

Seq
SEQUENCE LISTING

<110> Yan, Hai
He, Yiping
Yang, Rui
Diplas, Bill H
Hansen, Landon
Bigner, Darell

<120> methods for reapid and sensitive
detection of hotspot mutations

<130> 000250.00218

<150> 62/014197
<151> 2014-08-14

<160> 29

<170> FastSEQ for windows Version 4.0

<210> 1
<211> 16
<212> DNA
<213> Artificial sequence

<220>
<223> Primer

<400> 1
ctgggagggc ccggag 16

<210> 2
<211> 16
<212> DNA
<213> Artificial sequence

<220>
<223> Primer

<400> 2
ctgggagggc ccggaa 16

<210> 3
<211> 19
<212> DNA
<213> Artificial sequence

<220>
<223> Primer

<400> 3
gtcctgcccc ttcaccttc 19

<210> 4
<211> 16
<212> DNA
<213> Artificial sequence

<220>
<223> Primer

<400> 4
cccgtcccga cccctc 16

<210> 5

Seq

<211> 16
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 5
 cccgtcccga cccctt 16

 <210> 6
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 6
 caggaaacag ctatgaccga gcgctgcctg aaactc 36

 <210> 7
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 7
 gggtaaaacc tatcatcata ggtcg 25

 <210> 8
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 8
 gggtaaaacc tatcatcata ggtca 25

 <210> 9
 <211> 24
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 9
 aacatgcaaa atcacattat tgcc 24

 <210> 10
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> Primer

 <400> 10
 caggaaacag ctatgaccat cccccggctt gtgagt 36

 <210> 11
 <211> 20
 <212> DNA

Seq

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 11

aagcccatca ccattggcag

20

<210> 12

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 12

aagcccatca ccattggcaa

20

<210> 13

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 13

aggtcagtgg atcccctctc

20

<210> 14

<211> 38

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 14

caggaaacag ctatgaccgg accaagccca tcaccatt

38

<210> 15

<211> 24

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 15

gggtaaaacc tatcatcata gggtt

24

<210> 16

<211> 24

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 16

gggtaaaacc tatcatcata ggtg

24

<210> 17

<211> 24

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

Seq

<220>		
<223> Primer		
<400> 17		
gggtaaaacc tatcatcata ggta	24	
<210> 18		
<211> 25		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 18		
gggtaaaacc tatcatcata ggtct	25	
<210> 19		
<211> 20		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 19		
aagcccatca ccattggcat	20	
<210> 20		
<211> 19		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 20		
aagcccatca ccattggcg	19	
<210> 21		
<211> 19		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 21		
aagcccatca ccattggct	19	
<210> 22		
<211> 9		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 22		
cgggtcccc	9	
<210> 23		
<211> 8		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		

Seq

<400> 23 ggcccagc	8
<210> 24 <211> 9 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 24 atgacttac	9
<210> 25 <211> 19 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 25 ttgatcccca taagcatga	19
<210> 26 <211> 22 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 26 tcactcaaag ccgctcaact ac	22
<210> 27 <211> 24 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 27 tctgccttca tttcgttatg tacc	24
<210> 28 <211> 18 <212> DNA <213> M13	
<400> 28 tgtaaaacga cggccagt	18
<210> 29 <211> 18 <212> DNA <213> M13	
<400> 29 caggaaacag ctatgacc	18