

SEQUENCE LISTING

<110> Julius-Maximilians-Universität Würzburg

<120> A method for high level and stable gene transfer in lymphocytes

<130> 192305

<150> EP 15002732.4

<151> 2015-09-22

<150> EP 16153490.4

<151> 2016-01-29

<160> 24

<170> PatentIn version 3.5

<210> 1

<211> 36

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> L(+) primer

<400> 1

gtaatacgac tcactatagg gctccgctta agggac

36

<210> 2

<211> 17

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> L(-)FspBI primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (17)..(17)

<223> n is g-AMINO

<400> 2

tagtccccta agcggan

17

<210> 3

<211> 19

<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Nested primer

<400> 3
agggctccgc ttaaggac 19

<210> 4
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Linker primer

<400> 4
gtaatacgac tcactatagg gc 22

<210> 5
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> T_Bal rev primer

<400> 5
gaattgtgat acagtgaatt ataagtg 27

<210> 6
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> T_Bal primer

<400> 6
cttgtgtcat gcacaaagta gatgtcc 27

<210> 7
<211> 36
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
 <223> T_Bal_long primer
 <400> 7
 cttgtgtcat gcacaaagta gatgtcctaa ctgact 36

<210> 8
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> LAM_SB_50 primer
 <400> 8
 agttttaatg actccaactt aagtg 25

<210> 9
 <211> 89
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> SB20h-bc-ill-N primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (59)..(64)
 <223> nnnnnn is a TRUSEQ-ILLUMINA-INDEX barcode DNA sequence

<400> 9
 aatgatacgg cgaccaccga gatctacact ctttcctac acgacgtct tccgatctnn 60

nnnncttaag tgtatgtaaa cttccgact 89

<210> 10
 <211> 64
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> PE-nest-ind1-N primer

<220>

<221> misc_feature
 <222> (25)..(30)
 <223> nnnnnn is a reverse complement DNA sequence of a
 TRUSEQ-ILLUMINA-INDEX sequence

<400> 10
 caagcagaag acggcatacg agatnnnnnn gtgactggag ttcagacgtg tgctcttccg 60
 atct 64

<210> 11
 <211> 59
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Linker_Truseq_T+ primer

<400> 11
 gtaatacgac tcactatagg gctccgctta agggactcag acgtgtgctc ttccgatct 59

<210> 12
 <211> 17
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Linker_Truseq_T- primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (17)..(17)
 <223> n is g-AMINO

<400> 12
 gatcggaaga gcacacn 17

<210> 13
 <211> 64
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> PE_NEST_IND6 primer

<400> 13

caagcagaag acggcatacg agatattggc gtgactggag ttcagacgtg tgctcttccg 60

atct 64

<210> 14

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> PE_NEST_IND7 primer

<400> 14

caagcagaag acggcatacg agatagtctg gtgactggag ttcagacgtg tgctcttccg 60

atct 64

<210> 15

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> PE_NEST_IND8 primer

<400> 15

caagcagaag acggcatacg agattcaagt gtgactggag ttcagacgtg tgctcttccg 60

atct 64

<210> 16

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> CAR-Fwd primer

<400> 16

atctggatgt cggggatcag 20

<210> 17

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>
<223> CAR-probe oligonucleotide

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> n is FAM-A

<220>
<221> misc_feature
<222> (20)..(20)
<223> n is T-BH1

<400> 17
ngcagcatgg tggcggcgcn 20

<210> 18
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> CAR-Rev primer

<400> 18
gcttgctcaa ctctacgtct 20

<210> 19
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> MC-Fwd primer

<400> 19
ccgaccttaa tgcgccctc 18

<210> 20
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> MC-probe oligonucleotide

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1)
<223> n is FAM-G

<220>
<221> misc_feature
<222> (27)..(27)
<223> n is T-BH1

<400> 20
ncgctgtagc ctcacgcca catatgn

27

<210> 21
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> MC-Rev primer

<400> 21
aggattaaat gtcaggaatt gtgaa

25

<210> 22
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> RPP30-Fwd primer

<400> 22
ggttaactac agctcccagc

20

<210> 23
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> RPP30-probe oligonucleotide

<220>
<221> misc_feature

<222> (1)..(1)
<223> n is HEX-T

<220>
<221> misc_feature
<222> (24)..(24)
<223> n is C-BH1

<400> 23
nggacctgcg agcgggttct gacn 24

<210> 24
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> RPP30-Rev primer

<400> 24
ctgtctccac aagtccgc 18