (99 common virus strains)								
Virus	Clade	04_A06 IC ₅₀ (µg/ml)	3BNC117 IC ₅₀ (µg/ml)	1-18 IC ₅₀ (µg/ml)	N49P7 IC ₅₀ (µg/ml)	N6 IC ₅₀ (µg/ml)	VRC07 IC ₅₀ (µg/ml)	VRC07_523-LS IC ₅₀ (µg/ml)
6405_V4_C34	D	0.110	0.167	>10	0.304	0.112	0.567	0.239
CAP45_G3	C	0.063	1.366	>10	0.131	0.042	0.378	0.033
DU172_17	C	0.028	0.416	>10	0.235	0.038	0.279	0.102
P1981_C5_3	G	0.039	0.505	>10	0.178	0.125	0.157	0.046
T278_50	AG	0.203	>10	>10	>10	>10	>10	>10
ZM109_4	C	0.024	0.083	9.916	0.050	0.039	0.072	0.030
ZM135_10A	C	0.088	0.059	1.729	0.301	0.153	0.105	0.073
THRO4156	B	0.554	2.491	1.584	3.846	1.000	2.663	0.960
3016_V5_C45	D	0.015	0.808	1.227	0.595	0.019	0.179	0.020
16845_2_22	C	0.081	>10	0.862	1.553	0.398	1.430	0.450
CAP210_E8	C	2.375	9.699	0.818	3.971	5.358	>10	1.708
BJOX028000_10_3	AE	0.007	0.012	0.806	0.070	0.006	0.039	0.002
CAAN5342	B	0.155	0.600	0.804	0.634	0.138	0.418	0.153
BJOX010000_06_2	AE	0.236	1.681	0.526	0.186	0.593	2.629	1.206
BJOX009000_02_4	AE	0.194	0.352	0.386	0.195	0.219	0.958	0.356
AC10_29	B	0.812	6.917	0.369	9.466	0.319	0.950	0.500
CE1172_H1	C	0.039	>10	0.295	8.499	0.530	>10	>10
1394_C9G1	C	0.054	>10	0.287	3.841	0.067	0.085	0.012
ZM53_12	C	0.122	0.227	0.256	0.823	0.223	0.355	0.166
CE1176_A3	C	0.061	0.259	0.214	0.310	0.208	0.901	0.271
928_28	AG	0.044	0.157	0.189	0.240	0.067	0.097	0.097
CNE5	AE	0.057	0.304	0.184	0.248	0.082	0.159	0.065
0013095_2_11	C	0.003	0.279	0.151	0.088	0.041	0.014	0.012
620345_C1	AE	>10	>10	0.145	>10	1.336	>10	>10
CE2010_F5	C	0.036	0.053	0.139	0.130	0.102	0.213	0.088
3817_V2_C59	CD	0.251	0.187	0.131	1.272	0.272	2.580	0.155
703010200_1E5	C	0.104	0.307	0.121	0.184	0.093	0.292	0.088
BJOX025000_01_1	AE	0.040	0.067	0.120	0.128	0.043	1.310	0.124
231965_C1	D	0.036	0.047	0.115	0.151	0.044	0.068	0.018
231966_C2	D	0.030	0.244	0.096	0.102	0.052	0.067	0.028
CE1086_B2	C	0.021	0.077	0.092	0.089	0.027	0.170	0.088
ZM197_7	C	0.123	0.337	0.091	0.203	0.061	0.277	0.158
CNE53	BC	0.039	0.070	0.089	0.056	0.036	0.012	0.012
QH0692_42	B	0.200	0.237	0.089	1.087	0.595	1.151	0.571

Figure 2

119 multiclade panel (99 common virus strains)															
Virus	Clade	04_A06		3BNC117		1-18		N49P7		N6		VRC07		VRC07_523LS	
		IC ₅₀ (µg/ml)		IC ₅₀ (µg/ml)		IC ₅₀ (µg/ml)		IC ₅₀ (µg/ml)		IC ₅₀ (µg/ml)		IC ₅₀ (µg/ml)		IC ₅₀ (µg/ml)	
X2088_C9	G	0.044		>10		0.089		0.185		0.041		>10		>10	
CE2060_G9	C	0.087		0.222		0.086		0.661		0.055		0.213		0.045	
704809221_1B3	C	0.027		0.076		0.078		0.141		0.217		0.298		0.154	
3415_V1_C1	A	0.024		0.099		0.076		0.213		0.032		0.072		0.020	
CNE30	C	0.081		0.321		0.076		0.271		0.171		0.392		0.166	
6535_3	B	0.070		0.380		0.068		0.230		0.104		0.271		0.125	
DU422_1	C	0.053		>10		0.063		4.496		0.034		>10		2.033	
TRJO4551_58	B	0.060		0.070		0.060		0.165		0.095		0.073		0.044	
Q461_E2	A	0.052		0.063		0.053		0.533		0.130		0.245		0.110	
X2131_C1_B5	G	0.092		0.346		0.053		0.110		0.086		0.163		0.102	
T257_31	AG	0.069		0.127		0.050		0.250		0.182		0.591		0.300	
X1193_C1	G	0.007		0.067		0.050		0.038		0.072		0.087		0.037	
ZM214_15	C	0.073		0.099		0.048		0.560		0.071		0.254		0.158	
T251_18	AG	0.106		0.217		0.044		0.198		0.389		1.148		0.266	
A07412M1_VRC12	D	0.016		0.031		0.043		0.249		0.043		0.100		0.031	
P0402_C2_11	G	0.027		0.057		0.043		0.037		0.049		0.071		0.045	
T255_34	AG	0.035		0.042		0.042		0.069		0.052		0.116		0.040	
ZM233_6	C	0.048		0.202		0.042		0.327		0.066		0.268		0.071	
C4118_9	AE	0.050		0.035		0.040		0.058		0.052		0.078		0.017	
CNE21	BC	0.026		>10		0.039		1.587		0.040		0.100		0.045	
C2101_C1	AE	0.071		0.056		0.038		0.115		0.056		0.266		0.061	
CE0393_C3	C	0.007		0.201		0.036		0.195		0.038		0.276		0.065	
CNE20	BC	0.018		>10		0.033		0.064		0.014		0.056		0.009	
703010054_2A2	C	0.042		0.331		0.032		0.132		0.108		0.256		0.091	
9004SS_A3_4	A	0.048		0.066		0.031		0.125		0.081		0.218		0.051	
MS208_A1	A	0.040		0.022		0.031		0.196		0.058		0.133		0.036	
BF1266_431A	C	0.013		0.028		0.030		0.057		0.007		0.032		0.009	
C3347_C11	AE	0.030		0.031		0.027		0.034		0.008		0.075		0.029	
X1254_C3	G	0.042		0.073		0.027		5.111		0.033		0.051		0.035	
3365_V2_C2	A	0.016		0.017		0.025		0.063		0.016		0.026		0.007	
191084_B7_19	A	0.043		0.068		0.023		0.047		0.020		0.039		0.010	
ZM247_V1	C	0.006		>10		0.023		0.062		0.025		0.099		0.025	
X1632_S2_B10	G	0.034		3.260		0.023		>10		0.061		0.038		0.006	
DU156_12	C	0.020		0.032		0.022		0.047		0.011		0.047		0.009	

Figure 2 (continued)

119 multiclade panel (99 common virus strains)

3BNC117	1-18	NA9P7	N6	VRC07	VRC07 _{523-LS}
IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)
0.134	0.020	0.254	0.187	0.725	0.170
0.010	0.020	0.042	0.020	0.025	0.010
0.043	0.020	0.060	0.019	0.055	0.021
3.951	0.019	0.102	0.012	0.043	0.005
>10	0.019	2.070	0.012	>10	>10
0.017	0.018	1.044	0.155	0.035	0.008
0.046	0.017	0.073	0.102	0.196	0.096
>10	0.017	1.811	0.025	0.791	1.081
0.387	0.017	0.045	0.021	0.087	0.025
0.069	0.017	0.153	0.114	0.130	0.088
0.014	0.017	0.118	0.046	0.039	0.031
0.028	0.016	0.073	0.032	0.065	0.029
0.030	0.016	0.034	0.023	0.018	0.005
0.032	0.015	0.041	0.030	0.077	0.039
0.024	0.015	0.108	0.017	0.031	0.009
0.181	0.010	0.441	0.090	0.324	0.173
0.082	0.010	0.079	0.095	0.241	0.096
0.081	0.010	0.142	0.059	0.243	0.113
0.015	0.009	0.028	0.010	0.022	0.002
0.045	0.009	0.155	0.065	0.072	0.031
0.011	0.007	0.010	0.004	0.002	0.001
0.028	0.007	0.064	0.012	0.018	0.005
0.025	0.006	0.023	0.021	0.111	0.045
0.004	0.006	0.030	0.012	0.018	0.009
0.197	0.006	0.149	0.313	1.540	0.390
0.026	0.006	0.102	0.047	0.074	0.052
>10	0.006	0.094	0.018	0.422	0.102
0.031	0.005	0.036	0.012	0.028	0.008
>10	0.005	>10	0.026	>10	>10
>10	0.004	8.558	4.252	>10	>10
0.034	0.004	0.020	0.039	0.070	0.018
0.108	0.049	0.194	0.062	0.140	0.051
85	95	96	99	91	93

Figure 2 (continued)

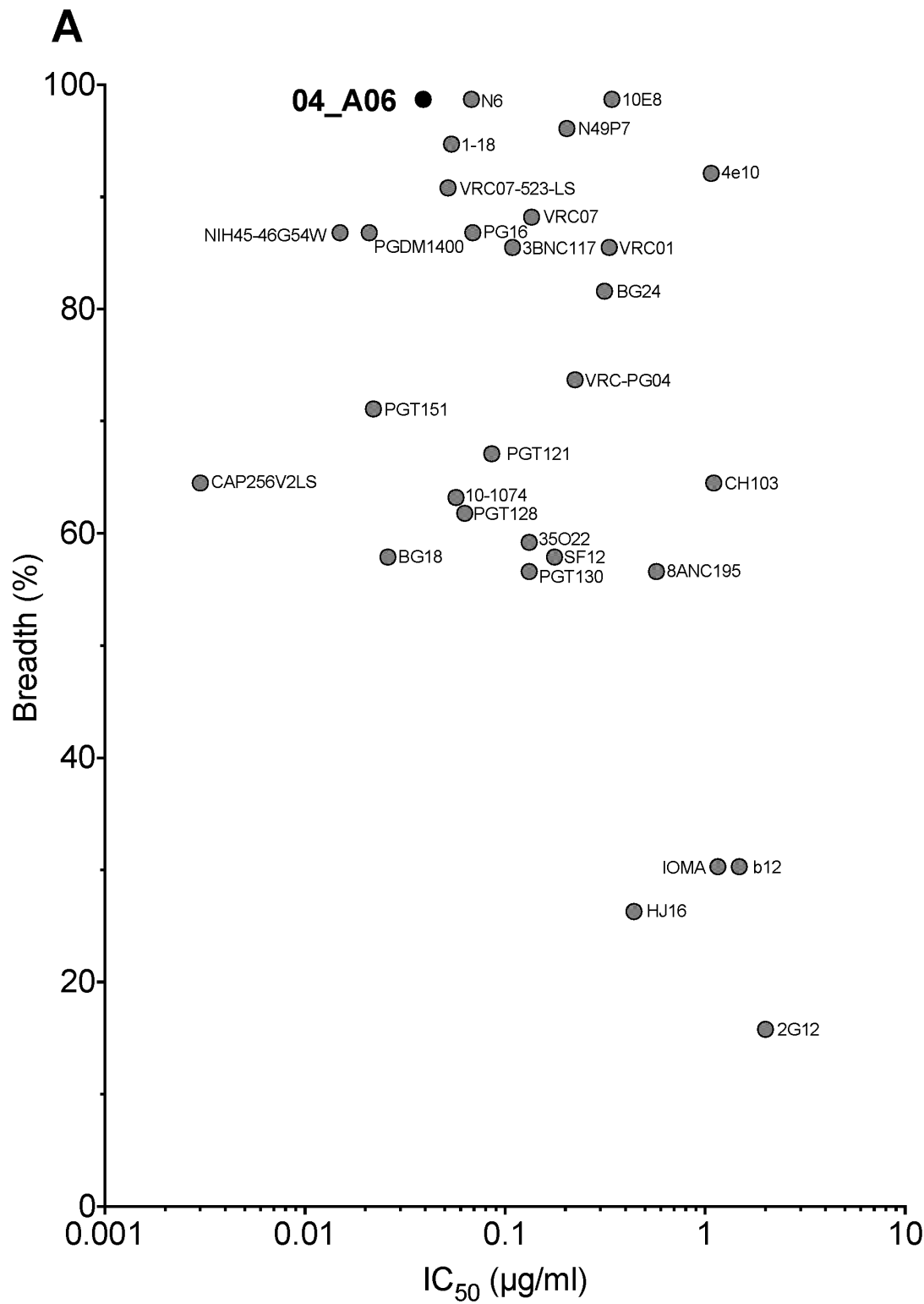


Figure 3

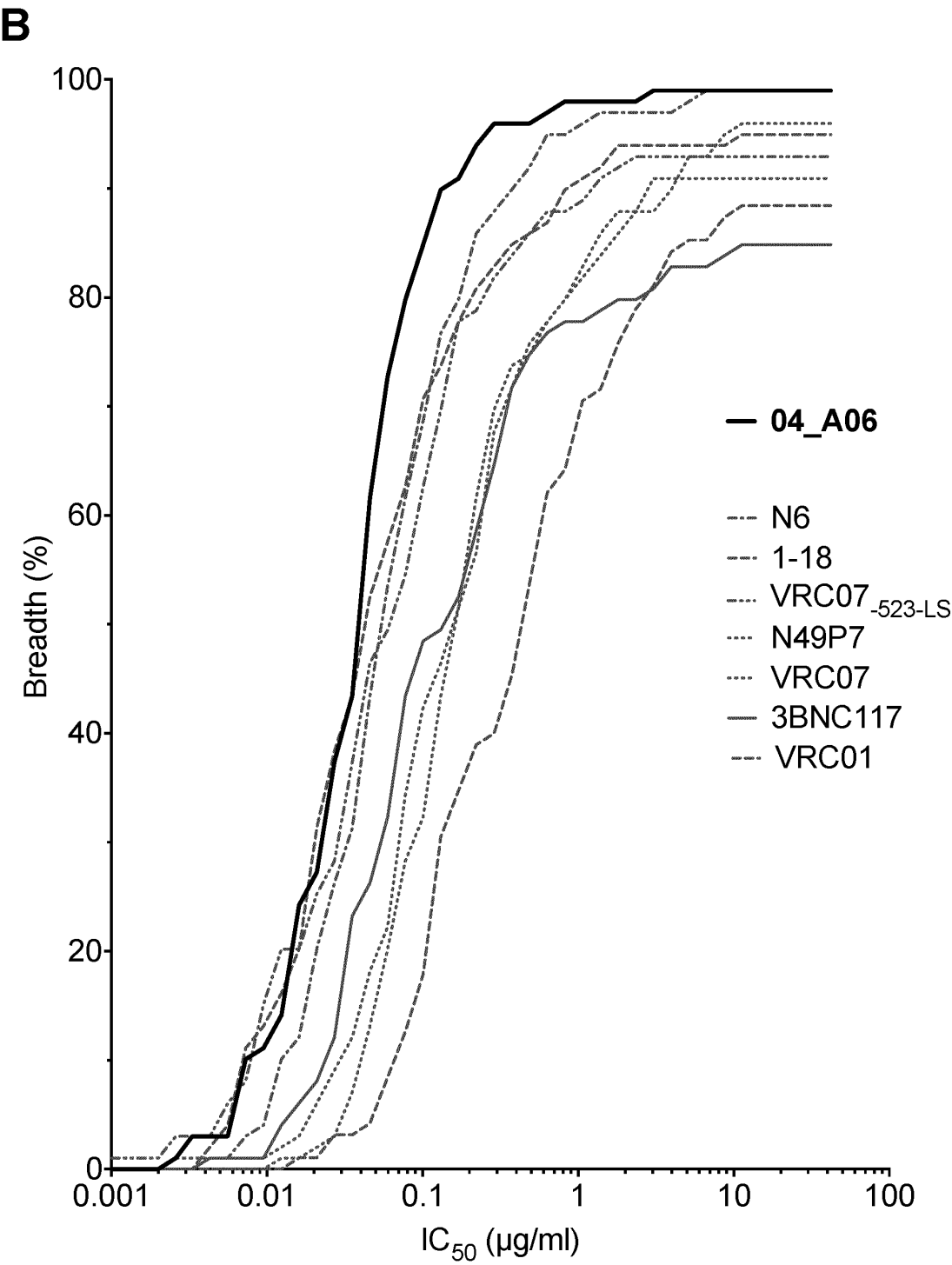


Figure 3 (continued)

Subtype C panel

Virus	04_A06	3BNC117	1-18	N6	VRC01	VRC07 ^{-523-LS}
	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)
CAP308_2_00_E11_35	>10	>10	>10	>10	>10	>10
20417927_07	0.009	>10	0.396	>10	>10	>10
CAP225_1_06_A2_18	0.004	6.174	0.176	>10	1.170	5.152
CAP210_TA5	2.116	5.720	0.904	>10	>10	0.921
CT565_C7_48	1.089	>10	2.263	5.233	>10	0.513
21203310_G7_C3	0.764	5.812	0.374	2.063	>10	1.055
1245045	0.115	3.298	0.253	0.904	3.440	0.312
6022_V7_C24	0.770	0.021	4.221	0.842	1.980	0.101
20927783	0.087	>10	>10	0.702	>10	>10
CE1172_H1	0.044	>10	0.295	0.530	>10	>10
705010185_TF	0.080	0.050	0.062	0.444	>10	0.262
CA146_H3_3	0.124	0.578	>10	0.388	>10	0.091
21502011_F12_E2	1.015	1.582	0.309	0.372	9.770	0.605
21197826_V1	0.300	>10	0.825	0.313	>10	0.366
2969249	0.456	0.640	>10	0.280	1.370	0.222
SO405_T24_5	0.196	0.330	0.073	0.279	3.410	0.459
0984_V2_C2	0.055	>10	0.094	0.272	1.490	0.282
2768732_C5_16	0.299	0.304	0.246	0.271	1.600	0.198
CA392_H2_6	0.046	0.036	0.037	0.186	0.180	0.088
KO459_T68_4	0.084	0.173	0.159	0.156	1.270	0.120
ZM135_10A	0.098	0.059	1.729	0.153	0.855	0.073
556_F2_3_25	0.344	4.418	0.253	0.151	3.320	0.173
CAP363_2_00_10_3	0.102	0.286	0.704	0.148	2.120	0.160
SO032_A2_8_1	0.364	4.873	0.035	0.147	1.980	0.101
CAP323_2_00_B6_45	0.125	0.141	0.600	0.145	>10	0.053
20286961_C1_H8	0.061	0.130	0.058	0.144	0.400	0.113
KO426_T78_10	0.063	0.169	0.056	0.136	1.339	0.276
2865_A11_12	0.161	0.268	0.411	0.135	0.880	0.113
SO607_B6_9	0.084	0.124	0.071	0.131	0.490	0.059
CAP291_2_00_H2_15	0.099	0.095	0.060	0.130	0.580	0.023
ME178_G6_16	0.109	0.425	0.176	0.119	0.400	0.047
703010054_2A2	0.062	0.331	0.032	0.108	0.535	0.091
0041_V3_C18	0.089	0.100	0.061	0.103	0.360	0.058
CAP244_D3	0.076	0.096	0.082	0.102	0.688	0.164
CT810_G4_7	0.117	1.191	0.071	0.100	0.510	0.093

Figure 4

Subtype C panel

Virus	04_A06	3BNC117	1-18	N6	VRC01	VRC07 _{-523-LS}
	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)
CE0665_F2	0.047	0.125	0.048	0.092	0.480	0.148
722_G4_16	0.149	4.086	0.193	0.091	>10	0.054
CAP136_1_16_E6_1	1.502	0.253	>10	0.087	>10	0.170
6146_V7_C23	0.047	>10	0.072	0.083	0.900	0.132
CA240_A5_5	0.047	0.631	0.562	0.082	1.330	0.143
6631_V3_C10	0.037	>10	0.053	0.081	>10	0.153
CH0694	0.052	0.647	0.124	0.076	>10	0.111
20358510_01	0.046	0.192	0.014	0.074	0.390	0.012
704810053_2B7	0.052	1.582	0.076	0.072	>10	0.069
ZM214_15	0.113	0.099	0.048	0.071	0.827	0.158
20258279_V2	0.036	0.303	0.078	0.069	0.540	0.104
20965238	0.107	0.157	0.135	0.069	1.100	0.083
CAP200_B8A	0.076	0.142	>10	0.066	0.480	0.085
21492713_B11_E3	0.049	0.089	0.031	0.066	0.140	0.021
ZM233_6	0.032	0.202	0.042	0.066	2.455	0.071
3312_D6_2	0.018	0.828	0.013	0.065	0.180	0.035
ZM197_7	0.176	0.337	0.091	0.061	0.507	0.158
CT140_140_B6	0.103	0.126	0.142	0.060	>10	0.103
19252094_A5_G2	0.042	5.147	0.067	0.059	0.470	0.109
20198102_E9_G1	0.020	0.366	0.028	0.053	0.160	0.035
19314479_A2_5	0.114	0.046	0.113	0.053	0.840	0.062
B005018_8_F6_3	0.038	0.093	0.020	0.051	0.280	0.118
6040_V4_C15	0.017	0.032	0.022	0.049	0.150	0.062
704010042_2E5	0.031	0.040	0.012	0.046	0.160	0.009
CAP307_2_00_24_1	0.123	0.125	2.387	0.045	0.290	0.050
3603_C11_13	0.022	0.015	0.040	0.045	0.310	0.048
CE2052_G10	0.020	0.048	0.003	0.043	0.180	0.016
ZM215_8	0.084	0.014	0.039	0.043	0.176	0.050
CAP45_G3	0.074	1.366	>10	0.042	5.849	0.033
21283649	0.023	0.165	0.074	0.042	0.310	0.027
KO870_C2_10	0.058	0.131	0.157	0.042	0.230	0.030
569_F1_37_10	0.031	0.226	0.260	0.041	0.300	0.016
19707346_E8_C6	0.049	>10	0.177	0.040	1.730	0.074
234_F1_16_57	0.057	>10	0.028	0.039	>10	1.352
CT966_E1_7	0.120	0.200	0.057	0.038	0.560	0.072

Figure 4 (continued)

Subtype C panel

Virus	04_A06	3BNC117	1-18	N6	VRC01	VRC07 _{-523-LS}
	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)
706010164_1A7	0.031	>10	0.035	0.036	0.240	0.024
3426_V5_C17	0.025	0.049	0.037	0.034	0.260	0.067
DU422_1	0.061	>10	0.063	0.034	>10	2.033
CT184_D3_15	0.008	0.133	1.076	0.032	0.100	0.012
541_F1_A7_2	0.120	0.070	0.099	0.032	0.170	0.023
235080_3G7_REV	0.012	>10	0.322	0.028	8.410	0.004
ZM106_9	0.028	0.081	0.011	0.026	0.255	0.030
CAP69_1_12_TA7_1	6.778	>10	>10	0.025	>10	0.047
0933_V4_C4	0.068	>10	>10	0.023	0.910	0.554
CAP290_2_00_23_6	0.053	>10	0.071	0.023	1.980	0.095
3514597	0.029	0.038	0.103	0.022	0.500	0.054
703010131_1E2	0.019	0.287	0.027	0.020	>10	0.028
ZM249_1	0.008	0.043	0.020	0.019	0.077	0.021
CT072_56_7	0.040	0.014	0.011	0.019	0.060	0.029
20104663_E11_D2	0.035	>10	>10	0.015	>10	0.628
20883229_C9_H6	0.045	>10	0.056	0.015	0.400	0.024
19157834_V1	0.016	0.041	0.012	0.015	0.350	0.032
6980_V0_C31	0.018	0.072	0.022	0.012	0.100	0.036
CAP177_1A3	0.033	0.527	0.018	0.011	0.150	0.017
CAP188_1_D1_14_REV	0.031	1.364	0.012	0.010	0.180	0.014
CH505_W4_3	0.004	0.011	0.007	0.010	0.027	0.013
CAP266_2_00_E9_H6	0.006	>10	0.010	0.009	>10	>10
CAP304_2_00_F6_6	0.033	1.282	0.026	0.009	0.040	0.008
CAP174_1_06_F3_1B	0.001	>10	0.084	0.007	0.050	0.002
20915593	0.035	>10	0.046	0.006	>10	0.075
21561324_D3_B5	0.009	6.983	0.006	0.005	0.440	0.019
18814602_H8_F3	0.012	0.007	0.015	0.004	0.020	0.005
CAP330_2_00_F2_41	0.005	>10	0.017	0.003	0.560	0.002
SO431_C1_1	0.012	0.198	0.018	0.003	0.560	0.012
1170887_08	0.007	0.004	0.003	0.001	0.110	0.004
GeoMean IC ₅₀ of neutralized (µg/ml)	0.057	0.209	0.074	0.058	0.470	0.068
Breadth (%)	99	77	90	96	76	95

Figure 4 (continued)

CD4bs bNAb resistant virus strains						
Virus	04_A06	VRC07. ⁵²³ LS	N6	3BNC117	1-18	VRC01
	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)
20927783	0.087	>10	0.702	>10	>10	>10
20417927_07	0.009	>10	>10	>10	0.396	>10
T278_50	0.203	>10	>10	>10	>10	>10
TV1.29	0.284	2.080	>10	>10	>10	>10
CAP210_TA5	2.116	0.921	>10	5.720	0.904	>10
20104663_E11_D2	0.035	0.628	0.015	>10	>10	>10
CAP136_1_16_E6_1	1.502	0.170	0.087	0.253	>10	>10
CA146_H3_3	0.124	0.091	0.388	0.578	>10	>10
CAP69_1_12_TA7_1	6.778	0.047	0.025	>10	>10	>10
GeoMean IC ₅₀ of neutralized (µg/ml)	0.253	0.309	0.098	0.942	0.598	>10
Breadth (%)	100	67	56	33	22	0

Figure 5

Resistant panel to CD4bs bNAbs									
Virus	04 A06	VRC07	N6	NIH45-46	1-18	VRC01	N49P7	3BNC117	GeoMean IC ₅₀ of neutralized (µg/ml) Breadth (%)
	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	
BL01DG	>10	>10	>10	>10	>10	>10	>10	>10	
TV1.29	0.284	>10	>10	>10	>10	>10	>10	>10	
CN23	1.072	1.576	2.382	2.365	>10	>10	1.060	>10	
TZA125.17	0.102	>10	0.526	>10	4.113	>10	0.121	>10	
CNE6	0.014	>10	>10	>10	0.857	>10	>10	>10	
CNE64	2.934	2.975	0.502	>10	0.411	9.393	5.854	>10	
BjOX2000	0.010	>10	0.027	>10	0.016	>10	0.415	>10	

12/18

Insensitive virus panel to CD4bs bNAbs													
Virus	Clade	01_D03		VRC07 _{.623-LS}		N6		VRC07		N49P7		1-18	
		IC ₅₀ (µg/ml)		IC ₅₀ (µg/ml)		IC ₅₀ (µg/ml)		IC ₅₀ (µg/ml)		IC ₅₀ (µg/ml)		IC ₅₀ (µg/ml)	
CAP210_E8	C	0.499		>1		>1		>1		>1		0.818	
6545_V4_C1	AC	>1		>1		>1		>1		>1		0.004	
THRO4156	B	0.196		0.960		1.000		>1		>1		>1	
6405_V4_C34	D	0.113		0.239		0.112		0.567		0.304		>1	
DU172_17	C	0.061		0.102		0.038		0.279		0.235		>1	
P1981_C5_3	G	0.082		0.046		0.125		0.157		0.178		>1	
ZM109_4	C	0.227		0.030		0.039		0.072		0.050		>1	
ZM135_10A	C	0.021		0.073		0.153		0.105		0.301		>1	
GeoMean IC ₅₀ of neutralized (µg/ml)		0.115		0.115		0.121		0.180		0.180		0.057	
Breadth (%)		88		75		75		63		63		25	

Figure 7

Antibody Mediated Prevention Trial Panel

Virus	04_A06		VRC01	
	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₈₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₈₀ (µg/ml)
H703_0015_110s	>10	>10	>10	>10
H703_0132_200s_10H3	0.190	0.460	>10	>10
H703_0157_090s	0.005	0.020	>10	>10
H703_0455_160_RE_cs	0.040	0.140	>10	>10
H703_0482_250Es	0.030	0.080	>10	>10
H703_0514_150s_6C1	1.820	4.970	>10	>10
H703_0902_140_RE_p01s	0.010	0.030	>10	>10
H703_1446_040s	0.170	0.690	>10	>10
H703_1515_120Es	0.040	0.110	>10	>10
H703_1670_220_RE_cs	0.260	1.010	>10	>10
H703_1798_170_RE_p01s	0.450	1.560	>10	>10
H703_2038_260_RE_e5C3s	4.320	>10	>10	>10
H703_2769_050_RE_p01s	1.020	2.260	>10	>10
V703_0015_110_RE_pblib002_s	>10	>10	>10	>10
V703_0132_200_RE_pblib002_s	0.420	0.820	>10	>10
V703_0510_260_RE_pblib003_s	0.240	0.940	>10	>10
V703_0514_150_RE_pblib004_s	1.700	3.010	>10	>10
V703_0790_190_RE_pblib002_s	0.090	0.310	>10	>10
V703_1255_260_RE_pblib003_s	0.050	0.200	>10	>10
V703_1515_120_RE_pblib002_s	0.005	0.010	>10	>10
V703_1586_210_RE_sga3E8_s	1.460	3.060	>10	>10
V703_1714_080_RE_pblib002_s	0.090	0.200	>10	>10
H703_0013_090Es	0.240	0.580	>10	>10
H703_0203_081_RE_e8A5s	0.290	0.920	>10	>10
H703_0217_050e_2A3	0.010	0.030	>10	>10
H703_0279_110s	0.110	0.420	>10	>10
H703_0472_030s	0.005	0.010	>10	>10
H703_0537_011s_4H1	0.030	0.090	>10	>10
H703_0566_160s	0.030	0.100	>10	>10
H704_1835_150_RE_p001s_2484A	0.037	0.127	>10	>10
H704_0445_180_RE_con_s	0.005	0.023	>10	>10
H704_1835_150_RE_p002s_2484A	0.020	0.087	>10	>10
H703_0514_150Es_F4_V03_024	0.280	0.870	10.000	>10
H703_0406_240_RE_e11E4s	2.190	7.320	9.150	>10
H703_0944_180s	1.090	2.290	8.609	>10
V703_1586_210_RE_pblib002_s	0.770	2.090	8.349	>10
H703_0646_051sN	0.780	2.020	8.081	>10
H703_0629_150_RE_e5A2s	0.040	0.160	7.803	>10
H703_2934_110_RE_cs	0.050	0.320	7.357	>10
H703_0739_110s	0.020	0.090	6.410	>10
H704_0726_080sN	0.054	0.223	5.635	>10
H704_2981_150_RE_p001s_2559A	2.331	8.185	5.211	>10
H704_2544_140eN02	0.207	0.559	5.058	>10
H704_0496_040sN	0.028	0.085	4.769	>10
V703_0510_260_RE_pblib002_s	0.690	1.810	4.549	>10
H703_0790_190_RE_e5G1s	0.590	2.340	4.388	>10
H703_1357_230Es_H1	0.600	2.520	4.368	>10

Figure 8

Antibody Mediated Prevention Trial Panel

Virus	04_A06		VRC01	
	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₈₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₈₀ (µg/ml)
H703_0842_200Es	0.330	1.020	4.151	>10
V703_1034_190_RE_pblib002_s	0.230	0.690	4.146	>10
H703_1034_190_RE_e5D5s	0.210	0.660	4.070	>10
V703_1453_240_RE_pblib002_s	0.110	0.310	4.050	>10
H703_0926_070s_2H2	0.240	0.700	4.048	>10
H703_1060_080s	0.800	1.980	3.872	>10
V703_0510_260_RE_pblib001_s	0.210	0.710	3.683	>10
V703_1240_201_RE_sga3D1_s	>10	>10	3.241	>10
H703_0406_240_RE_e12B2s	0.740	2.540	3.124	>10
H703_1689_110_RE_e4E6s	0.010	0.040	0.887	>10
H704_3008_040EsN	0.315	4.185	3.419	9.892
H704_2767_070sN	0.088	0.270	2.019	8.698
H704_1109_140_RE_cs	0.841	2.203	3.307	8.658
H704_0847_030_EsN_02C	0.021	0.096	2.710	8.503
V703_0712_250_RE_pblib001_s	0.090	0.270	3.268	7.693
V703_1034_190_RE_pblib003_s	0.017	0.070	2.164	7.652
H704_1528_240_RE_pblib_001_s	0.204	0.610	2.390	7.130
H703_1453_240_RE_e9B7s	0.020	0.090	2.569	7.038
V703_1194_150_RE_pblib002_s	0.190	0.760	2.494	6.928
V703_1855_162_RE_pblib003_s	0.015	0.060	2.106	6.831
H704_0575_060_EsN1A	0.174	0.669	2.150	6.694
H704_0575_060_EsN2T	0.180	0.867	2.022	6.428
H704_0847_030_EsN_01T	0.023	0.083	1.908	6.399
H704_2981_150_RE_pblib005_s	0.546	1.940	2.181	6.343
H703_1313_040s	0.210	0.530	1.712	6.265
H704_0575_060_RE_p002s	0.240	0.877	2.027	6.087
H703_1807_240_RE_cs	0.040	0.170	1.883	5.714
H704_2834_210_RE_pb002_s	0.074	0.270	1.881	5.546
H703_0948_170_RE_e4D2s	0.130	0.650	1.620	5.323
H704_2544_150_RE_p001s	0.158	0.638	1.840	5.310
H704_2834_210_RE_pb001_s	0.112	0.383	1.952	5.254
H704_2981_150_RE_pblib003_s	0.411	1.500	1.687	5.241
H704_3000_240_RE_pbsga002_s	0.026	0.119	1.920	5.220
H703_1471_190s	0.210	0.360	1.332	5.212
H704_2981_150_RE_p002s_2559A	0.922	4.752	1.899	4.934
H703_1194_150_RE_cs	0.150	0.550	1.365	4.842
H703_0795_040s	1.850	3.100	1.340	4.770
V703_1240_201_RE_sga4F1_s	0.870	1.870	1.859	4.756
H703_0322_130s_M1I	0.050	0.210	1.605	4.619
H704_0886_250_RE_p001s	0.040	0.265	1.745	4.601
V703_1240_201_RE_pblib003_s	0.230	0.630	1.343	4.525
H703_0109_210s	0.180	0.630	1.405	4.462
H703_1675_G613s	0.040	0.110	1.444	4.393
H704_2839_140_RE_cs	0.049	0.174	1.658	4.337
H703_1750_140Es	0.480	1.080	1.766	4.252
H703_1764_250_RE_cs	0.040	0.120	1.037	4.222
H704_1991_230_RE_p001s_1194T	0.096	0.366	1.605	4.218

Figure 8 (continued)

Antibody Mediated Prevention Trial Panel

Virus	04_A06		VRC01	
	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₈₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₈₀ (µg/ml)
H703_1789_230_RE_e3A3s	0.120	0.270	1.054	4.150
H703_1407_090s_4G4	0.050	0.170	1.463	3.988
H703_1848_190_RE_e6D1s	0.090	0.310	1.391	3.936
V703_0597_190_RE_pblib002_s	0.160	0.460	1.062	3.836
H703_1889_100Es	0.130	0.360	1.076	3.790
H703_1026_120Es_A5	0.520	0.870	1.036	3.754
H704_0513_150_eN02C	0.297	0.907	1.422	3.675
H704_0911_150sN	0.346	0.930	1.253	3.641
H703_1945_090s_2A3	0.070	0.290	0.947	3.637
V703_1407_090_RE_pblib003_s	0.120	>10	1.139	3.627
H704_2788_060eN_12	0.178	0.686	1.436	3.600
H704_2788_060eN_04	0.163	0.576	1.324	3.457
H704_0513_150_eN01T	0.460	1.358	1.522	3.384
H703_2018_240_RE_e6A1s	0.140	0.540	1.028	3.310
H704_0746_760_RE_p003s	0.206	0.724	1.310	3.284
V703_2372_170_RE_con_s	0.060	0.200	0.944	3.276
H703_1687_100Es	0.030	0.170	0.847	3.184
H704_0746_760_RE_p001s	0.105	0.635	1.150	3.115
V703_3000_090_RE_pblib002_s	0.057	0.200	0.853	3.042
V703_2141_160_RE_sga3D6_s	0.820	1.660	1.196	2.887
H703_2117_110_RE_e2A10s	0.040	0.140	0.881	2.855
H703_2149_060_RE_eB10s	0.040	0.190	1.249	2.844
H703_2304_150_RE_cs	0.010	0.040	0.681	2.723
V703_0597_190_RE_pblib003_s	0.140	0.340	0.661	2.712
H703_0860_150Es	0.027	0.100	0.797	2.635
H704_0513_150_RE_pblib003_s	0.259	0.907	1.092	2.585
H703_2539_070_RE_e6F6s	0.270	>10	0.719	2.515
H703_2631_150_RE_e2F8s	0.140	0.470	0.686	2.473
H704_0644_060sN_prelimSeq	0.074	0.221	1.018	2.459
H704_0746_760_RE_p002s	0.139	0.520	0.952	2.418
H704_2544_140eN01	0.088	0.280	0.949	2.411
H703_0597_190_RE_e5A1s	0.140	0.380	0.650	2.395
H703_2788_030Es_B1	0.040	>10	0.529	2.257
H703_0993_110_RE_cs	0.020	0.060	0.739	2.209
H703_1945_090s_2F1	0.040	0.220	0.451	2.105
H703_1783_170Es	0.180	0.370	0.706	2.062
V704_0128_220_RE_pblib002_s	0.025	0.096	0.057	2.011
H704_0128_220_RE_pb001_s	0.017	0.057	0.057	2.011
H703_1945_090s_3D5	0.040	0.200	0.452	1.950
H704_3000_240_RE_pbsga001_s	0.009	0.063	0.523	1.790
H703_0309_100s	0.110	0.290	0.483	1.781
H703_0636_200Es	0.030	0.120	0.429	1.630
V703_1383_240_RE_pblib002_s	0.010	0.040	0.462	1.603
V703_0309_100_RE_pblib002_s	0.100	0.240	0.416	1.537
H703_1758_260_RE_cs	0.050	0.180	0.414	1.430
H704_1706_050sN	0.203	0.751	0.514	1.343
V703_0712_250_RE_pblib002_s	0.100	0.240	0.317	1.320

Figure 8 (continued)

Antibody Mediated Prevention Trial Panel

Virus	04_A06		VRC01	
	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₈₀ (µg/ml)	IC ₅₀ (µg/ml)	IC ₈₀ (µg/ml)
H704_0856_240_RE_pb001_s	0.053	0.211	0.524	1.320
V704_0372_250_RE_pb1ib001_s	0.033	0.219	0.415	1.320
H704_0026_231_RE_pbsga001_s	0.059	0.266	0.460	1.300
H703_1383_240_RE_e5D3s	0.010	0.040	0.425	1.196
H703_0967_040s	0.020	0.060	0.323	1.109
H704_2541_080EsN	0.101	0.284	0.408	1.082
H703_1828_220Es	0.040	0.150	0.293	1.077
H704_2555_240_RE_con_s_vpuG	0.032	0.138	0.424	1.061
H704_1183_220EsN	0.031	0.126	0.453	1.057
H703_1714_080c	0.037	0.150	0.291	1.034
V703_1383_240_RE_pb1ib003_s	0.010	0.020	0.311	1.002
H703_0805_770_RE_e10F8s	0.050	0.190	0.286	0.995
H704_2095_130_RE_cs	0.115	0.555	0.323	0.949
H704_0907_130sN	0.062	0.185	0.393	0.871
V704_0372_250_RE_pb1ib002_s	0.021	0.119	0.326	0.868
H704_1429_090_eN2G	0.025	0.083	0.373	0.866
H703_1551_143s_2G8	0.020	0.070	0.265	0.823
H703_0805_770_RE_e10C9s	0.780	2.110	0.244	0.811
H704_2541_080_RE_p001s	0.052	0.184	0.353	0.800
H704_1429_090_eN1A	0.038	0.138	0.307	0.746
H704_2065_060_RE_p001s	0.039	0.310	0.233	0.714
H703_0578_130_RE_cs	0.050	0.200	0.209	0.693
H704_2065_060_RE_p002s	0.031	0.243	0.194	0.674
H704_2541_080_RE_p003s	0.019	0.058	0.213	0.611
H704_1775_030cN_SynGtoA_567	0.019	0.139	0.095	0.483
H704_1180_070EsN	0.010	0.075	0.152	0.462
V703_1104_100_RE_pb1ib001_s	0.280	1.000	0.143	0.458
H704_1930_170_RE_c02s_1523G	0.027	0.126	0.119	0.452
H704_1180_070_RE_pb1ib027_s	0.016	0.066	0.144	0.434
H703_0520_030Es	0.060	0.120	0.133	0.428
H704_2448_240_RE_cs	0.044	0.275	0.140	0.412
V703_2769_050_RE_pb1ib002_s	0.050	0.180	0.118	0.410
H704_1930_170_RE_c01s_1523A	0.020	0.083	0.110	0.358
H704_2684_181_RE_p0001s	0.019	0.085	0.119	0.347
H704_1783_150_RE_cs	0.020	0.065	0.114	0.327
H704_2684_181_RE_pb1ib006_s	0.015	0.068	0.093	0.317
H704_1535_030sN	0.121	0.331	0.118	0.304
H704_0944_180_RE_cs	0.008	0.037	0.069	0.278
V703_1298_080_RE_pb1ib002_s	0.100	0.630	0.090	0.257
V703_3000_090_RE_pb1ib001_s	0.010	0.020	0.069	0.249
H703_0514_150Es_A4_V02_028	0.010	0.040	0.037	0.142
V703_0458_260_RE_sga6H5_s	0.025	0.110	0.047	0.088
H704_0855_080_EsN	0.006	0.025	0.031	0.076
V703_1915_250_RE_sgaA3_s	0.090	0.310	0.021	0.073
GeoMean IC _{50/80} of neutralized (µg/ml)	0.084	0.287	0.839	1.907
Breadth (%)	98	96	83	69

Figure 8 (continued)

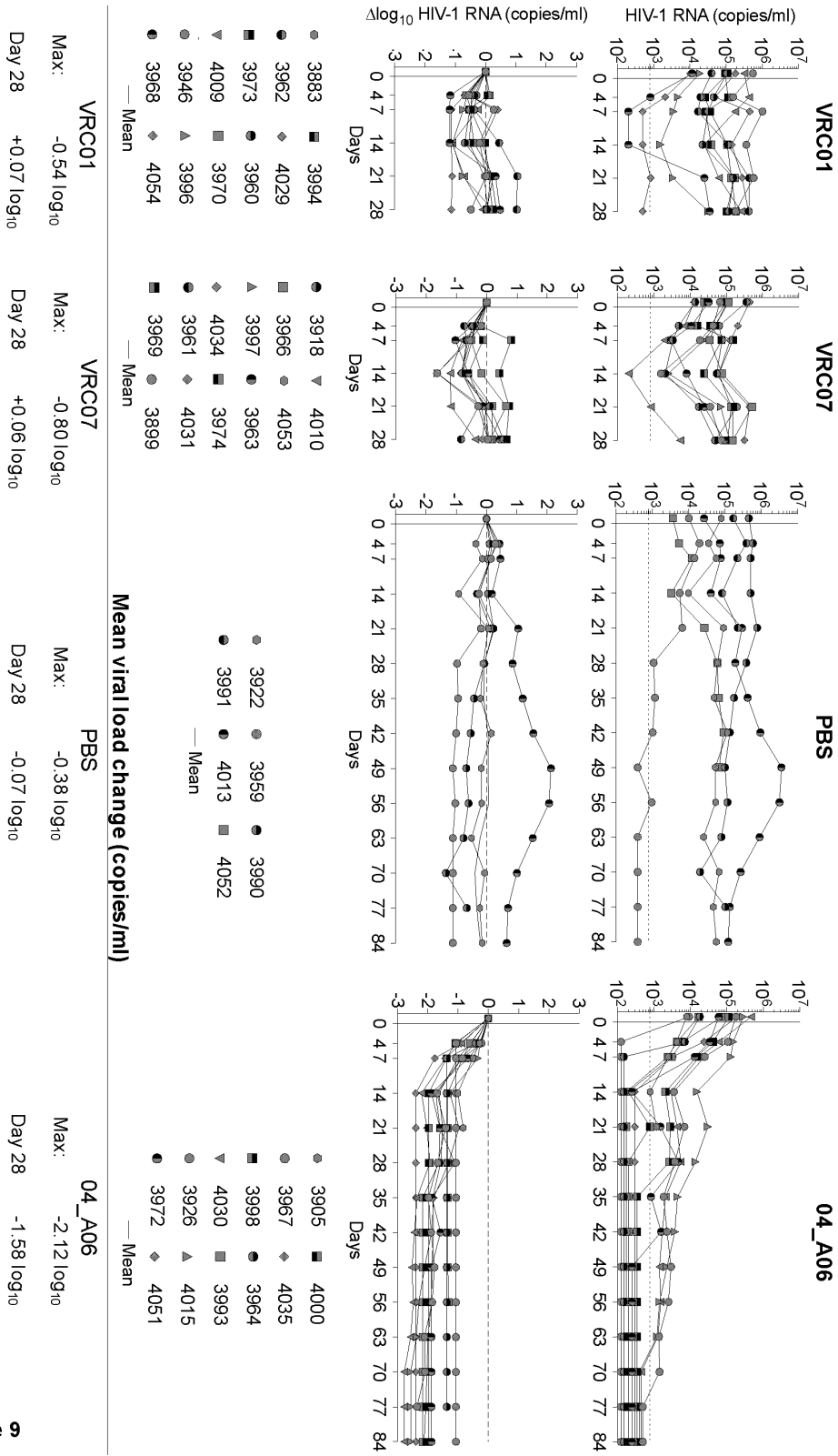


Figure 9

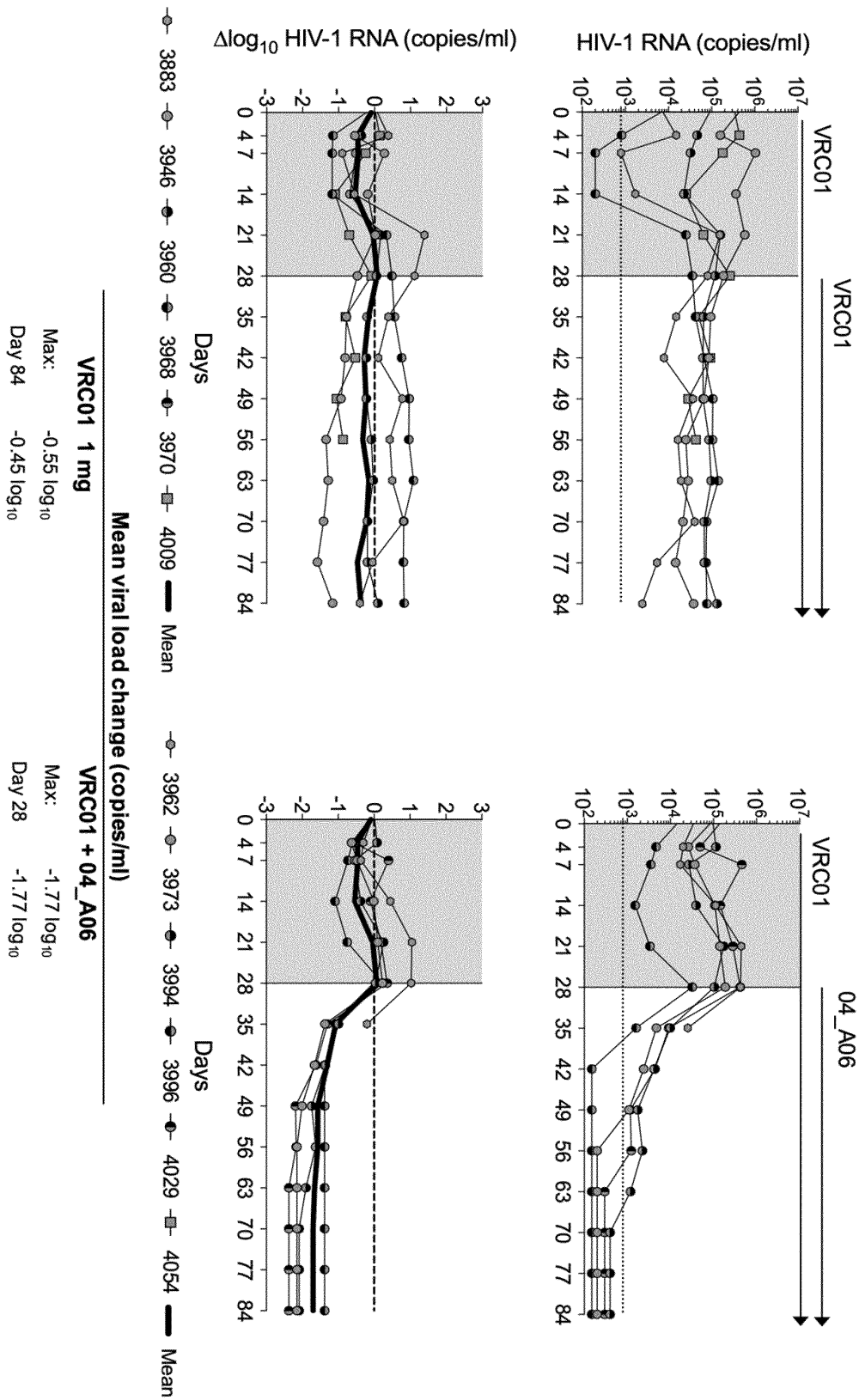


Figure 10